







ANDRÉS IRIARTE ODINI Licenciado

airiarteo@gmail.com http://www.higiene.edu.uy/d dbp/Andres/

SNI

Ciencias Naturales y Exacta s / Ciencias Biológicas Categorización actual: Nivel II (Activo)

Fecha de publicación: 22/02/2024 Última actualización: 22/02/2024

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Medicina / Dpto. de desarrollo Biotecnológico Instituto de Higiene. / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Medicina / Sector Educación Superior/Público

Dirección: Av. Alfredo Navarro 3051 / 11600

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (2) 24871288

Correo electrónico/Sitio Web:airiarteo@gmail.com http://www.higiene.edu.uy/ddbp/lbc/

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2010 - 2013)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Evolución del sesgo selectivo en el uso de codones sinónimos y aminoácidos

Tutor/es: Héctor Musto Obtención del título: 2013

Universidad de la República / Comisión Académica de Posgrado, Uruguay

Palabras Clave: Uso de Codones inferencia bayesiana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía Celular, Microbiología / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía y Biológía de la Evolución / Evolución Molecular

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2007 - 2009)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Estudio de patrones genómicos en organismos totalmente secuenciados miembros de la clase Mollicute, con especial énfasis en el orden Mycoplasmatales Promedio de aprobaciones = 10

Tutor/es: Hector Musto Obtención del título: 2009

Palabras Clave: Uso de Codones Genómica Bio-informática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2000 - 2007)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Búsqueda de Selección Molecular en el ADN mitocondrial de roedores Subterráneos Promedio de aprobaciones = 8 Promedio general = 6.48

Tutor/es: Ivanna Tomasco Obtención del título: 2007

Palabras Clave: Roedores Subterráneos ADN mitocondrial Selección Molecular

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Formación complementaria

CONCLUIDA

POSDOCTORADOS

ANÁLISIS GENÓMICO DE NUEVAS ESPECIES DE B-RIZOBIOS AISLADAS EN URUGUAY (2013 - 2016)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable, Uruguay

Palabras Clave: Bacterias fijadoras de nitrógeno

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Gestión de la Comunicación Organizacional (07/2023 - 07/2023)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Instituto de Capacitación y Formación José Jorge "Tito" Martínez Fontana , Uruguay

10 horas

Palabras Clave: Comunicación organizacional y estratégica Gestión administrativa Diagnóstico Liderazgo

Areas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Comunicación y Medios / Comunicación de Medios y Socio-cultural /

Integración y conformación de equipos de trabajo (06/2023 - 06/2023)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Pro Rectorado de Gestión Administrativa , Uruguay

12 horas

Palabras Clave: Conformación de equipos de trabajo Conflictos y resolución de conflictos Liderazgo

Liderazgo y Gestión de Recursos Humanos (06/2022 - 07/2022)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Veterinaria / Educación Permanente , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Liderazgo y Motivación Trabajo en equipo Comunicación organizacional efectiva Areas de conocimiento:

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades /

Liderazgo y desarrollo de habilidades blandas (05/2022 - 05/2022)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Veterinaria / Educación Permanente , Uruguay

25 horas

Palabras Clave: Liderazgo y Motivación Trabajo en equipo Comunicación organizacional efectiva Areas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Economía y Negocios / Negocios y Administración /

Ciencias Sociales / Psicología / Psicología especial / Liderazgo

Reconstrucción y análisis de redes metabólicas en la era postgenómica (01/2015 - 01/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay 25 horas

Palabras Clave: Análisis de genomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Biology of bacterial non-coding RNAs, EMBO COURSE (01/2014 - 01/2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional de Quilmes , Argentina 40 horas

Palabras Clave: Regulation prokaryotes small RNAs

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Pioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / ncRNA

Curso básico de tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs (01/2011 - 01/2011)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Palabras Clave: IncRNA, RNAmisc

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Next Generation Sequencing (NGS) data analysis (punto focal de Montevideo de UNU-BIOLAC, la Facultad de de Ciencias y el INIA) (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay 39 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

$Computational\ Methods\ for\ Next-generation\ Sequencing\ Data\ and\ Transcriptomics\ (Maestría\ en\ Bioinformática)\ (01/2010\ -\ 01/2010)$

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Transcriptómica Secuenciación

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

The First Joint Pasteur Institute/Welcome Trust Course on Genomics in S. Am (01/2006 - 01/2006)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay 60 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológica y Biológía de la Evolución / Genómica

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Pasantía Postdoctoral, Lab. Dr. Federico Hoffmann, MISSISSIPPI, EEUU (2019)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Department of Biochemistry and Molecular Biology. Mississippi State University., Estados Unidos

Palabras Clave: Análisis de filomas e integración de datos de expresión al análisis de familias multigénicas.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Comparativa

Pasantía postdoctoral. Alfonso Valencia, Lab. Barcelona Supercomputing Center, Barcelona, España. (2018)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Alfonso Valencia, Lab., España

Palabras Clave: Reconstrucción de modelos metabólicos a escala genómica Biología de Sistemas Salmonella enterica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica y Biología de Sistemas

II Reunión Argentina de Biología de ARNs no codificantes (2018)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Universidad Nacional de Quilmes / Universidad Nacional de Buenos Aires / CONICET, Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Primera Jornada Argentina de Biología de ARN no codificantes (2017)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Universidad Nacional de Quilmes, Bernal & A.A.M., Argentina

Palabras Clave: ARNs no codificantes Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

EMBO workshop? Evolution in the time of genome architecture? (2017)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: EMBO, Italia

Palabras Clave: Chromosome architecture regulation of gene expression. New perspectives on

genome evolution Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Pasantía postdoctoral. Francisco Penagaricano Lab., UF, Gainesville, USA. (2016)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Department of Animal Sciences, University of Florida, Estados Unidos Palabras Clave: Candidate Genes SNP association studies Bull fertility Generalized linear mixed models

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

PASANTÍA POSTDOCTORAL: Análisis de sistemas metabólicos sumando datos de expresión. Laboratorio de Biología de Sistemas y Epigenómica Prof. Dr. Arndt Benecke. (2015)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Institut de Biologie Paris Seine, Universite Pierre & Marie Curie, Paris, Francia

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología de Sistemas,

Modeling and data analysis for the Healthy Human Global project-Research Camp (2015)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Institut Pasteur, Uruguay

Palabras Clave: Data Analysis Genomics NGS

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional

PASANTÍA POSTDOCTORAL, Lab. Dr. Hasan Khatib, WISCONSIN, EEUU. (2014)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Animal Science Dpt., University of Wisconsin-Madison, Estados Unidos Palabras Clave: RNAseg resistencia a la insulina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica

PASANTÍA POSTDOCTORAL, Lab. Dr. Federico Hoffmann, MISSISSIPPI, EEUU. (2013)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Department of Biochemistry and Molecular Biology. Mississippi State

University., Estados Unidos

Palabras Clave: Evolución Molecular Bioinformatica Genómica Comparativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

PASANTÍA Lab. de Genómica Animal del Departamento de Ciencia Animal, UC-DAVIS (2011)

Tipo: Otro

Institución organizadora: UNIVERSITY OF CALIFORNIA, DAVIS, Estados Unidos

Palabras Clave: Transcriptómica RNA-seg Bovino

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

International Society for Computational Biology Regional Latin American Meeting (ISCB-LA) (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: International Society for Computational Biology, Uruguay

Palabras Clave: Genómica Bioinformática.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional

¿Por qué, cómo y donde publicar artículos científicos? Seminario para Autores (2010)

Tipo: Seminario

Institución organizadora: Elsevier America Latina, Uruguay

Taller de Genómica: desde los microarrays al secuenciado masivo (2009)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Unidad de Gestión Científica, IP Montevideo, Uruguay

Palabras Clave: Genómica Bio-informática Microarrays

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

,

Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética. (2008)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Genética., Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética

1era. Jornada Uruguaya de Bioinformática (Local), JUBiLo 08 (2008)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Instituto Pasteur de Montevideo., Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Bioinformática

XXXV Congreso Argentino de Genética. (2006)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Universidad Nacional de San Luis. San Luis., Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética

Aplicaciones del ADN mitocondrial al estudio de la diversidad genética. (2006)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Universidad Nacional de San Luis. San Luis., Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética

2° Simposio Internacional sobre enfermedades priónicas en el animal y el hombre (2005)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Facultad de Ciencias, UDELAR, Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética

VIII. Jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay. (2005)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Zoológica del Uruguay., Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología /

Idiomas

Inglés

Entiende muy bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (06/2020 - a la fecha) Trabajo relevante

Investigador Gr.4 10 horas semanales

Otro (06/2014 - 06/2020)

Investigador Gr.3 10 horas semanales

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Ciencias Biológicas (03/2017 - a la fecha)

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Introducción a la línea de comandos y a la programación para análisis bioinformáticos, 60 horas,

Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica & Bioinformática

Ciencias Biológicas (04/2017 - a la fecha)

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Genómica Evolutiva y Estructural, 60 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Biológicas (12/2016 - 12/2016)

Maestría

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Aplicaciones de la secuenciación masiva a los estudios evolutivos y ecológicos en eucariotas, 30

horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Ciencias Biológicas (11/2015 - 12/2015)

Maestría

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Pautas para la formulación de un proyecto de investigación en ciencias biológicas, 30 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro Suplente Comisión Maestría Bioinformática (Representando al área Biología) (06/2019 - a la fecha)

Participación en consejos y comisiones 2 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Miembro titular Comisión Maestría Bioinformática (Representando al área Biología) (04/2017 - 05/2019)

Participación en consejos y comisiones 3 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Medicina / Instituto de Higiene

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (10/2019 - a la fecha) Trabajo relevante

Profesor Agregado 40 horas semanales / Dedicación total

Escalafón: Docente Grado: Grado 4 Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (05/2016 - 10/2019)

Profesor Adjunto 30 horas semanales / Dedicación total

Escalafón: Docente Grado: Grado 3 Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (11/2013 - 04/2016)

Prof. Adjunto 20 horas semanales Escalafón: Docente

Grado: Grado 3 Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Genómica Evolutiva y Funcional de Platelmintos (02/2011 - a la fecha)

The study of genomes confirmed that duplication is a powerful evolutionary mechanism, generating raw material for the acquisition of new functions in the cell. In many cases the increase of copies in a family of genes has proven to be the result of an adaptive process. I have studied the evolution of gene families in platyhelminthes and other phyla. Studies mainly include transcriptomic and phylogenetic analyzes, gene structure identification, protein 3D prediction and molecular distances estimations

Fundamental

20 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico, Coordinador o Responsable Equipo: Andrés IRIARTE ODINI

Genómica Comparativa y Funcional de Patógenos Bacterianos (04/2013 - a la fecha)

One of the main goals of comparative genomics is the elucidation of the genetic basis of the phenotypic differences among species and strains. The genomic approach is of particular importance when analyzing complex phenotypes that depends on a combination of several genetic elements, such as pathogenicity, virulence or symbiosis. The genomic variability may include several levels (rearrangements, presence/absence of genes, indels or single nucleotide variants). I study these genomic traits and its evolutionary dynamics in pathogenic and nonpathogenic bacteria, including clinical and environmental isolates of Salmonella, Acinetobacter and Shewanella, among other.

Mixta

10 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico, Coordinador o Responsable Equipo: Andrés IRIARTE ODINI

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

ANII:FCE-2016: Evolución de familias multigénicas codificantes para proteínas de secreción en el phylum Platyhelminthes. (03/2017 - a la fecha)

Los platelmintos parásitos presentan generalmente ciclos complejos, involucrando hospedadores variados, incluyendo humanos y especies ganaderas y por esto tienen gran impacto en salud humana y animal. Ejemplos de especies de este grupo son: Echinococcus granulosus, Schistosoma mansoni y Fasciola hepatica, entre otros. Estos organismos han sido estudiados profundamente en su biología, pero en términos relativos a su impacto faltaría mucho por hacer. Las aproximaciones genómicas y computaciones han jugado un rol fundamental para seguir la investigación a bajo costo. Actualmente existen genomas de varias especies que se encuentran disponibles y también hay información sobre el nivel de expresión de los genes. El estudio de los genomas ha confirmado que la duplicación es un mecanismo evolutivo poderoso, generador de materia prima para la adquisición de nuevas funciones en la célula. En muchos casos se ha probado que el propio aumento de copias en una familia de genes es el resultado de un proceso adaptativo. Los resultados preliminares sugieren un rol importante de la selección natural en la evolución de los ciclos complejos en muchos platelmintos y especialmente en algunas genes codificantes para proteínas de secreción exocrinas. Mediante una aproximación genómica comparativa y funcional, se propone identificar genes y familias involucrados en el proceso adaptativo en los diferentes estadios del ciclo de distintas especies (incluyendo aspectos relacionados al nicho y a sus hospedadores intermediarios y finales) y cuantificar el efecto de la selección natural operando a nivel de secuencias y sobre el proceso de duplicación en distintos linajes del phylum.

20 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero Equipo: Andrés IRIARTE ODINI

8

Palabras clave: Cestoda Trematoda Parásitos Candidatos vacunales proteínas excretadas péptidos antimicrobianos Genómica Comparativa y Funcional

CSIC:I+D-2016: Genómica evolutiva y funcional de Salmonella enterica, rol de la regulación mediada por ARNs no codificantes pequeños en la patogenicidad diferencial observada en distintos linajes. (04/2016 - a la fecha)

Salmonella enterica es un patógeno de aves y mamíferos, que se distribuye mundialmente y que tiene un impacto considerable en la salud humana y animal, siendo el principal agente causal de infecciones transmitidas por alimentos. Los distintos serotipos dentro de la especie presentan diferencias importantes en el potencial epidémico, la virulencia y la patogenicidad. Las bases genéticas de estas diferencias no se entienden por completo, probablemente porque son el resultado de una combinación de múltiples cambios genéticos ocurridos a lo largo de la evolución. El análisis genómico y fenotípico de las cepas de Salmonella enterica es una de las líneas de investigación dentro el Departamento de Desarrollo Biotecnológico, en el Dpto. se dispone una base de datos con cientos de genomas de la especie, incluidos 200 de cepas aisladas en el Uruguay. Los ARN no codificantes pequeños (ARNncp) son una nueva clase de reguladores de la expresión génica, conservada en bacterias, tienen menos de 250 nucleótidos de longitud y actúan principalmente como ARN antisentido sobre múltiples ARN mensajeros blanco. Así afectan el proceso de traducción y/o la estabilidad de su ARN mensajero. El desarrollo de la secuenciación masiva y las estrategias genómicas han permitido apreciar el rol de estos elementos, involucrados en respuesta al estrés, regulación del metabolismo, regulación de la transferencia horizontal, control de la composición de la envoltura y virulencia en patógenos. A pesar de su rol relevante, hasta el momento pocos trabajos han abordado exclusivamente el estudio comparativo de los ARNncp y su red de ARNm blanco regulados en S. enterica. Menos aún son los trabajos que han investigado la posible asociación de las variaciones fenotípicas observadas entre los distintos linajes con la variabilidad genética asociada a los elementos que forman esta red regulatoria. Este proyecto se enmarca dentro del área de la Genómica, subáreas Genómica Comparativa y Funcional. Mediante el uso de herramientas bioinformáticas el proyecto propone estudiar la evolución y la variablidad de los ARNncp y ARNm, dentro y entre serotipos. Además, el proyecto propone, mediante análisis transcriptomicos, estudiar el rol funcional de los ARNncp y sus genes blancos en las diferencias fenotípicas observadas entre cepas de serotipos Dublin y Enteritidis. Se estudiaran los perfiles transcripcionales de las cepas en ensayos de invasibilidad, supervivencia en clara de huevo y movilidad. El proyecto propuesto contribuirá en varios aspectos: i) permitirá identificar actores moleculares posiblemente responsables de las diferencias fenotípicas entre los serotipos de este importante patógeno transmitido por alimentos, ii) complementará los estudios que se desarrollan actualmente en el Departamento en S. enterica, iii) consolidará el desarrollo de una línea de trabajo liderada por un investigador joven y iv) contribuirá a la formación de recursos humanos en el área de genómica y la biología computacional.

20 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Andrés IRIARTE ODINI

Palabras clave: Enterobacteria Bases genéticas de la patogenicidad & virulencia

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Funcional y Comparativa

CSIC:I+D 2018: Estudio de asociación del genoma completo (GWAS) en E. coli: una aproximación original en la búsqueda de marcadores genéticos asociados al patotipo productor de la toxina Shiga (STEC). (03/2018 - a la fecha)

Por cambios genéticos ciertas cepas de E. coli han dejado de ser comensales para pasar a ser patógenos. De acuerdo a los mecanismos patogénicos involucrados se reconocen distintos patotipos, uno de ellos es el STEC, patotipo productor de toxinas Shiga (Stxs). Las infecciones por STEC ocurren a cualquier edad pero en niños menores de cinco años pueden llegar a producir procesos severos como colitis hemorrágica (CH) o síndrome urémico hemolítico (SUH), el cual puede ser mortal en la etapa aguda o dejar secuelas a largo plazo. No hay tratamiento específico

para la infección por STEC en seres humanos e incluso el uso de algunos antibióticos durante la fase diarreica puede aumentar las chances de desarrollar complicaciones severas como SUH o PPT, Es asi que la estrategia más efectiva hasta el momento es la prevención de la infección. Por otro lado, la presencia de STEC en carnes uruguayas destinadas a la exportación a mercados como el europeo, constituye una importante causa de alertas e incluso ha generado rechazos de los productos que se traducen en pérdidas económicas muy significativas importantes. En ambos casos el diagnóstico de la presencia de este patógeno es fundamental. Según los métodos validados y utilizados, ya sea en la clínica, en alimentos y en ganado, se presenta la problemática de que se debe asegurar la presencia únicamente de los genes stx y eae para así establecer la capacidad patogénica de la cepa. Sin embargo, recientemente se han comenzado a identificar, a nivel mundial, cepas stx positivas y eae negativas que tienen la capacidad patogénica, por lo tanto pensar solo en estos genes a la hora de realizar un screening tiene claras desventajas para evaluar la capacidad patogénica potencial de los cultivos involucrados. En este proyecto se propone una estrategia basada en análisis in-silico para la detección de marcadores genéticos asociados al patotipo STEC. Se implementará la técnica GWAS sobre genomas libremente disponibles, buscando kameros que estén asociados con: 1) el patotipo STEC y 2) el fenotipo STEC invasivo. Se estimará un nivel de confianza de la asociación, un nivel de confianza para la predicción del patotipo en base a la combinación de múltiples marcadores y se identificarán linajes mayormente asociados a las características. La aproximación propuesta en este proyecto incluye además la búsqueda de marcadores en las regiones regulatorias, ARNs no codificantes pequeños y otros marcadores, que a pesar de ser relevantes para la patogenicidad y virulencia en patógenos bacterianos no son muy estudiados. Finalmente utilizando un banco de cepas locales y mediante la secuenciación de genomas completos y/o amplificación/secuenciación de regiones identificadas se procederá a validar las predicciones en cepas aisladas de Uruguay.

10 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Andrés IRIARTE ODINI

Grupos-CSIC: Evaluación genómica y proteómica de dos serovariedades de Salmonella enterica subespecie enterica con comportamientos patogénicos diferenciales (04/2013 - a la fecha)

Genómica gomparativa y evolutiva

10 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Desarrollo

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:2

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: BETANCOR L. (Responsable), YIM L., CHAVALGOITY, A., DALESSANDRO B.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

ANII:MOV_CO: Caracterización de factores celulares involucrados en la biorremediación de compuestos orgánicos por aislamientos del género Shewanella (08/2016 - a la fecha)

La creciente contaminación en el mundo es un grave problema con severas consecuencias a largo plazo. Las principales fuentes de contaminación del agua causada por la mano del hombre incluyen la minería, la industria, la ganadería y agricultura y las sustancias químicas para uso agrícola. En particular, el tratamiento y descarte de residuos industriales requiere de procesamientos complejos que eleva los costos de los productos finales. Debido a esto, existe un interés generalizado para el desarrollo de procesos de biorremediación, los cuales aprovechan las capacidades de diversos microorganismos para la recuperación de nichos ecológicos. Shewanella spp. es una bacteria gram-negativas del orden de las gammaproteobacterias que posee un gran potencial para su aplicación en bioremediación, así como también, para la generación de energía.

Shewanella se encuentra comúnmente en medios acuáticos y sedimentos preferentemente marinos. Para ser competitiva en este entorno y responder a la baja disponibilidad de recursos, Shewanella posee un sistema de regulación complejo y de robustos sensores, que pueden ser aplicados tanto en los procesos de degradación de compuestos como de producción de energía. Sin embargo, el estrés generado por diversos factores externos promueve nuevos arreglos en el genoma bacteriano, mediados por la gran variedad de elementos móviles que poseen. La relación que existe entre la versatilidad de este microorganismo para adaptarse y sobrevivir frente ambiente adverso y su capacidad de adquirir y mantener elementos móviles aún no ha sido estudiada. El objetivo de este proyecto es caracterizar el pangenoma de Shewanella spp. a partir de aislamientos recolectados de sedimentos marinos de Antártida, caracterizar los procesos y factores celulares involucrados en la degradación de compuestos orgánicos y determinar el papel que juegan los elementos móviles en la evolución y adaptación de esta bacteria a cambios ambientales y presiones externas.

5 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Argentina, Apoyo financiero

Equipo: Leticia María DIANA SÁNCHEZ, PARMECIANO G., QUIROGA C. (Responsable), MAC CORMACK W.P., VáZQUEZ S.C.

Palabras clave: Gammaproteobacterias biocorrección

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

DOCENCIA

Carrera de Doctor en Medicina (10/2014 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

 $He matología e Inmunología - CBCC6 \ Auto-matriculación, 4 horas, Teórico-Práctico$

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud /

Carrera de Doctor en Medicina (03/2015 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Bases Inmunológicas de la Vacunación, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología de la Salud /

Biología del Desarrollo (PEDECIBA) (08/2018 - 09/2018)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

V ESCUELA REGIONAL DE MICROBIOLOGÍA: ?Conociendo al enemigo: herramientas para el estudio de las interacciones entre bacterias patógenas y sus hospederos?, 60 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Funcional

Doctor en Ciencias Médicas (05/2014 - 11/2016)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Metodología Científica II, 4 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas /

EXTENSIÓN

(12/2013 - 12/2013)

CERP-Maldonado, Red Latinoamericana de Ciencias Biológicas (RELAB)

10 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Bioinformática

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro Sub-comisión Biología y Salud, Comisión Académica de Posgrado, UdelaR (10/2018 - a la fecha)

Comisión Académica de Posgrado, UdelaR Participación en consejos y comisiones 5 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Miembro Titular Comisión Directiva Instituto de Higiene (& Director Interino) (03/2018 - a la fecha)

Instituto de Higiene Participación en cogobierno 5 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas /

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Veterinaria

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (10/2010 - a la fecha)

Docente, Programa de Posgrados Fvet 5 horas semanales

2012 - Actual Docentes Asociado del programa de Posgrados de la Universidad de la República, Facultad de Veterinaria 2010 - 2012 Integrante del Núcleo de Especializaciones del Programa de Posgrados de la Universidad de la República, Facultad de Veterinaria, en calidad de Docente.

Escalafón: Docente Grado: Grado 1 Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (10/2004 - 09/2013)

Ayudante del Área Genética 20 horas semanales

Escalafón: Docente Grado: Grado 1 Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudio in silico del genoma de animales domésticos. Identificación y análisis de familias génicas de interés. (02/2011 - 12/2014)

Genómica Comparativa

5 horas semanales

Área Genética, Depto. de Genética y Mejora Animal., Coordinador o Responsable

Equipo: Andrés IRIARTE ODINI Palabras clave: Bioinformatica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica de animales domésticos

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Análisis de la expresión diferencial de genes y sus asociaciones en cortes de diez músculos de cordero con alto valor comercial (02/2012 - 11/2018)

RNA-sea

8 horas semanales

Facultad de Veterinaria, Área Genética, Depto. Genética y Mejora Animal

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ARMSTRONG E. (Responsable), Peñagaricano F.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Estudio in silico del genoma de animales domésticos. Identificación y análisis de familias génicas de interés productivo, reproductivo y sanitario (02/2011 - 12/2013)

Genómica Comparativa. Evolución molecular.

5 horas semanales

Facultad de Veterinaria, Área Genética, Depto. Genética y Mejora Animal

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Equipo: Andrés IRIARTE ODINI

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Enfoque genético en el estudio de los reordenamientos cromosómicos en bovinos. Su asociación con problemas reproductivos y evolutivos (10/2006 - 10/2009)

Enfoque genético para el estudio de los reordenamientos cromosómicos asociados a problemas reproductivos y evolutivos.

20 horas semanales

Instituto de Produción Animal, Área Genética

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:3

Equipo: LLAMBÍ S., POSTIGLIONI A. (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Cito-genética

Análisis del ADN mitocondrial para el estudio de relaciones filogenéticas del Ganado Criollo Uruguayo. (01/2007 - 01/2009)

Actualmente las poblaciones de bovinos Criollos sudamericanos están siendo estudiadas para definir relaciones filogenéticas entre sí y con poblaciones de Europa y África del viejo continente. Se utiliza el análisis de secuencias de la región control (RC) del ADN mitocondrial (ADNmt), principalmente la región hipervariable D loop, como herramienta para entender los patrones filogeográficos de distribución de las reservas de ganado Criollo. Como resultados de estos y otros estudios se han generado cientos de secuencias de dicha región en bovinos Criollos y no Criollos pertenecientes a reservas de América del Sur y el resto del mundo que han permitido definir tiempos de divergencia, variabilidad y relaciones filogenéticas entre estas poblaciones. En el Uruguay, existe una reserva de bovinos Criollos en el Parque Nacional de San Miguel (33°40S; 53°38W) que hasta el momento no ha sido incluida en ningún estudio que determine sus relaciones filogenéticas con otras reservas sudamericanas. Dada la importancia de los recursos genéticos locales por la adaptación a las condiciones de nuestro país y el número de investigaciones que se realizan sobre dicha reserva, se hace actualmente imprescindible definir las relaciones filogenéticas de esta población a modo de contextualizar las investigaciones desde un punto de vista evolutivo y genético poblacional. En tal sentido, este proyecto pretende analizar la región control del ADN mitocondrial de animales pertenecientes a la reserva de bovino Criollo Uruguayo, único exponente de ganado típico local, que ha mostrado poseer un alto valor genético, en el marco de la caracterización y conservación de los recursos genéticos animales mundiales. 7 horas semanales

Instituto de Producción Animal, Área Genética

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Otra

Equipo:

Palabras clave: ADN mitocondrial Ganado Criollo Uruguayo Filogenia

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

DOCENCIA

Doctor en Medicina Veterinária (DMV) (05/2011 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

BIOINFORMÁTICA APLICADA A ANÁLISIS CELULARES Y MOLECULARES, 15 horas, Teórico-

Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica

Doctor en Medicina y Tecnología Veterinaria (10/2010 - 11/2013)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Genética. "Introducción a la Genómica", 3 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Doctor/a en Ciencias Veterinarias (Plan 1998) (03/2005 - 06/2013)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Curso Biología Molecular y Celular, Primer semestre, Unidad V. Dictado de la clase teórica

Regulación génica en procariotas y eucariotas., 4 horas, Teórico

Curso Genética General, Segundo semestre., 8 horas, Teórico-Práctico

Curso Biología Molecular y Celular, Primer semestre, Unidad V., 6 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Veterinaria

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Maestría en Salud / Nutrición / Reproducción y producción Animal (10/2011 - 12/2012)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Desmistificando la clonación, bioinformática y banco de datos en biología molecular, usando parásitos como modelo, 20 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Doctor en Medicina Veterinária (DMV) (05/2012 - 05/2012)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Biología Molecular y Celular, "Código genético y ADN mitocondrial", 2 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

(08/2008 - 08/2010)

Maestría

Asignaturas:

Aplicación de la Genética Molecular en Producción, Conservación, Sanidad y Reproducción Animal, 3 horas. Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Molecular Aplicada

(03/2005 - 03/2010)

Maestría

Asignaturas:

Citogenética y Evolución del PEDECIBA, Modulo Citogenética en Mamíferos Domésticos coordinada por la Dra. Alicia Postiglioni., 4 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Evolución Molecular

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Asociación Argentina de Microbiología

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (04/2018 - 04/2018)

40 horas semanales Curso intensivo

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Microbiología (04/2018 - 04/2018)

Doctorado

Responsable

Asignaturas:

Introducción a la Genómica Comparativa de Microorganismos, 40 horas, Teórico-Práctico Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - MINISTERIO DE EDUCACIÓN Y CULTURA - URUGUAY

Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2013 - 04/2016) Trabajo relevante

Investigador (contrato Postdoctorado) 40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

ANÁLISIS GENÓMICO DE NUEVAS ESPECIES DE B-RIZOBIOS AISLADAS EN URUGUAY (11/2013 - a la fecha)

Los rizobios son bacterias del suelo que fijan nitrógeno atmosférico solo después de haberse establecido endosimbióticamente en nódulos radiculares de leguminosas. Estas bacterias forman un conjunto filogenéticamente diverso distribuido dentro de las α y las β -poteobacterias, siendo los últimos los más recientemente descriptos y los menos estudiados. En Uruguay se han aislado un conjunto de β -rizobios pertenecientes a los géneros Cupriavidus y Burkholderia asociados a una especie del grupo de las Mimoseae: Parapiptadenia rigida (Angico). Algunas de estas cepas seguramente representan nuevas especies con propiedades únicas y una historia evolutiva

particular. Describir y entender los cambios linaje-específicos ocurridos en el genoma de diferentes rizobios es vital para entender cabalmente el proceso de fijación de nitrógeno en simbiosis, el cual a su vez, representa un activo importante para la productividad agrícola mundial, la economía agrícola y la sostenibilidad ambiental. En la presente línea de investigación nos planteamos una estrategia basada en herramientas bioinformáticas para estudiar propiedades genómicas de rizobios, haciendo especial hincapié en cepas de β -rizobios en general y en β -rizobios aislados en Uruguay en particular. Se pretende responder preguntas relacionadas con la organización, composición y evolución de los genomas que acompañan el pasaje evolutivo hacia la función bacteriana rizobio. El proyecto cuenta con 2 líneas que pueden desarrollarse de forma independiente. En primer lugar y haciendo uso de información actualmente disponible, se pretende lograr una caracterización a nivel de especie y completar estudios descriptivos y comparativos de genoma de dos aislamientos obtenidos en Uruguay y otros producidos principalmente por el proyecto GEBA-RNB. Una segunda línea de trabajo incluye la secuenciación y análisis de nuevas cepas aisladas en Uruguay. Los resultados generados impactarían en el entendimiento de este proceso biológico fundamental a nivel general y en particular en los poco estudiados β-rizobios. Además el proyecto generará información que permitirá plantearse nuevos experimentos, apuntalando líneas de investigación existentes y facilitando la formación de recursos humanos en el área específica de genómica y bioinformática.

40 horas semanales

Departamento de Bioquímica y Genómica Microbiana (BIOGEM), Coordinador o Responsable Equipo: SOTELO-SILVEIRA J., FABIANO E.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

GENÓMICA COMPARATIVA DE BETA-RIZOBIOS, CON ESPECIAL ENFASIS EN CEPAS AISLADAS EN URUGUAY (08/2014 - 03/2017)

Los rizobios son bacterias que fijan nitrógeno atmosférico después de haberse establecido endosimbióticamente en nódulos radiculares de leguminosas. Estas bacterias forman un conjunto filogenéticamente diverso ubicado dentro de las alfa y las beta-poteobacterias, siendo los últimos los menos estudiados. Describir y entender los cambios linaje-específicos ocurridos en el genoma de diferentes rizobios es fundamental para entender cabalmente el proceso de fijación de nitrógeno en simbiosis, el cual a su vez, representa un activo importante para la productividad agrícola mundial, la economía agrícola y la sostenibilidad ambiental. Este proyecto pretende responder preguntas vinculadas con la organización, composición génica y evolución del genoma en relación al pasaje evolutivo hacia la función bacteriana rizobio. Se toma una aproximación basada principalmente en el uso de herramientas bioinformáticas, analizando secuencias de genomas actualmente disponibles en bases de datos y otras de cepas aisladas en Uruguay generadas por el propio proyecto. Los resultados generados impactarían en el entendimiento de este proceso biológico fundamental, colaborando en el entendimiento de las bases genómicas del proceso, tanto a nivel general de los rizobios, como en el caso particular de los beta-rizobios y beta-rizobios aislados en Uruguay. Finalmente el proyecto generará información que permitirá plantearse nuevos experimentos, apuntalando líneas de investigación existentes y facilitando la formación de recursos humanos en el área específica de genómica y bioinformática.

20 horas semanales

Departamento de Bioquímica y Genómica Microbianas y Depto. Genómica

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: FABIANO E., SOTELO-SILVEIRA J.R., PLATERO R., RODRIGUEZ C.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

DOCENCIA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (10/2015 - 10/2015)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

IV ESCUELA REGIONAL DE MICROBIOLOGÍA: ?Diversidad microbiana: aspectos ecológicos y biotecnológicos?, 10 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica & Metagenómica

PEDECIBA (09/2013 - 10/2013)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

III ESCUELA REGIONAL DE MICROBIOLOGÍA, 2 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

EXTENSIÓN

(06/2014 - 06/2014)

Departamento de Bioquímica y Genómica Microbianas y Depto. Genómica 1 horas

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2013 - 11/2013)

Asistente de la Maestría en Bioinformática 20 horas semanales

Sección Biomatemática.

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (03/2008 - 09/2013)

Ayudante Sección Evolución y Sistemática. 20 horas semanales

Escalafón: Docente Grado: Grado 1 Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (03/2006 - 07/2007)

Ayudante Sección Evolución y Sistemática. 20 horas semanales

Escalafón: Docente Grado: Grado 1 Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (08/2005 - 02/2006)

Ayudante Sección Evolución y Sistemática. 20 horas semanales

Escalafón: Docente Grado: Grado 1 Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Evolución Molecular, Uso de Codones (03/2007 - a la fecha)

6 horas semanales

Sección Biomatemática, Lab. de Evolución y Organización del Genoma, Integrante del equipo Equipo:

Palabras clave: Uso de Codones

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía y Biológía de la Evolución / Evolución

Molecular

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Uso de codones sinónimos en virus (02/2011 - 12/2017)

Evolución Molecular.

3 horas semanales

Centro de Investigaciones Nucleares, Laboratorio de Virología Molecular

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Equipo: CRISTINA J., MUSTO H. (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución Molecular

Glutatión S transferasas en Echinococcus granulosus (02/2011 - 09/2013)

Evolución Molecular de GSTs en Echinococcus

2 horas semanales

Instituto de Higiene, Cátedra de Inmunología

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Equipo: Verónica FERNÁNDEZ MANCEBO (Responsable), LA ROCCA S., MUSTO H., Paula

ARBILDI TORRES

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Buscando las bases moleculares del plegamiento in vivo de proteínas de membrana en Aspergillus nidulans. (03/2010 - 03/2012)

3 horas semanales

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Bioquimica-Dpto. de B. Celular y Molecular //

Lab. Org. Evol. Genoma

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Equipo: SANGUINETTI M., MUSTO H., MARIN M., RAMON A. (Responsable)

Palabras clave: Uso de Codones Aspergillus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento

de proteinas de membrana eucariota

Evolución Molecular de Citocromo c y el Rol Funcional de Tirosina 67 (02/2011 - 02/2012)

2 horas semanales

Facultad de Medicina, Departamento de Bioquímica-CEINBIO

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Equipo: TÓRTORA V., RADI R. (Responsable), E.P.LESSA

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Proteasas Microbianas (02/2011 - 02/2012)

2 horas semanales

Facultad de Ciencias, Sección Bioquimíca

Investigación

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: HÉCTOR ROMERO, MARTÍNEZ-ROSALES C., CASTRO-SOWINSKI, S. (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Reconstrucción de Codones Optimos Ancestrales en Procariotas (03/2007 - 05/2010)

La mayoría de las investigaciones acerca del uso de codones sinónimos se han llevado a cabo en una única especie. No obstante, en los escasos estudios que se han hecho en más de una especie de grupos emparentados, se ha visto que los codones óptimos no siempre se mantienen, sino que algunos "aparecen" en determinadas especies y "desaparecen" en otras. Ahora, las preguntas surgen naturalmente: dado un grupo filogenéticamente emparentado; cuáles serían los codones óptimos del último ancestro común del grupo? ¿Qué patrones se observarían si, dentro del grupo, se procede a ir "mapeando" la aparición y desaparición de los codones óptimos en cada uno de los nodos internos?; Cómo son los patrones de coevolucion entre los diferentes codones optimos, aminoácidos con codones óptimos y tRNAs?¿Cómo van cambiando en los diferentes taxa y en los diferentes niveles taxonómicos? En definitiva, ¿cómo es el tempo y el modo de evolución de estas caracaterísticas? La extensión natural de esta idea es llegar a los mismos orígenes de la traducción ¿con los datos disponibles en este momento (genomas completamente secuenciados) es posible detectar los primitivos codones traduccionalmente óptimos? ¿Si esto es así, cuáles eran? En otras palabras, ¿cuáles eran los codones óptimos de LUCA? Este proyecto plantea aportar información para contestar estas preguntas a partir de la construcción de árboles filogenéticos construídos tomando como marcadores moleculares los genes ortólogos presentes en los procariotas completamente secuenciados para cada nivel de clasificación taxonómica elegido.

5 horas semanales

Lab. de Organización y Evolución del Genoma, Sección Biomatemática

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Especialización:2

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Equipo: ROMERO H., MUSTO H. (Responsable)

Palabras clave: Uso de Codones Reconstrucción de Caracteres Ancestrales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

DOCENCIA

Licenciatura en Ciencias Biológicas (05/2011 - 12/2014)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Taller de herramientas para el análisis de secuencias de ácidos nucleicos y aminoácidos, "Uso de Codones Sinónimos", 4 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Ciencias Biológicas (07/2008 - 06/2013)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Curso Evolución, Sexto semestre., 10 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Licenciatura en Ciencias Biológicas (03/2012 - 05/2012)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Biología Molecular, "Organización del Genoma Procariota", 2 horas, Teórico

Biología Molecular, "Código Genético", 2 horas, Teórico

Biología Molecular, "Uso de Codones Sinónimos", 2 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

PEDECIBA (12/2010 - 12/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Biología Molecular de Enfermedades Virales (Introducción a la teoría de coalescencia), 12 horas,

Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (09/2008 - 11/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Introducción a la Genómica Computacional Participación como docente de práctico con la clase Análisis de Codones Sinónimos, Uso del programa CodonW, 2 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Licenciatura Bioqímica/Ciencias Biológicas (10/2010 - 10/2010)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Evolución. "Evolución de las familias multigénicas", 3 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Familias multigénicas y CNV

Maestría en Bioinformática (10/2010 - 10/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Taller de Genómica Evolutiva, 6 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (03/2008 - 06/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Estructura, organización y evolución del genoma bacteriano, 3 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

PEDECIBA (04/2009 - 05/2009)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Transducción de señales en Fisiología Espermática: aspectos básicos y aplicados, 3 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva / Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (06/2005 - 02/2007)

Grado

Asignaturas:

Evolución, 8 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (08/2006 - 11/2006)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Evolución, Especiación parapátrida y cromosómica y Genómica comparativa de procariotas., 4 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

EXTENSIÓN

Lab. de Evolución. Proyecto de Popularización: (02/2009 - 02/2009)

CERP del suroeste (Colonia)

1 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Integrante del proyecto de Popularización La evolución biológica en la cultura moderna". Responsable Prof. Dr. E. P. Lessa. Aprobado y Financiado (ANII). (02/2011 - 12/2011)

Depto. Ecología y Evolución, Sección Evolución y Sistemática

1 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Integrante del proyecto "Elaboración de material audiovisual para el curso de Evolución" En la línea: Elaboración de Material Didáctico de la CSE-UDELAR Responsable Prof. Dr. E. P. Lessa. Aprobado y Financiado (02/2010 - 02/2011)

Depto. Ecología y Evolución, Sección Evolución y Sistemática

1 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro de la asamblea del claustro (Suplente) (05/2012 - 09/2013)

ASAMBLEA DEL CLAUSTRO FACULTAD DE CIENCIAS

Participación en cogobierno

Integrante de la Comisión de Adquisiciones del Instituto de Biología Facultad de Ciencias. (02/2012 - 12/2012)

Facultad de Ciencias, Instituto de Biología

Participación en consejos y comisiones

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Univ de Chile

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (11/2012 - 11/2012)

20 horas semanales

ACTIVIDADES

EXTENSIÓN

Curso Biología Molecular y Genómica para docentes de educación media (11/2012 - 11/2012)

Facultad de Medicina, Instituto de Ciencias Biomédicas - Programa de Biología Celular y Molecular 20 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 10 horas Carga horaria de investigación: 35 horas Carga horaria de formación RRHH: 10 horas Carga horaria de extensión: Sin horas Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

<>

One of the main goals of comparative genomics is the elucidation of the genetic basis of the phenotypic differences among species and strains. The genomic approach is of particular importance when analyzing complex phenotypes that depends on a combination of several genetic elements, such as pathogenicity, virulence or symbiosis. The genomic variability may include several levels (rearrangements, presence/absence of genes, indels or single nucleotide variants). I study these genomic traits and its evolutionary dynamics in pathogenic and nonpathogenic bacteria, including clinical and environmental isolates of Salmonella, Acinetobacter and Shewanella, among other.

The study of genomes confirmed that duplication is a powerful evolutionary mechanism, generating raw material for the acquisition of new functions in the cell. In many cases the increase of copies in a family of genes has proven to be the result of an adaptive process. I have studied the evolution of gene families in platyhelminthes and other phyla. Studies mainly include phylogenetic analyzes, gene structure identification, protein 3D prediction and molecular distances estimations.

< >

Codon usage bias (CUB) is the nonrandom usage of synonymous codons, which can be evidenced when comparing different genomes, genes and regions within genes. Different hypothesis have been proposed to explain CUB at these levels. In most organisms selection is likely to be the main force responsible for the preference for certain triplets in highly expressed genes and conserved regions. These preferred triplets, known as optimal codons, may be more efficient for the translation process. I have studied the evolutionary dynamics of optimal codon choices and CUB in a phylogenetic framework. Optimal codons choices are studied in relation to tRNA gene content, genomic composition and eco-physiological traits variations.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Applicability of DNA barcoding-based analyses on the diet of the gray brocket deer (Subulo gouazoubira) in xeric hillside forests (Completo, 2024)

COSSE, M., Bruno, Antonella, MANNISE, N., BOU, N., ZABALETA, MARÍA, JOSE M. BONIFACINO, CAMARGO, A., SMIRCICH, P., IRIARTE A., BRAZEIRO A

Therya, v.: 15 1, p.:51 - 58, 2024

Palabras clave: DNA metabarcoding food habits mammal neotropical cervids noninvasive species

identification trnL (UAA) Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Mexico

Escrito por invitación E-ISSN: 20073364

https://mastozoologiamexicana.com/therya/index.php/THERYA/article/view/5746

latindex

Truncated O-glycosylation in metastatic triple-negative breast cancer reveals a gene expression signature associated with extracellular matrix and proteolysis (Completo, 2024)

FESTARI MF, JARA.E, COSTA, M.S., IRIARTE A., TERESA FREIRE

Scientific Reports, v.: 14 p.:1809 2024

Palabras clave: Cancer Glycosylation Metastasis Differentially expressed genes Transcriptome Immunoregulation Tumor growth

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Funcional

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular /

Inmunobiología

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20452322

DOI: 10.1038/s41598-024-52204-2

https://www.nature.com/articles/s41598-024-52204-2

Iriarte & Freire son autores de correspondencia. Festari & Jara contribuyeron de la misma forma al trabajo.

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

The genome and transcriptome of the snail Biomphalaria sudanica s.l.: Immune gene diversification and highly polymorphic genomic regions in an important African vector of Schistosoma mansoni (Completo, 2024)

Pennance T., JAVIER CALVELO, Burd R., Cayton J., Bollmann S.R., Blouin M.S., Spaan J.M., HOFFMANN, F.G., Ogara G., Rawago F., Andiego K., Mulonga B., Odhiambo M., Loker E.S., Laidemitt M.R., Lu L., IRIARTE A., Odiere M., Steinauer M.L.

BMC Genomics, v.: 25 192, 2024

Palabras clave: Biomphalaria sudanica Biomphalaria choanomphala Schistosomiasis Snail vector De novo genome assembly Polymorphism Immunogenetics Gene family evolution Balancing selection Pathogen recognition

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 14712164

DOI: 10.1186/s12864-024-10103-w https://bmcgenomics.biomedcentral.com/

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Duplex droplet digital PCR detection of Streptococcus uberis and Streptococcus dysgalactiae, major etiological agents of bovine mastitis (Completo, 2024)

Diana L. M. , Traglia .G.M. , Diana V. , Calvinho L. , JIMENA LAPORTA , IRIARTE A. , PUENTES, R Frontiers in Animal Science, v.: $4\,2024$

Palabras clave: ddPCR molecular diagnosis dairy cattle bacterial pathogen Gram positive Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Ciencia Animal y Lechería /

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 26736225

DOI: 10.3389/fanim.2023.1336816

https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fanim.2023.1336816/full

Scopus¹ WEB OF SCIENCE™

Main factors shaping amino acid usage across evolution (Completo, 2023)

 ${\sf GUILLERMO\ LAMOLLE\ }, {\sf Diego\ Sim\'on\ }, {\sf IRIARTE\ A.\ }, {\sf MUSTO\ H}$

Journal of Molecular Evolution, v.: 914, p.:382 - 390, 2023

Palabras clave: amino acids GC content GC skew amino acid cost hydropathy optimal growth temperature

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00222844 E-ISSN: 14321432

DOI: 10.1007/s00239-023-10120-5 https://www.springer.com/journal/239

Mini review Scopus'

Amino acid usage and protein expression levels in the flatworm Schistosoma mansoni (Completo, 2023)

GUILLERMO LAMOLLE, IRIARTE A., Diego Simón, MUSTO H

Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 255 p.:11158 2023

Palabras clave: amino acid cost expression levels hydropathy neglected tropical disease schistosomiasis snail fever

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

DOI: 10.1016/j.molbiopara.2023.111581

https://www.sciencedirect.com/journal/molecular-and-biochemical-parasitology

Scopus'

Comparative genome analysis of the genus Shewanella unravels the association of key genetic traits with known and potential pathogenic lineages (Completo, 2023)

Cerbino G.N., German Matias Traglia, Ayala T., Parmeciano G., Ramírez M.S., Centrón D., IRIARTE A., Quiroga C.

Frontiers in Microbiology, v.: 14 p.:11242 - 11242, 2023

Palabras clave: Shewanella accessory genome mobilome resistome virulome horizontal gene transfer

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 1664302X

DOI: 10.3389/fmicb.2023.1124225

https://www.frontiersin.org/journals/microbiology

Cecilia Quiroga y Andrés Iriarte son co-autores de correspondencia.

Scopus'

Transcriptomic analysis reveals gene expression changes in peripheral white blood cells of cows after embryo transfer: implications for pregnancy tolerance (Completo, 2023)

De los Santos J.A., Andrade J.P.N., Rostoll-Cangiano L., IRIARTE A., PEÑAGARICANO F., Parrish J.

Reproduction in Domestic Animals, v.: 58 7, p.:893 - 1020, 2023

Palabras clave: Bovine interferon-stimulated genes Early pregnancy diagnosis Immune regulation. Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Producción Animal y Lechería /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Transcriptómica

Medio de divulgación: Otros

E-ISSN: 14390531

DOI: https://doi.org/10.1111/rda.14371

https://onlinelibrary.wiley.com/journal/14390531

Scopus'

Trans-splicing in the cestode Hymenolepis microstoma is constitutive across the life cycle and depends on gene structure and composition. (Completo, 2023)

Calvelo J., Brehm K., IRIARTE A., URIEL KOZIOL

International Journal for Parasitology, v.: 53 2, p.:103 - 117, 2023

Palabras clave: Spliced Leader Post-transcriptional regulation Tapeworm Flatworm

Platvhelminthes.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00207519

DOI: 10.1016/j.ijpara.2022.11.006

https://www.sciencedirect.com/journal/international-journal-for-parasitology

*Iriarte & Koziol are co-corresponding authors

Scopus'

Revealing the genetic basis of eyelid pigmentation in Hereford cattle (Completo, 2022)

JARA.E, FRANCISCO PEÑAGARICANO, ARMSTRONG E, CIAPPESONI, G., IRIARTE A., E.A. NAVAJAS

Journal of Animal Science, v.: 100 5 skac1, 2022

Palabras clave: beef cattle melanocyte biology ocular pathologies

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Ciencia Animal y Lechería /

Medio de divulgación: Otros

E-ISSN: 15253163

DOI: doi.org/10.1093/jas/skac110 https://academic.oup.com/jas

Staphylococcus aureus alpha-toxin effect on Acinetobacter baumannii behavior (Completo, 2022)

Fernandez J.S., Tuttobene M.R., Montaña S., Subilis T., Cantera V., IRIARTE A., Tuchscherr L., Ramirez M.S.

Biology, v.: 114, p.:570 2022

Palabras clave: Acinetobacter baumannii Staphylococcus aureus polymicrobial infections

commensals

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20797737

DOI: doi.org/10.3390/biology11040570 https://www.mdpi.com/journal/biology

Scopus'

Identification of long noncoding RNAs involved in eyelid pigmentation of Hereford cattle (Completo, 2022)

 ${\sf JARA.E\,,FRANCISCO\,PE\~NAGARICANO\,,ARMSTRONG\,E\,,C.\,Menezes\,,Tardiz\,L.\,,Rodons\,G.\,,IRIARTE\,A.}$

Frontiers in Genetics, v.: 13 p.:86456 - 86456, 2022

Palabras clave: Eye cancer IncRNAs noncoding genetic elements strand-specific RNAseq beef cattle Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica funcional

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Producción Animal y Lechería /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 16648021

DOI: 10.3389/fgene.2022.864567

https://www.frontiersin.org/journals/genetics

*Corresponding author: Andrés Iriarte

Scopus'

Genomics and transcriptomics insights into luteolin effects on the beta-rhizobial strain Cupriavidus necator UYPR2.512 (Completo, 2021)

Rodríguez-Esperón, M.C., EASTMAN, G., LAURA SANDES, Garabato F., I. Eastman, IRIARTE A., FABIANO, E., SOTELO SILVEIRA, J., RAÚL PLATERO

Environmental Microbiology, 2021

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

E-ISSN: 14622920

DOI: 10.1111/1462-2920.15845

https://sfamjournals.onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1111/1462-2920.15845

Cupriavidus necator UYPR2.512 is a rhizobial strain that belongs to the Beta-subclass of proteobacteria, able to establish successful symbiosis with Mimosoid legumes. The initial steps of rhizobium-legumes symbioses involve the reciprocal recognition by chemical signals, being luteolin one of the molecules involved. However, there is a lack of information on the effect of luteolin in beta-rhizobia. In this work, we used long-read sequencing to complete the genome of UYPR2.512 providing evidence for the existence of four closed circular replicons. We used an RNA-Seq approach to analyze the response of UYPR2.512 to luteolin. One hundred and forty-five genes were differentially expressed, with similar numbers of down- and up-regulated genes. Most repressed genes were mapped to the main chromosome, while the up-regulated genes were overrepresented among pCne512e, containing the symbiotic genes. Induced genes included the nod operon and genes implicated in exopolysaccharides and flagellar biosynthesis. We identified many genes involved in iron, copper, and other heavy metals metabolism. Among repressed genes, we identified genes involved in basal carbon and nitrogen metabolism. Our results suggest that in response to luteolin, C. necator strain UYPR2.512 reshapes its metabolism in order to be prepared for the forthcoming symbiotic interaction.

Scopus'

Genotyping and multivariate regression trees reveal ecological diversification within the Microcystis aeruginosa complex along a wide environmental gradient (Completo, 2021)

Martínez de la Escalera, G., SEGURA, A.M., KRUK, C., Ghattas B., Cohan F., IRIARTE A., PICCINI, C.

Applied and Environmental Microbiology, v.: 88 3, 2021

Palabras clave: ecotypes multivariate CART mcyJ Microcystis aeruginosa complex HRMA Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

E-ISSN: 10985336

DOI: 10.1128/aem.01475-21

https://journals.asm.org/doi/10.1128/aem.01475-21

Scopus'

Codon usage in the flatworm Schistosoma mansoni is shaped by the mutational bias towards A+T and translational selection, which increases GC-ending codons in highly expressed genes. (Completo, 2021)

GUILLERMO LAMOLLE, IRIARTE A., MUSTO H

Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 247 January 2022, 2021

Palabras clave: Flatworms Flukes Synonymous codon usage bias Composition bias Selection for translation Isochores Synonymous distance

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

DOI: doi.org/10.1016/j.molbiopara.2021.111445

https://www.journals.elsevier.com/molecular-and-biochemical-parasitology

Corresponding authors: airiarte@higiene.edu.uy (A. Iriarte) & hmusto@gmail.com (H. Musto).

Scopus'

Full characterization of plasmids from Achromobacter ruhlandii isolates recovered from a single patient with cystic fibrosis (CF) (Completo, 2021)

Steffanowski C., Papalia M., Galanternik L., Gutkind G., Cooper V., Ramírez M.S., Radice M. Revista Argentina de Microbiología, v.: S0325-7541(21)00048-2021

Palabras clave: Achromobacter ruhlandii Cystic fibrosis Fibrosis qu?stica Plasmid Pl?smido Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica funcional

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 03257541

DOI: 10.1016/j.ram.2021.01.005

https://www.journals.elsevier.com/revista-argentina-de-microbiologia

Scopus'

Molecular detection of coccidian Apicomplexa Parasites isolated from wild crab-eating and pampas foxes through novel TaqManTM probes: a contribution to their molecular epidemiology (Completo, 2021)

MANNISE, N., CABRERA A., Hernán Juan, COSSE, M., Giannitti F, MARIA E FRANCIA, Telma González, IRIARTE A., Riet-Correa F., ROBELLO, C., GONZÁLEZ, S.

Molecular Biology Reports, v.: 48 6, p.:5013 - 5021, 2021

 $Palabras\ clave: Real-time\ PCR\ Neosporosis\ Toxoplasmosis\ Hammondia\ spp.\ Neotropical\ canids.$

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Otros

ISSN: 03014851 E-ISSN: 15734978

DOI: 10.1007/s11033-021-06492-w https://www.springer.com/journal/11033/

Scopus'

Metagenomic analysis of Raphidiopsis raciborskii microbiome: beyond the individual (Completo, 2021)

Paula Vico, IRIARTE A., SYLVIA BONILLA, PICCINI, C.

Biodiversity Data Journal, 9.e72514, 2021

Palabras clave: Raphidiopsis raciborskii microbiome 16S rRNA metagenomics phycosphere Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Metagenómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 13142828

DOI: https://doi.org/10.3897/BDJ.9.e72514

https://bdj.pensoft.net/article/72514/instance/7004614/

Scopus'

Imported One-Day-Old Chicks as Trojan Horses for Multidrug-Resistant 2 Priority Pathogens Harboring mcr-9, rmtG and Extended-Spectrum ?3 Lactamase Genes. (Completo, 2021)

Coppola N., CORDEIRO N, Trenchi G., Esposito F., Fuga B., Fuentes-Castillo D., Lincopan N., IRIARTE A., BADO I, VIGNOLI R

Applied and Environmental Microbiology, v.: 88 2, 2021

Palabras clave: Antimicrobial resistance One Health rmtG or mcr9.1 aminoglycosides and colistin Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

E-ISSN: 10985336

DOI: 10.1128/AEM.01675-21.

https://journals.asm.org/doi/10.1128/AEM.01675-21

Scopus'

Stage-specific transcriptomic analysis of the model cestode Hymenolepis microstoma (Completo,

2021) Trabajo relevante

 $\label{eq:prezam.} Preza\,M.\,,\, JAVIER\,CALVELO\,,\, LANGLEIB,\, M.\,,\, Hoffmann\,F.G.\,,\, CASTILLO,\, E.\,,\, URIEL\,KOZIOL\,,\, IRIARTE\,A.$

Genomics, v.: 113 2 , p.:620 - 632, 2021

Palabras clave: Antigen B Flatworms functional genomics Gene family evolution RNA-seq Tapeworm

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología Medio de divulgación: Papel

ISSN: 08887543

E-ISSN: 10898646

DOI: 10.1016/j.ygeno.2021.01.005

https://www.journals.elsevier.com/genomics

Codon usage bias: an endless tale (Completo, 2021)

IRIARTE A., GUILLERMO LAMOLLE, MUSTO H

Journal of Molecular Evolution, 2021

Palabras clave: selection for translation molecular evolution synonymous codon usage

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Lugar de publicación: Estados Unidos

E-ISSN: 14321432

DOI: https://doi.org/10.1007/s00239-021-10027-z

https://www.springer.com/journal/239

Scopus'

Proteomic analysis of plasma exosomes from Cystic Echinococcosis patients provides in vivo support for distinct immune response profiles in active vs inactive infection and suggests potential biomarkers. (Completo, 2020)

FRATINI F., Tamarozzi F., Macchia G., Mariconti M., Birago C., IRIARTE A., Brunetti E., Cretu C.M.

, Akhan O. , Sile-Lucas M. , DÍAZ, A. , Casulli A.

PLOS Neglected Tropical Diseases, 2020

Palabras clave: Proteome human plasma exosomes cestodes echinococcus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 19352727 E-ISSN: 1935-2735

DOI: 10.1371/journal.pntd.0008586 https://journals.plos.org/plosntds/

Scopus'

Genomic analysis of two Acinetobacter baumannii strains belonging to two different STs (ST172 and ST25). (Completo, 2020)

Montaña S., Vilacoba E., Fernandez J.S., Traglia G.M., Sucari A., Pennini M., IRIARTE A., Centron D., Melano R.G., Ramírez M.S.

Journal of global antimicrobial resistance, v.: 23 p.: 154 - 161, 2020

Palabras clave: Genomic analysis pathogenesis Acinetobacter baumannii Sequence type

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 22137173 E-ISSN: 2213-7173

DOI: 10.1016/j.jgar.2020.09.006.

https://www.journals.elsevier.com/journal-of-global-antimicrobial-resistance

Transcriptomic analysis of eyelid pigmentation in Hereford cattle (Completo, 2020)

 ${\sf JARA.E\,,FRANCISCO\,PE\~NAGARICANO\,,Menezes\,C.\,,Tardiz\,L.\,,Rodons\,G.\,,IRIARTE\,A.\,,}$

ARMSTRONG E

Animal Genetics, v.: 516, p.: 935 - 939, 2020

Palabras clave: gene expression ocular pathologies skin pigmentation

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 13652052 DOI: 10.1111/age.13004

https://onlinelibrary.wiley.com/journal/13652052

Scopus^{*}

Comparative genomics of Salmonella enterica serovar Enteritidis ST-11 isolated in Uruguay reveals lineages associated with particular epidemiological traits (Completo, 2020)

D'ALESSANDRO, B., V. PÉREZ, Balestrazzi L., GRATTAROLA F., IRIARTE A., Picard D., YIM, L,

Chabalgoity, JA., BETANCOR L Scientific Reports, v.: 10 3638, 2020

Palabras clave: Phylogenetics Bacterial genomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Reino Unido

E-ISSN: 20452322

DOI: 10.1038/s41598-020-60502-8 https://www.nature.com/srep/

Scopus'

Biogeography of the Cyanobacterium Raphidiopsis (Cylindrospermopsis) raciborskii: Integrating Genomics, Phylogenetic and Toxicity Data (Completo, 2020)

Paula Vico, SYLVIA BONILLA, Cremella B., AUBRIOT L, IRIARTE A., PICCINI, C.

Molecular Phylogenetics and Evolution, v.: 148 10682, 2020

Palabras clave: Raphidiopsis (Cylindrospermopsis) raciborskii; Saxitoxin; PSPSxt cluster;

Biogeography

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: United States

ISSN: 10557903 E-ISSN: 10959513

DOI: 10.1016/j.ympev.2020.106824

https://www.sciencedirect.com/journal/molecular-phylogenetics-and-evolution

Corresponding authors: Claudia Piccini & Andrés Iriarte.

Scopus'

SLFinder, a pipeline for the novel identification of splice-leader sequences: a good enough solution for a complex problem (Completo, 2020) Trabajo relevante

JAVIER CALVELO, Hernán Juan, MUSTO H, URIEL KOZIOL, IRIARTE A.

BMC Bioinformatics, 2020

Palabras clave: SL trans-splicing De novo assembly RNAseq data

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Bioinformática

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Reino Unido

E-ISSN: 14712105

DOI: 10.1186/s12859-020-03610-6

https://bmcbioinformatics.biomedcentral.com/

Corresponding author: Andrés Iriarte

Scopus'

Bacillus natronophilus sp. nov., an alkaliphilic bacterium isolated from a soda lake (Completo, 2019)

MENES, R. J., MACHIN, E. V., IRIARTE A., LANGLEIB, M.

INTERNATIONAL JOURNAL OF SYSTEMATIC AND EVOLUTIONARY MICROBIOLOGY, v.: 70 1, p.:562 - 568, 2019

Palabras clave: Bacillus natronophilus sp. nov. alkaliphile moderately halophilic soda lake

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Reino Unido

ISSN: 14665026 E-ISSN: 14665034

DOI: 10.1099/ijsem.0.003792

https://www.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Interspecies DNA acquisition by a naturally competent Acinetobacter baumannii strain (Completo, 2019)

Traglia G, Place K., Dotto C., Fernandez J.S., Montaña S., dos Santos Bahiense C., Soler-Bistue A.,

IRIARTE A., Perez F., Tolmasky M.E., Bonomo R.A., Melano R.G., Ramirez M.S.

International Journal of Antimicrobial Agents, v.: 53 4, p.:483 - 490, 2019

Palabras clave: natural transformation Acinetobacter baumannii Klebsiella pneumoniae 27 antibiotic resistance.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Comparativa

Medio de divulgación: Otros

ISSN: 09248579

DOI: 10.1016/j.ijantimicag.2018.12.013

https://www.journals.elsevier.com/international-journal-of-antimicrobial-agents

Scopus^{*} WEB OF SCIENCE™

A pair of nonoptimal codons are necessary for the correct biosynthesis of the Aspergillus nidulans urea transporter, UreA (Completo, 2019)

SANGUINETTI, M, IRIARTE A., Amillis S., MARIN, M., MUSTO H, RAMON, A.

Royal Society Open Science, v.: 611, 2019

Palabras clave: urea membrane transporter Aspergillus nidulans codon bias

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Reino Unido

E-ISSN: 20545703

DOI: 10.1098/rsos.190773

https://royalsocietypublishing.org/journal/rsos

Scopus'

Genetic and Phenotypic Features of a Novel Acinetobacter Species, Strain A47, Isolated from the Clinical Setting (Completo, 2019)

Schramm S., Place K., Montaña S., Almuzara M., Fung S., Fernandez J.S., Tuttobene M.R., Golic A., Altilio M., Traglia G.M., Vay C., Mussi M.A., IRIARTE A., Ramirez M.S.

Frontiers in Microbiology, 2019

Palabras clave: Acinetobacter spp. biofilm antibiotic resistance virulence traits biofilm natural transformation Biofilm Antibiotic resistance Acinetobacter

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Comparativa

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 1664302X

DOI: 10.3389/fmicb.2019.01375

https://www.frontiersin.org/journals/microbiology

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Draft Genome Sequence of Paraburkholderia sp. UYCP14C, a Rhizobium Strain Isolated from Root Nodules of Calliandra parvifolia (Completo, 2019)

LANGLEIB M., MARTIN BERACOCHEA, ZABALETA, MARÍA, BATTISTONI F., SOTELO-SILVEIRA J., FABIANO, E., IRIARTE A., RAÚL PLATERO

Genome Announcements, v.: 8 16 e0017, 2019

Palabras clave: Rhizobio Genome

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 21698287

DOI: 10.1128/MRA.00173-19

https://mra.asm.org/

Scopus'

Nesterenkonia natronophila sp. nov., an alkaliphilic actinobacterium isolated from a soda lake, and emended description of the genus Nesterenkonia. (Completo, 2019)

MACHIN, E. V., Devi Asem M., Salam N., IRIARTE A., LANGLEIB, M., Li W., MENES, R. J. INTERNATIONAL JOURNAL OF SYSTEMATIC AND EVOLUTIONARY MICROBIOLOGY, 2019

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

E-ISSN: 14665034

DOI: 10.1099/ijsem.0.003409

https://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem

Scopus'

Plasmidome of a multiresistant Salmonella enterica serovar Typhimurium isolate from Uruguay (Completo, 2019)

 ${\sf CORDEIRO\,N\,,\,IRIARTE\,A.\,,\,YIM,\,L\,,\,BETANCOR\,L\,,\,Chabalgoity,\,JA.\,,\,Camou\,T.\,,\,VIGNOLI\,R}$

Journal of Global Antimicrobial Resistance, v.: 20 p.:84 - 86, 2019

Palabras clave: plasmid genome sequence

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Reino Unido

ISSN: 22137165

DOI: 10.1016/j.jgar.2019.11.019

https://www.sciencedirect.com/journal/journal-of-global-antimicrobial-resistance

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

ICE SXT vs. ICESh95: Co-existence of Integrative and Conjugative Elements and Competition for a New Host. (Completo, 2019)

Parmeciano Di Noto G., IRIARTE A., Ramírez M.S., Centrón D., Quiroga C.

Scientific Reports, v.: 9 8045 (2019), 2019

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Comparativa

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20452322

DOI: 10.1038/s41598-019-44312-1 https://www.nature.com/srep/

Scopus* WEB OF SCIENCE™

Small Klebsiella pneumoniae Plasmids: Neglected Contributors to Antibiotic Resistance (Completo, 2019)

Ramírez M.S. , IRIARTE A. , Reyes R. , Sherratt D.J. , Tolmasky M.

Frontiers in Microbiology, v.: 10 2182, 2019

Palabras clave: Transposon integron Plasmid ESKAPE Klebsiella multidrug resistance

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 1664302X

https://www.frontiersin.org/journals/microbiology

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Genome sequence analysis of an extensively drug-resistant Acinetobacter baumannii indigopigmented strain depicts evidence of increase genome plasticity (Completo, 2018)

Traglia G., Chiem K., Quinn B., Fernandez J.S., Montaña S., Almuzara M., Mussi M.A., Tolmasky M., IRIARTE A., Centrón D., Ramírez M.S.

Scientific Reports, v.: 8 16961 (2018), 2018

Palabras clave: Acinetobacter baumannii antibiotic resistance sequence genome indigo pigment Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas / Genómica

Microbiana

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20452322

DOI: 10.1038/s41598-018-35377-5 https://www.nature.com/srep/

Scopus¹ WEB OF SCIENCE™

signature of the lineage ST-1974. (Completo, 2018)

D´ALESSANDRO, B., V. PÉREZ, BALESTRAZZI L., IRIARTE A., Pickard D., YIM L., Chabalgoity, JA., BETANCOR L

Microbial Genomics, v.: 4 2018

Palabras clave: prophages lineages Salmonella

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: United Kindom

E-ISSN: 20575858

DOI: 10.1099/mgen.0.000161 http://mgen.microbiologyresearch.org/

Genomic insights into the broad antifungal activity, plant-probiotic properties, and their regulation, in Pseudomonas donghuensis strain SVBP6 (Completo, 2018)

Agaras B., IRIARTE A., Claudio Valverde

PLoS ONE, p.:1 - 32, 2018

Palabras clave: Plant growth promotion Argentinean isolate rhizospheres

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19326203

DOI: 10.1371/journal.pone.0194088

journals.plos.org/plosone/

http://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0194088

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

EXPANSION OF CAP SUPERFAMILY PROTEINS IN THE GENOME OF MESOCESTOIDES CORTI: AN EXTREME CASE OF A GENERAL BILATERIAN TREND (Completo, 2018)

COSTÁBILE, A, URIEL KOZIOL, TORT, JF, IRIARTE A., CASTILLO, E.

Gene Reports, v.: 11 p.:110 - 120, 2018

Palabras clave: secreted proteins cestode genomic data?birth and death? mechanism

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica evolutiva

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 24520144

DOI: 10.1016/j.genrep.2018.03.010

https://www.sciencedirect.com/journal/gene-reports

Corresponding authors: Estela Castillo: castillo@fcien.edu.uy & Andrés Iriarte:

airiarte@higiene.edu.uy.

Human serum albumin alters specific genes that can play a role in survival and persistence in Acinetobacter baumannii (Completo, 2018)

Quinn B., Rodman N., Jara E., Fernandez J.S., Martinez J., Traglia G.M., Montaña S., Cantera V., Place K., Bonomo R., IRIARTE A., Ramirez M.S.

Scientific Reports, 2018

Palabras clave: Acinetobacter baumannii human serum albumin (HSA) antibiotic resistance biofilm persistence survival metabolism transcriptomic analysis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20452322

DOI: I:10.1038/s41598-018-33072-z

https://www.nature.com/articles/s41598-018-33072-z

Scopus¹ WEB OF SCIENCE™

Whole-genome analysis and description of an outbreak due to carbapenem-resistant Ochrobactrum anthropi causing pseudo-bacteremias (Completo, 2018)

Montaña S., Fernandez J.S., Barenboim M., Hernandez M., IRIARTE A., Kayriyama C., Carulla M., Ramirez M.S., Almuzara M.

New Microbes and New Infections, 2018

Palabras clave: Ochrobactrum antrophi pseudo-outbreak carbapenem-resistant

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20522975

DOI: doi.org/10.1016/j.nmni.2018.09.002

https://www.journals.elsevier.com/new-microbes-and-new-infections

Scopus'

Draft Genome Sequences of Two Multidrug-Resistant Salmonella enterica Serovar Typhimurium Clinical Isolates from Uruguay (Completo, 2018)

Cordeiro N.F., D?Alessandro B., IRIARTE A., Pickard D., Yim L., Chabalgoity J.A., Betancor L., Vignoli R.

Microbiology Resource Announcements, v.: 7:e00917-18 2018

Palabras clave: Enterobacteria Genome Sequence

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

bacteriana

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 2576098X

DOI: 10.1128/MRA.00917-18

https://mra.asm.org/

Whole genome analysis of an extensively-drug-resistance Empedobacter falsenii strain reveals distinct features and the presence of a novel metallo-ß-lactamase (EBR-2) (Completo, 2018)

Collins C., Almuzara M., Saigo M., Montaña S., Chiem K., Traglia G., Mussi M.A., Tolmasky M., IRIARTE A., Vay C., RAMIREZ M.S.

Current Microbiology, v.: 75 8, p.: 1084 - 1089, 2018

Palabras clave: metallo-?-lactamase Empedobacter spp. nosocomial pathogen antimicrobial resistant

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03438651 E-ISSN: 14320991

DOI: doi.org/10.1007/s00284-018-1498-9 https://link.springer.com/journal/284

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Temporal evolution of anti-Clostridium antibody responses in sheep after vaccination with polyvalent Clostridial vaccines. (Completo, 2018)

ROSSI, A, MÓNACO, A., Guarnaschelli J., FERNANDO SILVEIRA, IRIARTE A., Benecke A.G., Chabalgoity, JA.

Veterinary Immunology and Immunopathology, v.: 202 p.:46 - 51, 2018

Palabras clave: Antibodies Clostridium Vaccines Duration of immunity Sheep

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología

Alimentaria /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01652427

DOI: doi.org/10.1016/j.vetimm.2018.06.010

https://www.journals.elsevier.com/veterinary-immunology-and-immunopathology

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Molecular Characterization of KPC-2 positive Klebsiella pneumoniae isolates from a neurosurgical center in Argentina (Completo, 2018)

Montaña S., Hernandez M., Fernandez J.S., Pennini M., Centrón D., Sucari A., IRIARTE A., Ramírez

New Microbes and New Infections, v.: 24 p.:32 - 34, 2018

Palabras clave: Klebsiella pneumoniae carbapenem resistance blaKPC-2 neurosurgical center

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 20522975

DOI: doi.org/10.1016/j.nmni.2018.04.002

https://www.journals.elsevier.com/new-microbes-and-new-infections

Genomics helps deciphering the resistance mechanisms of a rare pneumonia causing Pseudomonas chlororaphis strain (Completo, 2018)

Montaña S., Lazzaro T., Uong S., Place K., IRIARTE A., Ocampo Verca C., Vay C., Ramírez M.S.

New Microbes and New Infections, 2018

Palabras clave: Pseudomonas MBL carbepenem-resistance

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 20522975

DOI: doi.org/10.1016/j.nmni.2018.07.002

https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S2052297518300581

Scopus*

Comparison of transcriptomic landscapes of different lamb muscles using RNA-Seq (Completo, 2018)

ARMSTRONG E, IRIARTE A., PAULA NICOLINI, De los Santos J., Ithurralde J., BIELLI, A., Bianchi G., FRANCISCO PEÑAGARICANO

PLoS ONE, 2018

Palabras clave: lamb meat ovine muscle quality traits transcriptome

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Ciencia Animal y Lechería /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19326203

DOI: 10.1371/journal.pone.0200732

https://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0200732

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Analysis of classical neurotransmitter markers in tapeworms: evidence for extensive loss of neurotransmitter pathways (Completo, 2018)

Preza M., Montagne J., COSTÁBILE, A, IRIARTE A., CASTILLO, E., URIEL KOZIOL

International Journal for Parasitology, 2018

 ${\sf Palabras\,clave:}\, {\sf Neurotransmitter\,Cestode\,Trematode\,Monogenean\,Planarian\,Neuropeptide\,F}$

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00207519

DOI: 10.1016/j.ijpara.2018.06.004

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

A Naturally Occurring Deletion in FliE from Salmonella enterica Serovar Dublin Results in an Aflagellate Phenotype and Defective Proinflammatory Properties. (Completo, 2017)

SASÍAS M., S., Martínez, A, BETANCOR L, Martinez A., Bruno D'Alessandro, IRIARTE A.,

Chabalgoity, JA., Yim L.

Infection and Immunity, v.: 86 1 e0051, 2017

Palabras clave: aflagellate strains FliA-anti-Sigma factor revertants in-frame 42-nucleotide-deletion

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00199567 E-ISSN: 10985522

DOI: 0.1128/IAI.00517-17

http://iai.asm.org/

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Draft Genome Sequence of Salmonella enterica subsp. enterica Serovar Infantis Strain SPE101, Isolated from a Chronic Human Infection (Completo, 2017)

IRIARTE A., GINER-LAMIA J., SILVA C., BETANCOR L., ASTOCONDOR L., CESTERO J.J., OCHOA T., GARCÍA C., PUENTE J.L., CHABALGOITY J.A., GARCÍA-DEL PORTILLO F.

Genome Announcements, 2017 Palabras clave: annotation assembly

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 21698287

DOI: 10.1128/genomeA.00679-17

http://genomea.asm.org/

http://genomea.asm.org/content/5/29/e00679-17.abstract

Genetic analysis of a PER-2 producing Shewanella spp. strain harboring a variety of mobile genetic elements and antibiotic resistant determinants (Completo, 2017)

ALMUZARA M., MONTAÑA S., LAZZARO T., UONG S., PARMECIANO G., TRAGLIA G., BAKAI R., CENTRON D., IRIARTE A., QUIROGA C., RAMIREZ M.S.

Journal of Global Antimicrobial Resistance, v.: 11 p.:81 - 86, 2017

Palabras clave: Antibiotic resistance uncommon pathogen

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 22137165

DOI: 10.1016/j.jgar.2017.06.005

Journal of Global Antimicrobial Resistance (JGAR)

Scopus^{*} WEB OF SCIENCE™

The complex pattern of codon usage evolution in the family Comamonadaceae (Completo,

2017) Trabajo relevante

JARA.E, MOREL, M.A., Lamolle G., CASTRO SOWINSKI, S, Simón D., IRIARTE A., MUSTO H

Ecological Genetics and Genomics, v.: 6 p.:1 - 8, 2017

 $Palabras\ clave: Translational\ selection\ Optimal\ codons\ Codon\ bias\ Synonymous\ divergence$

Betaproteobacteria

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y

Transcriptómica bacteriana, Evolución molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 24059854

DOI: doi.org/10.1016/j.egg.2017.11.002

https://www.journals.elsevier.com/ecological-genetics-and-genomics

Musto & Iriarte son ambos autores de correspondencia

Genome analysis of a clinical isolate of Shewanella sp. uncovered an active hybrid integrative and conjugative element (ICE) carrying an integron platform inserted in a novel genomic locus. (Completo, 2016)

PARMECIANO G., JARA E., IRIARTE A., CENTRON D., QUIROGA C.

Microbiology, v.: 1628, p.:1335 - 1345, 2016

Palabras clave: integrative conjugative element horizontal transfer event antimicrobial resistance

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Comparativa

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: UK

ISSN: 13500872 E-ISSN: 14652080

http://www.microbiologyresearch.org/

Scopus^{*}

Draft Genome Sequence of Cupriavidus UYMMa02A, a novel Beta-rhizobium species (Completo, 2016)

IRIARTE A., PLATERO R., ROMERO V., FABIANO E., SOTELO-SILVEIRA J.

Genome Announcements, 2016

Palabras clave: Nodulation Nitrogen Fixation Genome

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 21698287

DOI: 10.1128/genomeA.01258-16

http://genomea.asm.org/

http://genomea.asm.org/content/4/6/e01258-16? related-urls=yes&legid=ga; 4/6/e01258-16? related-urls=yes&legid=g

Draft genome of Shewanella frigidimarina Ag06-30, a marine bacterium isolated from Potter Peninsula, King George Island, Antarctica (Completo, 2016)

PARMECIANO G., VÁZQUEZ S., MAC CORMACK W., IRIARTE A., QUIROGA C.

Genome Announcements, v.: 4 3 e00289-16, 2016 Palabras clave: Alteromonadales Bacterias antarticas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 21698287 http://genomea.asm.org/

Novel Cupriavidus strains isolated from root nodules of native Uruguayan Mimosa species (Completo, 2016)

PLATERO R., JAMES EK, RÍOS C., SANDES L., IRIARTE A., ZABALETA M., BATTISTONI F., FABIANO E.

Applied and Environmental Microbiology, v.: 82 11, p.:3150 - 3164, 2016

Palabras clave: Rhizobium Host-Microbial Interactions

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00992240 E-ISSN: 10985336 http://aem.asm.org/ Scopus' WEB OF SCIENCE**

The genetic analysis of a Acinetobacter johnsonii clinical strain evidenced the presence of horizontal genetic transfer (Completo, 2016)

MONTAÑA S., SCHRAMM S.T.J., TRAGLIA G.M., CHIEM K., PARMECIANO G., ALMUZARA M., BARBERIS C., VAY C., QUIROGA C., TOLMASKY M., IRIARTE A., RAMIREZ M.S.

PLoS ONE, v.: 11 08 e0161528, 2016

Palabras clave: Acinetobacter, HGT, mobile elements transposon, Oxacillinase, resistance traits Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19326203

http://journals.plos.org/plosone/

Scopus¹ WEB OF SCIENCE™

The use of next-generation molecular tools in the analysis of archaeological neotropical deer samples (Completo, 2016)

MORENO F., FIGUEIRO G., MANNISE N., IRIARTE A., GONZÁLEZ S., BARBANTI DUARTE J.M.,

Journal of Archaeological Science Reports, v.: 10 p.:403 - 410, 2016

Palabras clave: Ancient DNA Cervidae deer management Uruguayan lowlands

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 2352409X

http://www.journals.elsevier.com/journal-of-archaeological-science-reports/

An isochore-like structure in the genome of the flatworm Schistosoma mansoni (Completo, 2016)

LAMOLLE G., PROTASIO A.V., IRIARTE A., JARA E., SIMÓN D., MUSTO H.

Genome Biology and Evolution, v.: 88, p.:2312 - 2318, 2016

Palabras clave: Platyhelminthes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Oxford, UK

E-ISSN: 17596653

http://gbe.oxfordjournals.org/

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Revealing the biotechnological potential of Delftia sp. JD2 by a genomic approach (Completo, 2016)

MOREL M.A., IRIARTE A., JARA E., MUSTO H., CASTRO-SOWINSKI, S.

AIMS Quarterly Journal, v.: 32, p.: 156 - 175, 2016

Palabras clave: Delftia; plant-growth promotion; bioremediation comparative genomic; plant-microbe interaction

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía Celular, Microbiología / Genómica

Comparativa

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: AIMS

ISSN: 02655004

DOI: 10.3934/bioeng.2016.2.156

http://www.aimspress.com/journal/Bioengineering AIMS Bioengineering (ISSN(Online):2375-1495)

Scopus'

Draft Genome Sequence of Empedobacter falsenii comb. nov. (ex-Wautersiella falsenii) Wf282, a strain isolated from a cervical neck abscess (Completo, 2015)

TRAGLIA G., DIXON C., CHIEM K., ALMUZARA M., BARBERIS C., MONTAÑA S., MERINO C., MUSSI M., TOLMASKY M., IRIARTE A., VAY C., RAMIREZ M.S.

Genome Announcements, v.: 32, 2015

Palabras clave: antibiotic resistance Empedobacter carbapenems pathogen

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Estados Unidos

E-ISSN: 21698287 http://genomea.asm.org/

Draft genome sequence of taxonomically unique Acinetobacter clinical strain with proteolytic and hemolytic activities (Completo, 2015)

TRAGLIA G., ALMUZARA M., BARBERIS C., MONTANIA S., SCHRAMM S.T.J., ENRIQUEZ B., MUSSI M., VAY C., IRIARTE A., RAMIREZ M.S.

Genome Announcements, v.: 5 3 2, 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Estados Unidos

E-ISSN: 21698287

DOI: 10.1128/genomeA.00030-15

http://genomea.asm.org/

Conservation of CFTR codon frequency through Primates suggests synonymous mutations could have a functional effect (Completo, 2015)

PIZZO L., IRIARTE A., ALVAREZ-VALIN F., MARÍN M.

Mutation Research: Fundamental And Molecular Mechanisms Of Mutagenesis, v.: 775 p.:19 - 25, 2015

 $Palabras\, clave: CFTR\, synonymous\, mutations\, codon\, frequency\, conservation\, Cystic\, fibrosis$

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 13861964 E-ISSN: 1873-135X

http://www.journals.elsevier.com/mutation-research-fundamental-and-molecular-mechanisms-of-

mutagenes

Pizzo L. and Iriarte A. contributed equally to this work.

Scopus'

$Characterizing\ proteases\ in\ an\ Antarctic\ Janthinobacterium\ sp.\ isolate.\ Evidence\ of\ a\ protease\ horizontal\ gene\ transfer\ event\ (Completo,\ 2015)$

MARTÍNEZ-ROSALES C., MARIZCURRENA J.J., IRIARTE A., FULLANA N., HÉCTOR ROMERO , CASTRO-SOWINSKI. S.

ADVANCES IN POLAR SCIENCE, v.: 26 p.:88 - 95, 2015

Palabras clave: Antarctic cold-active protease horizontal gene transfer Janthinobacterium subtilisin Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: China

ISSN: 16749928

http://journal.polar.org.cn/EN/volumn/current.shtml

C. Martinez-Rosales, J.J. Marizcurrena and A. Iriarte equally contributed to this work

Est 10: a novel alkaline esterase isolated from bovine rumen belonging to the new family XV of lipolytic enzymes (Completo, 2015)

 ${\sf RODR} \\ {\sf IGUEZ\,M.\,C.\,,LOACES\,I.\,,AMARELLE\,V.\,,SENATORE\,D.\,,IRIARTE\,A.\,,FABIANO\,E.\,,NOYA\,F.}$

PLoS ONE, p.:1 - 16, 2015

Palabras clave: esterases rumen metagenomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19326203

DOI: 10.1371/journal.pone.0126651

http://www.plosone.org/ Scopus* WEB OF SCIENCE™

General trends in selectively codon usage biases in the domain Archaea (Completo, 2014)

IRIARTE A., JARA E., LEYTÓN L., DIANA L., MUSTO H.

Journal of Molecular Evolution, v.: 79 3 4, p.: 105 - 110, 2014

Palabras clave: Selección en la traducción uso de codones sinónimos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00222844 E-ISSN: 14321432

DOI: 10.1007/s00239-014-9647-7 http://link.springer.com/journal/239

Scopus^{*} WEB OF SCIENCE™

Trends in amino acid usage across the Class Mollicutes (Completo, 2014)

IRIARTE A., BARAIBAR J. D., DIANA L., CASTRO-SOWINSKI, S., ROMERO H., MUSTO H.

Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, v.: 32 1, p.:65 - 74, 2014

Palabras clave: Mycoplasma Complete genome amino acid usage highly expressed genes evolution Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiología - Genómica

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 07391102 E-ISSN: 15380254

DOI: 10.1080/07391102.2012.748636

http://www.jbsdonline.com Scopus* WEB OF SCIENCE™

Three crocodilian genomes reveal ancestral patterns of evolution among archosaurs (Completo, 2014)

GREEN RE. BRAUN EL. ARMSTRONG J. EARL D., NGUYEN N., HICKEY G., VANDEWEGE M.W., ST. JOHN J.A., CAPELLA-GUTIÉRREZ S., CASTOE T.A., KERN C., FUJITA M.K., OPAZO J.C., JURKA J., KOJIMA K.K., CABALLERO J., HUBLEY R.M., SMIT A.F., PLATT R.N., LAVOIE C.A. , RAMAKODI M.P., FINGER JR. J. W., SUH A., ISBERG S.R., MILES L., CHONG A.Y., JARATLERDSIRI W., GONGORA J., MORAN C., IRIARTE A., MCCORMACK J., BURGESS S.C., EDWARDS S.V., LYONS E., WILLIAMS C., BREEN M., HOWARD J.T., GRESHAM C.R., PETERSON D.G., SCHMITZ J., POLLOCK D.D., HAUSSLER D., TRIPLETT E.W., ZHANG G., IRIE N., JARVIS E.D., BROCHU C.A., SCHMIDT C.J., MCCARTHY F.M., FAIRCLOTH B.C., HOFFMANN F.G., GLENN T.C., GABALDÓN T., PATEN B., RAY D.A.

Science, v.: 346 6215, p.:1335 - 1254449, 2014

Palabras clave: genome evolution Reptiles and birds Phylogeny

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Comparativa y Evolutiva

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00368075 E-ISSN: 10959203

DOI: 10.1126/science.1254449

http://www.sciencemag.org/content/346/6215/1254449.full

To provide context for the diversification of archosaursthe group that includes crocodilians, dinosaurs, and birdswe generated draft genomes of three crocodilians: Alligator mississippiensis (the American alligator), Crocodylus porosus (the saltwater crocodile), and Gavialis gangeticus (the Indian gharial). We observed an exceptionally slow rate of genome evolution within crocodilians at all levels, including nucleotide substitutions, indels, transposable element content and movement, gene family evolution, and chromosomal synteny. When placed within the context of related taxa including birds and turtles, this suggests that the common ancestor of all of these taxa also exhibited slow genome evolution and that the comparatively rapid evolution is derived in birds. The data also provided the opportunity to analyze heterozygosity in crocodilians, which indicates a likely reduction in population size for all three taxa through the Pleistocene. Finally, these data combined with newly published bird genomes allowed us to reconstruct the partial genome of the common ancestor of archosaurs, thereby providing a tool to investigate the genetic starting material of crocodilians, birds, and dinosaurs.

Scopus^{*} WEB OF SCIENCE™

Draft Genome Sequence of an of extensively drug-resistant Acinetobacter baumannii indigopigmented strain (Completo, 2014)

TRAGLIA G.M., VILACOBA E., ALMUZARA M.N., DIANA L., IRIARTE A., CENTRON D., RAMIREZ M.S.

Genome Announcements, v.: 26, 2014

Palabras clave: antibiotic resistance sequence genomes genome analysis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Estados Unidos

E-ISSN: 21698287 http://genomea.asm.org/ Microbiology, v.: 159 p.:555 - 564, 2013

Palabras clave: tRNA content enteric bacteria optimal codons choices selection on translation

protein conserved regions Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: UK ISSN: 13500872 E-ISSN: 14652080

http://mic.sgmjournals.org/ Scopus' WEB OF SCIENCE"

A detailed comparative analysis on the overall codon usage patterns in West Nile Virus (Completo, 2013)

MORATORIO G., IRIARTE A., MORENO P., MUSTO H., CRISTINA J.

Infection Genetics and Evolution, v.: 14 p.:396 - 400, 2013 Palabras clave: codon usage evolution West Nile Virus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 15671348

http://www.journals.elsevier.com/infection-genetics-and-evolution/

Primer y el Segundo autor contribuyeron de igual manera en la realización del trabajo

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Genetic diversity analysis of the Uruguayan Creole cattle breed using microsatellites and mtDNA markers (Completo, 2013)

ARMSTRONG E., IRIARTE A., MARTÍNEZ A. M., FEIJOO M., VEGA-PLA J. L., DELGADO J. V., POSTIGLIONI A.

Genetics and Molecular Research, v.: 12 2, p.:1119 - 1131, 2013

Palabras clave: Creole cattle breeds population analysis molecular markers

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Conservación de

Recursos Zoogenéticos Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Brasil E-ISSN: 16765680

http://geneticsmr.com/

Primer y el Segundo autor contribuyeron de igual manera en la realización del trabajo.

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™] latindex

Variability of UL49 in bovine herpesvirus type 1 (BoHV-1) from Uruguayan isolates. (Completo, 2012)

PUENTES, R., LLAMBÍ S., IRIARTE A., FURTADO, A., FRANCO, G., MAISONNAVE, J., CRISTINA J., MURAKAMI, K., ESTEVES, PA.

Investigación Veterinaria INVET, 2012

Palabras clave: UL49 variability BoHV isolates

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Internet Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 16683498

http://www.scielo.org.ar/scielo.php/script_sci_serial/pid_1668-3498/lng_es/nrm_iso

latindex Seiglo

Identification of novel glutathione transferases in Echinococcus granulosus. An evolutionary perspective. (Completo, 2012) Trabajo relevante

IRIARTE A., ARBILDI P., LA-ROCCA S., MUSTO H., FERNÁNDEZ V.

Acta Tropica, v.: 123 p.:208 - 216, 2012

Palabras clave: glutathione transferase Family Taeniidae Gene family

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología /

Parasitología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 0001706X

http://www.journals.elsevier.com/acta-tropica/

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Translational selection on codon usage in the genus Aspergillus (Completo, 2012) | Trabajo relevante

IRIARTE A., SANGUINETTI M., FERNÁNDEZ-CALERO T., NAYA H., RAMÓN A., MUSTO H.

Gene, v.: 506 p.: 98 - 105, 2012

Palabras clave: Optimal codons tRNA content Aspergilli Neosartorya

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Micología / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / uso de

codones sinónimos

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Holanda

ISSN: 03781119

http://www.journals.elsevier.com/gene/

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Pandemic influenza A virus codon usage revisited: biases, adaptation and implications for vaccine strain development. (Completo, 2012)

GOÑI N., IRIARTE A., COMAS V., SOÑORA M., MORENO P., MORATORIO G., MUSTO H., CRISTINA J.

Virology Journal, v.: 9 p.: 263 2012

Palabras clave: codon usage evolution Influenza A virus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía y Biológía de la Evolución / Evolución

Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel

E-ISSN: 1743422X

DOI: 10.1186/1743-422X-9-263

http://www.virologyj.com

Primer y el segundo autor contribuyeron de igual manera en la realización del trabajo.

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Resecuenciación y análisis bioinformático de una región del gen trofinina (BTA Xq25-33) en bovinos (Resumen, 2011)

LLAMBÍ S., IRIARTE A., GAGLIARDI R., MONTENEGRO M. Journal of Basic and Applied Genetics, v.: 21, p.:69 - 69, 2011

Palabras clave: fragilidad cromosómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Argentina

E-ISSN: 18526233 http://www.sag.org.ar

latindex SciELO

Selective codon usage bias in members of the class Mollicutes (Completo, 2011) Trabajo relevante

IRIARTE A., BARAIBAR J., ROMERO H., MUSTO H.

Gene, v.: 473 p.: 110 - 118, 2011

Palabras clave: Mycoplasma Optimal codons tRNA content Complete Genomes

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781119

DOI: 10.1016/j.gene.2010.11.010

http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/506033/description#description

Scopus* WEB OF SCIENCE™

Developmental expression of high molecular weight tropomyosin isoforms in Mesocestoides corti (Completo, 2010)

KOZIOL U., COSTÁBILE A., DOMÍNGUEZ M.F., IRIARTE A., ALVITE G., KUN A., CASTILLO E.

Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 175 p.:181 - 191, 2010

Palabras clave: Mesocestoides tropomyosin alternative splicing development muscle

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo /

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

DOI: 10.1016/j.molbiopara.2010.11.009

http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/506086/description

Scopus^{*} WEB OF SCIENCE™

Characterization of a putative hsp70 pseudogene transcribed in protoscoleces and adult worms of Echinococcus granulosus (Completo, 2009) Trabajo relevante

KOZIOL U., IRIARTE A., CASTILLO E., SOTO J., BELLO G., CAJARVILLE A., ROCHE L., MARÍN M

Gene. v.: 443 p.: 1 - 11, 2009

Palabras clave: Echinococcus hsp70 Pseudogene Genomic duplication

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781119 DOI: 10.1016

www.elsevier.com/locate/gene

*1er y 2do autor contribuyeron igualmente al trabajo

Scopus^{*} WEB OF SCIENCE™

Effects of 5-azacytidine on lymphocyte-metaphases of Creole cows 3 carrying the rob(1;29) (Completo, 2009)

ARTIGAS R., IRIARTE W., IRIARTE A., DE BETHENCOURT M., LLAMBÍ S., POSTIGLIONI A.

Research in Veterinary Science, v.: 88 p.: 263 - 266, 2009

Palabras clave: 5-aza-C Rob(1;29) Decondensation Methylation

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00345288

DOI: 10.1016/j.rvsc.2009.10.004 www.elsevier.com/locate/rvsc

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Aphidicolin induced break points in heterozygous Robertsonian translocation (rob1;29) in Creole cattle. (Completo, 2008)

ARTIGAS R., IRIARTE A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M., POSTIGLIONI A.

Journal of Basic and Applied Genetics, v.: 191, p.:1 - 10, 2008

Palabras clave: Uruguayan Creole cattle rob(1;29) break point Aphidicolin

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Sociedad Argentina de Genética

ISSN: 16660390 E-ISSN: 18526233

http://www.sag.org.ar/06_1revista.htm

Scopus latindex

Descondensación de la heterocromatina en bovinos criollos portadores de la translocación Robertsoniana (Rob 1;29). Acción del inductor 5-azacitidina-C. (Completo, 2008)

ARTIGAS R., IRIARTE W., DE SOTO L., IRIARTE A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M., POSTIGLIONI A.

Acta Agronómica, v.: 57 1, p.:65 - 69, 2008

Palabras clave: 5-azacitidina-C Descondensación Rob 1;29 bovinos criollos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Colombia

ISSN: 01202812 E-ISSN: 23230118

http://www.revistas.unal.edu.co/index.php/acta_agronomica

latindex SciELO

Acción de la Afidicolina sobre la translocación Robertsoniana ROB (1;29) en Bovinos Criollos del Uruguay. (Resumen, 2006)

ARTIGAS R., IRIARTE A., TELLECHEA B., POSTIGLIONI A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M. Journal of Basic and Applied Genetics, v.: 17 2, p.:116 - 116, 2006

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 16660390 E-ISSN: 18526233

www.sag.org.ar/06_1revista.htm

Scopus latindex

Estudio de polimorfismos del receptor de la hormona estimulante de melanocitos (MC1R) y su relación con el cáncer de ojo en Ganado Hereford. (Resumen, 2006)

DI MAURO M.J., ARMSTRONG E., IRIARTE A., POSTIGLIONI A. Journal of Basic and Applied Genetics, v.: 17 2, p.:165 - 165, 2006

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Molecular Aplicada Medio de divulgación: Papel Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 16660390 E-ISSN: 18526233

www.sag.org.ar/06_1revista.htm

Scopus latindex

LIBROS

DNA Methylation (Participación, 2011)

POSTIGLIONI A., ARTIGAS R., IRIARTE A., IRIARTE W., GRASSO N., RINCÓN G.

Publicado Editorial: InTech

Palabras clave: metilación del ADN Epigenética

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epigenética

Medio de divulgación: Internet ISSN/ISBN: 9799533074534 http://www.intechweb.org

Capítulos:

Could tissue-specific genes be silenced in cattle carrying the rob(1;29) Robertsonian translocation? Organizadores:

Página inicial, Página final

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

IDENTIFICACIÓN DE ARN LARGOS NO CODIFICANTES INVOLUCRADOS EN LA PIGMENTACIÓN DEL PÁRPADO DE GANADO HEREFORD (2021)

 ${\sf JARA.E\,,FRANCISCO\,PE\~NAGARICANO\,,ARMSTRONG\,E\,,MENEZES\,C\,,Tardiz\,L\,,RODONS\,G\,,}$

IRIARTE A.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVIII Congreso Latinoamericano de Genética (ALAG | 2021)

Ciudad: Valdivia Chile Año del evento: 2021

Anales/Proceedings:BAG I Journal of Basic and Applied Genetics I Vol XXXII Suppl. (1): 192-215;

October 2021
Pagina inicial: 208
Pagina final: 208
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Ciencia Animal y Lechería / Genómica

Funcional

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / ARNs no

codificantes

Medio de divulgación: Internet

DOI: 10.35407/bag.2021.32.01.suppl.15

https://sag.org.ar/jbag/project/vol-xxxii-suppl-1/

Análisis del genoma accesorio del género Shewanella: evidencia de rasgos genéticos específicos de especie e independientes de nicho (2021)

CERBINO G, Ayala Nuñez T, German Matias Traglia, Marquez L, IRIARTE A., Quiroga C

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: V Congreso Argentino de Microbiología Agrícola y Ambiental

Año del evento: 2021

Anales/Proceedings:Libro de Resúmenes del V CAMAyA

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

https://congresos.unlp.edu.ar/camaya2021/

ESTRUCTURA Y ADQUISICIÓN DE LOS MÓDULOS CRISPR-CAS EN GENOMAS DE Shewanella (2021)

Ayala Nuñez T, Cerbino G, Parmeciano Di Noto G, Marquez L, Centrón D, IRIARTE A., Quiroga C

Publicado

Resumen

Evento: Regional Año del evento: 2021

Anales/Proceedings:Libro de Resúmenes del V CAMAyA

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

https://congresos.unlp.edu.ar/camaya2021/

Virulence Traits Possibly Leading to Persistence in Successive Isolates of Achromobacter spp. Recovered from Patients with Cystic Fibrosis (2020)

 $Steffanowski\ C.\ ,\ Papalia\ M\ ,\ Alcaraz\ E\ ,\ Galanternik\ L\ ,\ IRIARTE\ A.\ ,\ Ramirez\ MS\ ,\ Gutkind\ G\ ,\ Radice$

Μ

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: ASM Microbe 2020

Año del evento: 2020 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

Clínica

Medio de divulgación: Internet

https://asm.org/Events/ASM-Microbe-Online/Home

Staphylococcus Aureus alpha-toxin Effect On Acinetobacter Baumannii? SBehavior (2020)

 $M.\ Tuttobene\ , T.\ Subils\ , J.\ Fernandez\ , J.\ Martinez\ , IRIARTE\ A.\ , L.\ Tuchscherr\ , Ramirez\ MS\ Publicado$

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: World Microbe Forum 2021

Año del evento: 2020 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

Clínica

Medio de divulgación: Internet

https://www.abstractsonline.com/pp8/#!/9286/presentation/8224

Polymicrobial infections are more challenging to treat and are recognized as responsible for significant morbidity and mortality. It has been demonstrated that multiple Gram-negative organisms take advantage of the effects of Staphylococcus aureus ?-toxin on mucosal host defense resulting in proliferation and dissemination of the co-infecting Gram-negative pathogens. Recently, we observed interactions between Acinetobacter baumannii and S. aureus recovered from soft tissues samples from diabetic patient, showing that these two pathogens can be causative agents of diabetic foot ulcer and can coexist in the site. We found that both strains are not affecting each other, either beneficially or detrimentally, showing a state of commensalism between them. In the present work, using three distinct A. baumannii strains, A118 (highly susceptible), A42 (intermediately susceptible) and AB5075 (high resistance) and the Cell-Free Conditional media (CFCM) of diverse S. aureus strains, such as USA300 (MRSA), USA300?hla, LS1 (MSSA) and LS1? agrA, we aimed to further explore S. aureus effect on A. baumannii behavior. Transcriptomic analysis of A. baumannii A118 generated from cells incubated in LB with or without the addition of S. aureus USA300 CFCM was carried out. Phenotypic assays such as motility, hemolytic activity, biofilm, and antibiotic susceptibility were performed. The analysis of the RNA-seq data, using a foldchange cutoff of log2 > 1 (with adjusted P-value < 0.05), showed an extensive effect on expression. A total of 3689 differentially expressed genes associated with a wide variety of functions, such as biofilm formation, virulence, antibiotic susceptibility, among others, were identified. Besides, we observed a decreased of A. baumannii motility with the addition of S. aureus USA300 CFCM or S. aureus LS1 CFCM, and an increased with the addition of S. aureus USA300?hla CFCM or S. aureus LSI?agrA CFCM. Hemolytic activity was seen in A. baumannii in the presence of S. aureus LS1 CFCM. Additionally, A. baumannii showed an increased in biofilm formation in the presence of S. aureus USA300 CFCM. An increased in antibiotic resistance to tetracycline in the presence of S. aureus USA300 CFCM was observed. The present results showed that A. baumannii can respond to soluble molecules secreted S. aureus and agreed with other studies showing strain specific effects and responses. This versatility of A. baumannii to sense and respond to S. aureus molecules adds for evidence of the ability to adapt to different conditions.

Vías de neurotransmisión en platelmintos parásitos: posibles nuevas vías en las larvas de cestodos (2019)

PREZA M., IRIARTE A., CASTILLO, E., URIEL KOZIOL

Publicado

Resumen

Descripción: Il Congreso Nacional de Biociencias 2019

Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de Resumenes

Pagina inicial: 209 Pagina final: 209 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php

Bases moleculares asociadas al potencial invasivo en neumococo (2019)

VCOMAS, RIAL A., IRIARTE A., Chabalgoity, JA.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Il Congreso Nacional de Biociencias

Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de Resumenes

Pagina inicial: 184
Pagina final: 184
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php

Análisis de la comunidad bacteriana heterótrofa asociada al mucílago de Cylindrospermopsis raciborskii (2019)

Paula Vico, IRIARTE A., SYLVIA BONILLA, PICCINI, C.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Il Congreso Nacional de Biociencias

Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de Resumenes

Pagina inicial: 51
Pagina final: 51
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php/

Una aproximación evolutiva al estudio de los ARN pequeños en bacterias (2019)

Balestrazzi, L., IRIARTE A.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de Resumenes

Pagina inicial: 68
Pagina final: 68
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Evolutiva

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php/

Análisis genómico comparativo de Salmonella enterica serovariedad Derby recuperadas de humanos y huevos (2019)

German Matias Traglia, Cantera V., YIM, L, BETANCOR L, IRIARTE A., Chabalgoity, JA.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de resumenes

Pagina inicial: 421 Pagina final: 421 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php/

Metabarcoding en estudios de dieta: desarrollo de Barcoding para su implementación (2019)

MANNISE, N., SEGUÍ R., Da Silva C., IRIARTE A., GONZÁLEZ, S., COSSE, M.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de resumenes

Pagina inicial: 40 Pagina final: 40

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

A reas de conocimiento.

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php/

Estudio de las moléculas señal involucradas durante la interacción simbiótica entre un beta-rizobio y su leguminosa hospedera, utilizando como aproximación la metabolómica (2019)

Rodríguez-Esperón, M.C., LAURA SANDES, GARABATO F, Croci, C, LANGLEIB, M., Da Silva EJ, IRIARTE A., Tallarico M, SOTELO SILVEIRA, J., FABIANO, E., RAÚL PLATERO

Publicado

Resumen

Evento: Nacional Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de resumenes

Pagina inicial: 79 Pagina final: 79 Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

funcional

Medio de divulgación: Internet http://sub.org.uy/index.php/

Estudio del perfil transcripcional de Salmonella enterica serovar Derby (2019)

Cantera V., Balestrazzi, L., BETANCOR L, Chabalgoity, JA., VALVERDE C, Quiroga C, FRANCISCO PEÑAGARICANO, YIM, L, IRIARTE A.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional Año del evento: 2019

Anales/Proceedings:Libro de Resumenes

Pagina inicial: 89

Pagina final: 89

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Funcional

http://sub.org.uy/index.php/

The transcriptional landscape of Salmonella enterica serovar Derby (2018)

Cantera V., Balestrazzi L., BETANCOR L, Chabalgoity, JA., Valverde C., Quiroga C., FRANCISCO PEÑAGARICANO, YIM, L, IRIARTE A.

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: II Reunión Argentina de Biología de ARNs no codificantes

Ciudad: Bernal, Argentina

Año del evento: 2018

Anales/Proceedings: Book of Abstracts - II Reunión Argentina de Biología de ARNs no codificantes

Pagina inicial: 41 Pagina final: 41

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Funcional

Medio de divulgación: Internet

https://sites.google.com/view/rabanc2018/

Taxonomic determination of neotropical deer in zooarchaeological samples through NGS (2017)

MORENO F., Figueiro G., MANNISE, N., IRIARTE A., GONZÁLEZ, S., Barbanti Duarte J.M.,

COSSE, M.

Publicado Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 12th International Mammalogical Congress

Ciudad: Perth - Australia Año del evento: 2017

Anales/Proceedings:12th International Mammalogical Congress Perth, Western Australia 9th -

14th July 2017 ABSTRACT BOOK

Pagina inicial: 182
Pagina final: 182
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Otros

http://www.promaco.com.au/IMC12/

Type IV Pili Structures may aid in the Pathobiology of a Novel Acinetobacter Species Isolated from the Clinical Setting (2017)

Schramm S.T.J., IRIARTE A., German Matias Traglia, Almuzara M., Vay C., Ramírez M.S.

Publicado Resumen

Evento: Internacional

Descripción: ASM microbe 2017 Ciudad: New Orleans, USA

Año del evento: 2017

Anales/Proceedings: Abstract book - ASM microbe 2017

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

www.asm.org/index.php/asm-microbe-2017

BACTERIAS ASOCIADAS A CULTIVOS DE Cylindrospermopsis raciborskii (2016)

Paula Vico, IRIARTE A., SYLVIA BONILLA, PICCINI, C.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: III TERCERAS JORNADAS INTERDISCIPLINARIAS EN BIODIVERSIDAD Y

ECOLOGIA Ciudad: Rocha

Año del evento: 2016

Anales/Proceedings:Libro de resumenes

Pagina inicial: 19 Pagina final: 19 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

(2016)

Paula Vico, IRIARTE A., SYLVIA BONILLA, PICCINI, C.

Publicado

Resumen expandido Evento: Internacional

Descripción: ICHA-The 17th International Conference on Harmful Algae

Ciudad: Florianópolis - Santa Catarina

Año del evento: 2016

Anales/Proceedings:ICHA-The 17th International Conference on Harmful Algae - Abstract Book

Pagina inicial: 192
Pagina final: 192
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet http://www.icha2016.com/

PRIMEROS RESULTADOS DEL ANÁLISIS DEL TRANSCRIPTOMA COMPLETO DE OCHO MÚSCULOS DE INTERÉS COMERCIAL EN CORDEROS PESADOS (2016)

FRANCISCO PEÑAGARICANO , IRIARTE A. , PAULA NICOLINI , de los Santos J. , Ithurralde J. , BIELLI. A. . BIANCHI. G. . ARMSTRONG E

Publicado Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVI CONGRESO LATINOAMERICANO DE GENÉTICA

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2016

Anales/Proceedings: Journal of Basic & Applied Genetics - Proceedings XVI Latin American

Congress of Genetics Pagina inicial: 193 Pagina final: 193 ISSN/ISBN: 1852-6233 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Producción Animal y Lechería /

Medio de divulgación: Papel

http://alagenet.org/projects/xvi-congreso-latinoamericano-de-genetica/

UTILIZACIÓN DE HERRAMIENTAS MOLECULARES DE SECUENCIACIÓN MASIVA PARA EL ANÁLISIS DE MUESTRAS ARQUEOLÓGICAS DE CÉRVIDOS NEOTROPICALES (2016)

MORENO F., Figueiro G., MANNISE, N., IRIARTE A., GONZÁLEZ, S., Barbanti Duarte J.M., COSSE. M.

Publicado

Resumen Evento: Internacional

Descripción: XVI CONGRESO LATINOAMERICANO DE GENÉTICA

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2016

Anales/Proceedings: Journal of Basic & Applied Genetics - Proceedings XVI Latin American

Congress of Genetics Pagina inicial: 268 Pagina final: 268 ISSN/ISBN: 1852-6233

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

Medio de divulgación: Papel

http://alagenet.org/projects/xvi-congreso-latinoamericano-de-genetica/

METABARCODING DE ADN PARA ANÁLISIS DE DIETA DE ZORRO DE MONTE (Cerdocyon thous) (2016)

MANNISE, N., IRIARTE A., GONZÁLEZ, S., COSSE, M.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVI CONGRESO LATINOAMERICANO DE GENÉTICA

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2016

Anales/Proceedings: Journal of Basic & Applied Genetics - Proceedings XVI Latin American

Congress of Genetics Pagina inicial: 269 Pagina final: 269 ISSN/ISBN: 1852-6233 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

http://alagenet.org/projects/xvi-congreso-latinoamericano-de-genetica/

Estrategia para detección de Neospora caninum en zorros de Uruguay: resultados preliminares (2016)

MANNISE, N., ROBELLO, C., Cabrera A., COSSE, M., IRIARTE A., Giannitti F., GONZÁLEZ, S.

Publicado Resumen

Evento: Nacional

Descripción: CUARTO CONGRESO URUGUAYO DE ZOOLOGÍA

Ciudad: Maldonado Año del evento: 2016

Anales/Proceedings:Libro de resúmenes IV Congreso Uruguayo de Zoología

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

Medio de divulgación: Otros http://cuz.szu.org.uy/old/2017/

Utilización de una herramienta molecular para el análisis de la dieta del guazubirá (Mazama gouazoubira) en Parque Salus, Lavalleja (2016)

Bruno, Antonella, MANNISE, N., IRIARTE A., Rodríguez A., De Mello A., Mendéz E., COSSE, M.

Publicado Resumen

Evento: Nacional

Descripción: CUARTO CONGRESO URUGUAYO DE ZOOLOGÍA

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2016

Anales/Proceedings:Libro de resúmenes IV Congreso Uruguayo de Zoología

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Otros http://cuz.szu.org.uy/old/2017/

Exploration of an Acinetobacter johnsonii clinical strain genome revealed the presence of extensive horizontal gene transfer (HGT) (2016)

 $Monta\~na~S.~, Chiem~K.~, Schramm~S.~, German~Matias~Traglia~, Di~Noto~Parmeciano~G.~, Almuzara~M.~, Almuzara~M.~, Chiem~M.~, Schramm~S.~, German~Matias~Traglia~, Di~Noto~Parmeciano~G.~, Almuzara~M.~, Chiem~M.~, Chiem~M$

Claudia Barberis, Tolmasky M., Vay C., Quiroga C., IRIARTE A., Ramírez M.S.

Publicado Resumen

Evento: Internacional

Descripción: ASM Microbe 2016

Ciudad: Boston Año del evento: 2016

Anales/Proceedings: Abstract Book - ASM Microbe 2016

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

https://www.asm.org/microbe2016

ANÁLISIS FILOGENÉTICO DE SRP EN ASCOMYCOTAS Y ESTUDIO DEL ROL DE LA SUBUNIDAD

SRP54 EN EL DIRECCIONAMIENTO DE PROTEÍNAS DE MEMBRANA (2015)

Veyga M., SANGUINETTI, M, IRIARTE A., Ramón A.

Publicado

Resumen expandido

Evento: Nacional

Descripción: 9as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2015 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Otros

Estudio de la expresión diferencial de genes implicados en la asociación beta rizobio?leguminosa utilizando una aproximación genómica. (2015)

Rodríguez C., ZABALETA, MARÍA, IRIARTE A., RAÚL PLATERO, FABIANO, E.

Publicado

Resumen expandido Evento: Nacional

Descripción: Eventos 2015 XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2015

Anales/Proceedings:Libro de resúmenes Eventos 2015 XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

 $https://elblogdeliibce.wordpress.com/2015/06/11/eventos-2015_-xi-encuentro-nacional-demicrobiologos$

Análisis genómico de una cepa vacunal atenuada de Salmonella. (2015)

V. PÉREZ, D'Alessandro B., IRIARTE A., Martínez-Sanguiné, A, YIM, L, Chabalgoity, JA.,

BETANCOR L

Publicado

Resumen expandido Evento: Nacional

Descripción: Eventos 2015 XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2015

Anales/Proceedings:Libro de resúmenes XI Encuentro Nacional Microbiólogos.

Serie: SA-8 Pagina inicial: 59 Pagina final: 59 Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

 $https://elblogdeliibce.wordpress.com/2015/06/11/eventos-2015_-xi-encuentro-nacional-demicrobiologos$

La oportunidad y/o la necesidad de los análisis genómicos en la microbiología de hoy. (2015)

IRIARTE A.

Publicado

Resumen expandido Evento: Nacional

Descripción: Eventos 2015 XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2015

Anales/Proceedings:Libro de resumenes XI Encuentro Nacional Microbiólogos

Pagina inicial: 21 Pagina final: 21 Publicación arbitrada Escrita por invitación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Medio de divulgación: Internet

 $https://elblogdeliibce.wordpress.com/2015/06/11/eventos-2015_-xi-encuentro-nacional-demicrobiologos$

Invitado a dar la charla corta en la "MESA REDONDA: Nuevas aplicaciones tecnológicas a la microbiología". "La oportunidad y/o la necesidad de los análisis genómicos en la microbiología de hoy" Andrés Iriarte Depto. Desarrollo Biotecnológico, Instituto de Higiene, Facultad de Medicina, UdelaR; Depto. de Genómica y Depto. de Bioquímica y Genómicas Microbianas, Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable. Resumen Ya no es novedad que la microbiología, al igual que otras ramas de la biología, ha experimentado una revolución como producto del aumento de las capacidades de secuenciación y la aparición masiva de los datos. Las tecnologías han cambiado mucho en pocos años y han mejorado su eficiencia de forma considerable. Como consecuencia ha aumentado nuestra capacidad para obtener la información de los genomas y ha mejorado nuestra confianza en los resultados de los análisis bioinformáticos. Como producto de esta facilidad para generar secuencias y de las políticas de compartir la información generada, contamos hoy con miles de secuencias libremente disponibles: genomas, genes y funciones ordenados en bases de datos. Hemos aumentando nuestra capacidad para responder preguntas biológicas, principalmente aquellas que necesitan de un marco filogenético o de una aproximación comparativa. En la era genómica hemos internalizado la idea de una extraordinaria dinámica evolutiva en la pérdida- ganancia de genes, hemos incorporado la noción de genómica poblacional y hemos hecho propios términos como pangenoma y coregenoma, además de muchos otros conceptos y teorías que intentan explicar cómo se organiza y evoluciona el genoma de los microorganismos. Las aplicaciones que se le ha dado a la información genómica son muchísimas, entre ellas destacamos su uso en el rastreo de la transmisión de patógenos. Asumir el reto hoy es adquirir conocimiento de los rendimientos, ventajas y limitaciones de los métodos de secuenciación, incluso el conocimiento de herramientas que permiten el manejo de la información generada y la disponible, ya que este conocimiento es esencial para hacer un correcto diseño experimental. Este desafío se vuelve aun más importante cuando tomamos conciencia de que los métodos cambian y las capacidades para obtener la información genómica, y por ende la información genómica disponible, aumentan constantemente.

Evolución y biogeografía de poblaciones de Cylindrospermopsis raciborskii productoras de saxitoxinas. (2015)

Paula Vico, IRIARTE A., Fabre A., SYLVIA BONILLA, PICCINI, C.

Publicado

Resumen expandido

Evento: Nacional

Descripción: Eventos 2015 XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2015

Anales/Proceedings:Libro de resumenes XI Encuentro Nacional Microbiólogos

Pagina inicial: 70
Pagina final: 70
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

 $https://elblogdeliibce.wordpress.com/2015/06/11/eventos-2015_-xi-encuentro-nacional-demicrobiologos$

Presentación Oral, área Microbiología Ambiental. Publicado en Libro de Resúmenes.

Proteómica comparativa entre aislamientos de Salmonella enterica no tifoidea con capacidad patogénica diferencial en humanos. (2015)

Martínez-Sanguiné, A , Portela M. , D´ALESSANDRO, B. , V. PÉREZ , IRIARTE A. , BETANCOR L , Chabalgoity, JA. , YIM, L

Publicado

Resumen expandido

Evento: Nacional

Descripción: Eventos 2015 XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2015

Anales/Proceedings:Libro de resumenes XI Encuentro Nacional Microbiólogos

Pagina inicial: 28 Pagina final: 28 Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

 $https://elblogdeliibce.wordpress.com/2015/06/11/eventos-2015_-xi-encuentro-nacional-demicrobiologos$

Identification of Two Novel B-lactamases (EBR-2 and EPF-1) from Empedobacter (Formerly Wautersiella) falsenii Comb. Nov (2015)

Dixon C., Chiem K., Traglia G., Almuzara M., Barberis C., Montaña S., Merino C., Mussi M.A., Tolmasky M., IRIARTE A., Vay C., Ramírez M.S.

Publicado

Resumen expandido

Evento: Internacional

Descripción: ASM's Interscience Conference of Antimicrobial Agents and Chemotherapy (ICAAC-2015)

Ciudad: San Diego - USA Año del evento: 2015

Anales/Proceedings: Abstract Book ICAAC 2015

Pagina inicial: 178
Pagina final: 178
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

www.ischemo.org/news-and-publications/icc-icaac-2015/

Whole Genome Sequence (WGS) Analysis of an Acinetobacter baumannii Minocycline Resistant Strain Belonged to a New Emerging MLST Singleton (2015)

Vilacoba E., IRIARTE A., Montaña S., Traglia G.M., Pennini M., Sucari A., Ramírez M.S.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: ASM's Interscience Conference of Antimicrobial Agents and Chemotherapy (ICAAC-2015)

Ciudad: San Diego - USA Año del evento: 2015

Anales/Proceedings: Abstract Book ICAAC 2015

Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

www. is chemo.org/news- and-publications/icc-ica ac-2015/

GENÓMICA COMPARATIVA REVELA LA CIRCULACIÓN DE VARIANTES DE SALMONELLA ENTERICA SEROVAR ENTERITIDIS Y TYPHIMURIUM ASOCIADAS A DIFERENTES PERÍODOS EPIDEMIOLÓGICOS EN URUGUAY (2014)

BETANCOR L, D'ALESSANDRO, B., V. PÉREZ, Martínez A., YIM, L, IRIARTE A., Chabalgoity, JA. Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XXII Congreso Latinoamericano de Microbiología y el 4 Congreso Colombiano de

Microbiología

Ciudad: Cartagena de Indias

Año del evento: 2014

Anales/Proceedings:Revista HECHOS Microbiológicos: Memorias XXII Congreso latinoamericano de Microbiología, ALAM 2014

Volumen:5

Fascículo: 2

Pagina inicial: 52

Pagina final: 52

ISSN/ISBN: 2145-8898 Publicación arbitrada Areas de conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Medio de divulgación: Internet

Looking for the genetic basis of the epidemic ability of Salmonella Enteritidis (2013)

D'ALESSANDRO B., BETANCOR L., YIM L., IRIARTE A., THOMSON N., CHABALGOITY A.

Publicado Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the Environment

Ciudad: Boston Año del evento: 2013

Anales/Proceedings:4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the

Environment. Book of abstracts.

Pagina inicial: 146 Pagina final: 147 Publicación arbitrada

Editorial: American Society for Microbiology

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

comparativa

Medio de divulgación: Papel

http://conferences.asm.org/index.php/2012-02-09-21-04-52/2012-02-09-21-03-56/21-past-

conferences/4th

Genomic comparison of the closely related Salmonella enterica serovars Enteritidis and Dublin reveals more than 30% of common genes affected by non-conservative changes (2013)

BETANCOR L., D'ALESSANDRO B., IRIARTE A., YIM L., THOMSON N., CHABALGOITY A.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the Environment

Ciudad: Boston Año del evento: 2013

Anales/Proceedings:4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the

Environment. Book of abstracts.

Pagina inicial: 148 Pagina final: 149 Publicación arbitrada

Editorial: American Society for Microbiology

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

comparativa

Medio de divulgación: Papel

http://conferences.asm.org/index.php/2012-02-09-21-04-52/2012-02-09-21-03-56/21-past-

conferences/4th

Searching for the molecular basis of in vivo membrane protein folding in Aspergillus nidulans (2012)

SANGUINETTI M., IRIARTE A., AMILLIS S., MÓNICA MARÍN, MUSTO H., RAMÓN A.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XLVIII Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación Bioquímica y Biología

Molecular

Año del evento: 2012

Anales/Proceedings:BIOCELL 36 (Suppl.), 2012

ISSN/ISBN: 16675746 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet http://www.saib.org.ar/

ANÁLISIS DEL SESGO EN EL USO DE CODONES SINÓNIMOS EN REGIONES TRANSMEMBRANA EN PROCARIOTAS (2011)

IRIARTE A., JARA E., ROMERO H., MUSTO H.

Publicado

Resumen expandido Evento: Nacional

Descripción: 7as Jornadas SBBM

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2011

Anales/Proceedings:Libro de Resumenes de Posters

Publicación arbitrada

Palabras clave: sesgo mutacional Proteínas trasnmembrana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía y Biológía de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Internet http://iibce.edu.uy/SBBM/

Re-secuenciación y análisis bioinformático de una región del gen trofinina (BTA Xq25-33) en bovinos (2011)

LLAMBÍ S., IRIARTE A., GAGLIARDI R., MONTENEGRO M.

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: XL CONGRESO ARGENTINO DE GENÉTICA

Año del evento: 2011

Anales/Proceedings: Journal of Basic & Applied Genetics (BAG)

Volumen:2 Fascículo: 1 Pagina inicial: 69 Pagina final: 69

ISSN/ISBN: 16660390 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

TRANSFERENCIA HORIZONTAL DE PEPTIDASAS EN EL ORDEN BURKHOLDERIALES (2010)

MARTÍNEZ ROSALES, C., IRIARTE A., MUSTO H., CASTRO-SOWINSKI, S.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología y al IX Encuentro Nacional de

Microbiólogos Ciudad: Montevideo Año del evento: 2010 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Otros

http://www.alam2010.org.uy/htm/index.php

Andrés Iriarte y Cecilia Martínez contribuyeron de igual manera en éste trabajo.

HORIZONTAL GENE TRANSFER IN AN EXTREME ENVIRONMENT (2010)

MARTÍNEZ-ROSALES C., IRIARTE A., MUSTO H., CASTRO-SOWINSKI, S.

Publicado Completo

Evento: Internacional

Descripción: The 13th International Symposium on Microbial Ecology

Ciudad: Seattle, WA, USA Año del evento: 2010 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

http://www.isme-microbes.org/isme13

Although the Antarctic continent experiences severe environmental conditions there is a high microbial diversity within soils and water samples. These environments constitute a suitable place for the isolation of bacteria that produce cold-active enzymes. As part of a project aimed at the selection of cold-adapted bacteria expressing biotechnological relevant enzymes, a Janthinobacterium sp. strain (identified by 16S sequencing) that produce a cold-active extracellular protease was isolated from a water sample collected in the Uruguay Lake, King George Island, South Shetland. Zymographic analysis performed in presence of inhibitors revealed that this protease belongs to the group of serine-peptidases. To identify the protease gene, degenerated primers for the amplification of subtilisin-like serine proteases were used in PCR reactions. A unique amplification product of approximately 600 bp was obtained. By sequence analysis and PSI-BLASTP search in MEROPS database we established that this protein belongs to S8A subfamily. Similar homologous were found in species from a variety of orders among the phylum Cyanobacteria. A close inspection of S8A subfamily protein members in 36 completely sequenced species belonging to Burkholderiales order mainly discards a phylogenetic close related origin. Cyanobacterial mats are major representatives of microbiota in Antarctic and are frequently coisolated with eubacteria. In this context, our results support the transfer of genetic material from cyanobacteria to eubacteria. We thank IAU (Instituto Antártico Uruguayo) and PEDECIBA for partial financial support.

Echinococcus granulosus: IDENTIFICATION OF THREE GLUTATHIONE TRANSFERASES, POSSIBLY ASSOCIATED WITH THREE DIFFERENT FUNCTIONS (2010)

LA-ROCCA S., ARBILDI P., IRIARTE A., HARISPE L., FERNÁNDEZ V.

Publicado Completo

Evento: Internacional

Descripción: The International Congress of Parasitology (ICOPA) XII

Ciudad: Melbourne, Australia

Año del evento: 2010 Publicación arbitrada Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Inmunología

Medio de divulgación: Otros http://www.icopaxii.org/

Codon usage analysis in Enterobacteriaceae towards the detection of ancestral optimal triplets (2009)

BARAIBAR JD., IRIARTE A., ROMERO H., MUSTO H.

Publicado

Resumen expandido Evento: Internacional

Descripción: Darwin 200 South American Celebration

Ciudad: Punta del Este, Maldonado

Año del evento: 2009

Palabras clave: codon usage Enterobacteriaceae Reconstruction of ancestral states

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel http://www.darwin200.edu.uy/

ADN-MITOCONDRIAL EN BOVINOS CRIOLLOS DEL URUGUAY (2009)

IRIARTE A., DE LOS SANTOS J., ARMSTRONG E., POSTIGLIONI A.

Publicado Completo

Evento: Regional

Descripción: X SIMPOSIO IBEROAMERICANO SOBRE CONSERVACIÓN Y UTILIZACIÓN DE

RECURSOS ZOOGENÉTICOS Ciudad: PALMIRA, COLOMBIA

Año del evento: 2009

Anales/Proceedings:MEMORIAS, X SIMPOSIO IBEROAMERICANO SOBRE CONSERVACIÓN Y

UTILIZACIÓN DE RECURSOS ZOOGENÉTICOS

Palabras clave: Bovinos Criollos ADN-MITOCONDRIAL haplotipos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: Papel

http://www.palmira.unal.edu.co/banner/simposio/principal.swf

Uso de codones en el CFTR y su relación con la estructura proteica (2009)

PIZZO L., IRIARTE A., MARÍN M.

Publicado

Resumen expandido Evento: Nacional

Descripción: 6ª Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2009

Palabras clave: Uso de Codones Estructura proteica CFTR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Papel http://www.iibce.edu.uy/SBBM

EgGST3: UNA NUEVA GLUTATIÓN S-TRANSFERASA DE Echinococcus granulosus (2009)

LA-ROCCA S., IRIARTE A., ARBILDI P., FERNÁNDEZ V.

Publicado

Resumen expandido Evento: Nacional

Descripción: 6ª Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2009

Palabras clave: GLUTATIÓN S-TRANSFERASA Echinococcus granulosus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel http://www.iibce.edu.uy/SBBM

ADN-MITOCONDRIAL EN BOVINOS CRIOLLOS DEL URUGUAY. ANÁLISIS PRIMARIOS (2008)

IRIARTE A., ARMSTRONG E., POSTIGLIONI A.

Publicado Resumen

Evento: Regional

Descripción: IX Jornadas de Zoología del Uruguay

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2008

Anales/Proceedings: Actas de las IX jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay

Palabras clave: Bovino Criollo ADN mit.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Poblacional

Medio de divulgación: Papel

http://www.serpentario.edu.uy/szu/jornadas2008

Programa bioinformático para estudios de variabilidad cromosómica entre especies emparentadas de Bóvidos (Bos taurus sp., Ovis aries sp. y Capra hyrcus sp.). (2007)

IRIARTE A., ARTIGAS R., IRIARTE W., DE SOTO L., POSTIGLIONI A.

Publicado Resumen

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2007

Anales/Proceedings:Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Pagina inicial: 28 Pagina final: 28

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

http://www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Identificación de Heterocromatinas en cromosomas de bovinos criollos sub-fértiles (1;29). Efectos Epigenéticos. (2007)

POSTIGLIONI A., DE SOTO L., ARTIGAS R., IRIARTE W., IRIARTE A., LLAMBÍ S., DE

BETHENCOURT M.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Pagina inicial: 27 Pagina final: 27

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

http://www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Distribución de los cromosomas mono y bibraquiados bovinos en compartimientos territoriales de núcleos interfásicos. (2007)

IRIARTE W., DE SOTO L., ARTIGAS R., IRIARTE A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M.,

POSTIGLIONI A.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2007

Anales/Proceedings:Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Pagina inicial: 87 Pagina final: 87

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

http://www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Caracterización genética de dos poblaciones de bovinos de carne con introgresión de criollos uriguayos. (2007)

POSTIGLIONI A., ARMSTRONG E., PEÑAGARICANO F., CAFFARO M.J., IRIARTE A., ARTIGAS R., BARBIERI G., CAMIO G.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2007

Anales/Proceedings:Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Pagina inicial: 25 Pagina final: 25

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Biología Molecular

Aplicada

Medio de divulgación: Papel

www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Genoma mitocondrial parcial de siete especies de roedores caviomorfos. (2005)

TOMASCO I., DA SILVA C., IRIARTE A., LESSA E.P.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: VIII. Jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay.

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2005

Anales/Proceedings: Actas de las VIII jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay.

Pagina inicial: 35 Pagina final: 35

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Medio de divulgación: Papel

www.serpentario.edu.uy/szu/jornadas_general/jornadas.htm

Enfoque Citogenético y Bioinformático para el reordenamiento en Bos taurus. La reserva de Bovinos criollos del Uruguay como modelo de análisis cromosómico. (2005)

ARTIGAS R., IRIARTE A., LLAMBÍ S., POSTIGLIONI A.

Publicado Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay

Ciudad: Montevideo Año del evento: 2005

Anales/Proceedings: Actas de las VIII jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay

Pagina inicial: 112
Pagina final: 112
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Medio de divulgación: Papel

http://www.serpentario.edu.uy/szu/jornadas_general/jornadas.htm

TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS

Genómica: donde la nanotecnología, la biología molecular y la informática convergen para romper récords (2016)

Uruguay Ciencia v: 21, 1, 7

Revista

IRIARTE A., Sotelo-Silveira J.

Palabras clave: Secuenciación Masiva Genómas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Medio de divulgación: Papel Fecha de publicación: 01/12/2015 Lugar de publicación: Uruguay http://www.uruguay-ciencia.com/

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Fondo Clemente Estable 2018 (2018)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

CSIC, Programa Iniciación a la Investigación (2013/2017)

Uruguay

CSIC, Programa Iniciación a la Investigación

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

COMITÉ EDITORIAL

BMC Genomics (2023)

Tipo de publicación: Revista Editorial: BMC Cantidad: Menos de 5 Editorial Board Member

REVISIONES

Molecular Phylogenetics and Evolution (2022)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Infection, Genetics and Evolution (2020)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Genomics, Proteomics & Bioinformatics (2018)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Scientific Reports (2018)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

RESEARCH MICROBIOLOGY (2017)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

The Journal of Microbiology (2017)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

FEBS Letters (2016)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Archives of Virology (2016)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Genome Biology and Evolution (2015 / 2020)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Genomics (2015 / 2018)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: De 5 a 20

Molecular Genetics and Genomics (2014 / 2014)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

PLOS One (2014/2022)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Molecular Biology and Evolution (2014)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

The Journal of Microbiology (2013/2013)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Gene (2012 / 2014)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: De 5 a 20

Journal of Biomolecular Structure & Dynamics (2012 / 2012)

Tipo de publicación: Revista Cantidad: Menos de 5

Journal of Molecular Evolution (2010 / 2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: De 5 a 20

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Llamado a contratos posdoctorales - PEDECIBA - 2023 (2023)

Evaluación independiente

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

PEDECIBA

Subárea Genética

INVESTIGACIÓN APLICADA: FONDO MARÍA VIÑAS - MODALIDAD II (2022)

Comité evaluador

Uruguay

Cantidad: De 5 a 20

ANII

Miembro de la subcomisión para evaluación de becas - CAP (2018)

Comité evaluador

Uruguay

Cantidad: De 5 a 20

Universidad de la República

Comisión Académica de Posgrado (CAP), UDELAR

Becas de Movilidad y Capacitación (ANII) (2016)

Evaluación independiente

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

ANII

Vinculación con Cientificos y Tecnologos en el Exterior (2015)

Evaluación independiente

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

ANII

Beca de Posgrado Docentes-Comisión Académica de Posgrado (CAP-UdelaR) (2015)

Evaluación independiente

Uruguay

Cantidad: Mas de 20

UdelaR

Becas de Posgrados Nacionales - Investigación Fundamental 2015 (2015)

Evaluación independiente

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

ANII

Llamados Horas Docentes - IIBCE (2014 / 2015)

Comité evaluador Uruguay Cantidad: De 5 a 20 Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (IIBCE)-MEC

JURADO DE TESIS

Maestría en Biotecnología - Facultad de Ciencias (2017 / 2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay Nivel de formación: Maestría

Evaluación y Seguimiento de Proyecto de Maestría en Biotecnología-GONZALEZ REVELLO, ALVARO MARTIN. "Generación de métodos basados en genómica para detectar microorganismos nocivos en sistemas acuáticos"

Maestría en Bioinformática - PEDECIBA (2016 / 2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Maestría en Bioinformática , Uruguay Nivel de formación: Maestría

1) Tesis de Maestría en Bioinformática - Santiago Fontenla. Directores de tesis: José Tort y Guilherme Correa de Oliveira. Título: "Análisis del perfil de expresión de microARNs en el estadio Juvenil de Fasciola hepatica e identificación de genes de las Vías de Regulación por ARN pequeños en Platelmintos". Tribunal: Dres. Fernando Álvarez-Valín, Alfonso Cayota y Andrés Iriarte. 2) Tesis de Maestría en Bioinformática - Matías Rodríguez. Directores de tesis: Fernando Álvarez y Alberto Ferrarini. Título: "Estudio de la organización y dinámica evolutiva del genoma de Trypanosoma vivax". Tribunal: Dres. Héctor Romero, Lorena Etcheverry y Andrés Iriarte. 3) Tesis de Maestría en Bioinformática - Martín Beracochea. Directores de tesis: Dres. Federico Battistoni y Álvaro Martín, Co-orientador: Dr. José Sotelo-Silveira. Título: "Bioinformática aplicada al estudio genómico de las cepas endófitas Kosakonia sp. UYSO 10 y Rhizobium sp. UYSO 24". Tribunal: Dres. Héctor Romero, Gonzalo Vázquez. y Andrés Iriarte.

Licenciado en Ciencias Biológicas (2015)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay Nivel de formación: Grado

Diego Simón. Título: GENERACIÓN DE UNA BASE DE DATOS COMPLETA Y NO REDUNDANTE DE VIRUS Y SU ANÁLISIS COMPOSICIONAL. Orientador: Dr. Héctor Musto.

Maestría en Ciencias Biológicas - PEDECIBA (2015 / 2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay Nivel de formación: Maestría

1) Tesis Maestría - Lucía Graña. Director de tesis: Héctor Romero. Título: Estudios de composición nucleotídica y uso de codones en la familia Pelagibacteriaceae del ubicuo clado marino SAR11. Tribunal: Cecilia Alonso, Ivanna Tomasco y Andrés Iriarte. 2) Tesis de Maestría en Ciencias Biológicas - Javier Calvelo. Directores de tesis: Alejandro D'Anatro, Matías Feijoo y Enrique P. Lessa. Título: "Ensamblado del transcriptoma branquial del Pejerrey y búsqueda de selección positiva a nivel molecular en Actinopterigios: aportes al estudio de la osmorregulación en peces." Tribunal: Dres. Héctor Romero, María José Arezo y Andrés Iriarte. 3) Tesis de Maestría en Ciencias Biológicas - Florencia Cancela. Directores de tesis: Juan Arbiza y Santiago Mirazo. Título: "Aproximación al estudio de la replicación in vitro del virus de la Hepatitis E a través de análisis proteómicos y transcriptómicos" Tribunal: Dres. Matias Victoria, Héctor Romero, y Andrés Iriarte.

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Predicción de Secuencias de Inserción en genomas bacterianos utilizando algoritmos de Machine Learning. (2020 - 2023)

Tesis de maestria

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de Buenos Aires , Argentina

Programa: Maestría en Explotación de Datos y Descubrimiento del Conocimiento

Tipo de orientación: Cotutor (IRIARTE A., German Matias Traglia)

Nombre del orientado: MIGUEL ÁNGEL BARROS.

País: Argentina

Palabras Clave: Aprendizaje automático Genómica bacteriana Análisis de secuencias Desarrollo de

Software

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Análisis del transcriptoma y detección de polimorfismos en piel pigmentada y no pigmentada del párpado en ganado Hereford. (2018 - 2022)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Veterinaria / Dpto.

Genética y Mejora Animal, Uruguay

Programa: Doctorado en Producción Animal

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (IRIARTE A., ARMSTRONG E, PENAGARICANO F

Nombre del orientado: Eugenio Jara

País: Uruguay

Palabras Clave: Ganado de carne Cáncer

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias

?Ana?lisis de datos transcripto?micos de platelmintos desde una perspectiva evolutiva? (2018 - 2022)

Tesis de maestria

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Facultad de Medicina , Uruguay

Programa: Maestría en Biología

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (IRIARTE A., TORT, JF)

Nombre del orientado: Mauricio Langleib

País: Uruguay

Palabras Clave: Genómica Comparativa y funcional Helmintos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología /

Genómica

Roles ecológicos y conflictos antrópicos de los zorros del Uruguay (2015 - 2022)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (IRIARTE A., GONZÁLEZ, S., COSSE, M.)

Nombre del orientado: Natalia Mannisse

País: Uruguay

Palabras Clave: NGS Conservaci`on Barcodes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología

computacional

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

CARACTERIZACIÓN FENOTÍPICA Y GENOTÍPICA DE CEPAS DE ESCHERICHIA COLI PRODUCTORAS DE TOXINA SHIGA (O157 Y NO O157) PROVENIENTES DE ALIMENTOS, GANADO Y CASOS CLÍNICOS. IDENTIFICACIÓN DE NUEVOS BLANCOS ÚTILES PARA SU DETECCIÓN Y CONTROL (2016 - 2021)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay

Programa: Biotecnología

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (IRIARTE A.)

Nombre del orientado: Sylvia Vázquez Zeballos

País: Uruguay

Palabras Clave: E. coli enterohemorrágica STEC PFGE Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología Doctorado en Biotecnología 2016-2021

Secuenciado y estudios evolutivos del genoma de la bacteria Delftia sp. JD2 y de la familia Comamonadaceae (2013-2016)

Tesis de maestria

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Eugenio Jara

País: Uruguay

Palabras Clave: Secuenciación, ensamblado y anotación uso de codones sinónimos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Evolución molecular Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

GRADO

Familias multigénicas codificantes para proteínas de secreción y su rol adaptativo en el phylum Platyhelminthes

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Mauricio Langleib

País: Uruguay

Palabras Clave: Genómica Comparativa Duplicación génica Gusanos planos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica evolutiva

Genómica de Echinococcus granulosus: evolución molecular de glutatión transferasas de clase Mu (EgGST1)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Pilar dos Santos

País: Uruguay

Palabras Clave: anotación expresión diferencial análisis filogenético

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Estudio delsesgo en el uso de codones sinónimos en regiones transmembrana en bacterias

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Eugenio Jara

País: Uruguay

Palabras Clave: Proteínas trasnmembrana Selección en la traducción

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Firmas moleculares en el superreino Archaea

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Lucía Leytón

País: Uruguay

Palabras Clave: indels Archaea

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biológía y Biológía de la Evolución / Genómica

Introducción al análisis bioinformatico del gen TRO (trofinina) en bovinos.

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Manuela Silveira

País: Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Uso de codones en Enterobacteriaceae; hacia la detección de codones óptimos ancestrales

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Juan Diego Baraibar

País: Uruguay

Palabras Clave: Uso de Codones Enterobacteriaceae

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

cita asociada: BARAIBAR JD.; Iriarte A.; ROMERO H.; MUSTO H. Codon usage analysis in Enterobacteriaceae towards the detection of ancestral optimal triplets. In: Darwin 200 South

American Celebration , 2009 Punta del Este, Maldonado . 2009. Palabras Clave: codon usage;

Enterobacteriaceae; Reconstruction of ancestral states

Estudio de la cromatina en ovinos Criollos Uruguayos. Acción de agentes clastogénicos.

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Franko Graziano

País: Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Estudio de polimorfismos del receptor de la hormona estimulante de melanocitos (MC1R) y su relación con el cáncer de ojo en Ganado Hereford

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: María Jose Di Mauro

País: Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Asesoramiento en el manejo y uso de herramientas de analisis de secuencias.

OTRAS

Pasantía de estudiante Doctoral del Instituto IMPaM UBA-CONICET (Facultad de Medicina de la Universidad de Buenos Aires).

Otras tutorías/orientaciones

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal Nombre del orientado: Elisabet Vilacoba País: Uruguay

Palabras Clave: Genómica Comparativa Actinobacter Ensamblado y anotación de genomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Estudio de la O-glicosilación aberrante en la función de la Neuropilin-2 en el cáncer de mama (2021)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Facultad de Medicina, UdelaR, Uruguay

Programa: Doctorado en Biología

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (TERESA FREIRE, FESTARI MF, IRIARTE A.)

Nombre del orientado: Mercedes Landeira Escames

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Transcriptómica

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular

Análisis de parásitos protozoarios y helmintos presentes en fecas de zorros de campo (Lycalopex gymnocercus) y perros domésticos (Canis lupus familiaris), mediante metabarcoding de ADN y coproparasitarios. (2021)

Tesis de maestria

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA), Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal Nombre del orientado: Valeria Da Silva Sena

Medio de divulgación: Internet País/Idioma: Uruguay, Español Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Estudio del SL Trans-Splicing como mecanismo regulador en el ciclo de vida de Hymenolepis microstoma y su evolucio?n en los platelmintos. (2019)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Instituto de Higiene/Facultad de Ciencias , Uruguay

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Javier Calvelo Medio de divulgación: Internet

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Genómica helmintos. Genómica funcional. Cestoda

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología /

Genómica

Análisis metagenómico de suelos para la detección y caracterización de comunidades de geohelmintos (2019)

Tesis de maestria

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Maestría en Bioinformática , Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Hernán Juan

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica & Metagenómica

Análisis de la respuesta transcripcional de cepas de S. enterica con características patogénicas diferenciales (2017)

Tesis de maestria

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología

(PEDECIBA), Uruguay

Programa: Maestría en Biología

Tipo de orientación: Tutor único o principal Nombre del orientado: Virginia Cantera

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Genómica Funcional Enterobacterias Biología Computacional

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

funcional

Análisis genómico de Cylindrospermopsis raciborskii: evolución y biogeografía de su toxicidad (2014)

Tesis de doctorado

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones

Biológicas Clemente Estable , Uruguay Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Paula Vico País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: cyanobacteria cylindrospermopsin anatoxin-a and saxitoxin

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

Identificación de mecanismos y nuevos actores moleculares involucrados en el proceso de FBN en βrizobios, utilizando una aproximación genómica funcional (2014)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: María Cecilia Rodríguez Esperón

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Transcriptómica, RNAseq Nodulación y fijación biológica de nitrógeno Beta-

proteobacterias

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica funcional

TUTORÍAS DESISTIDAS

GRADO

¿Cómo evolucionan los ARN pequeños de Salmonella? (2018)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Programa: Licenciado en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Lucía Balestrazzi

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: genes no codificantes evolución molecular genómica microbiana enterobacterias

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

evolutiva

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en University of Florida, Gainesville, FL, USA. (2015)

(Nacional)

ANII - Beca de Movilidad

Premio Elio García-Austt a la mejor Tesis de Doctorado 2013 (2014)

(Nacional)

PEDECIBA

El premio se concede a la mejor Tesis de Doctorado, desarrollada principalmente en el país y que constituye un aporte relevante al conocimiento científico en su área de estudio. El Tribunal que entiende en la adjudicación del premio esta constituido por 3 miembros designados por el CCA Biología. En todos los casos el Tribunal estará formado por destacados investigadores Grados 4 y/o 5 del Área Biología.

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en University of Madison-Wisconsin, WI, USA. (2014)

(Nacional)

CSIC - Programa Pasantías en el Exterior

Financiación de posición Postdoctoral (Asistente en Investigación) en IPMont. (2013)

(Internacional)

IPMont

Financiación de posición Postdoctoral (Contrato de Investigación) (2013)

(Internacional)

IIBCE - Instituto de Investigaciones Biológicas "Clemente Estable"

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en Mississippi State University, USA. (2012)

(Nacional)

CSIC - Programa Pasantías en el Exterior

Beca de posgrado nacional (2011)

(Nacional)

Agencia Nacional de Investigación e Innovación

El directorio de la ANII, atendiendo a la recomendación del CESBE aprobó la solicitud de la beca.

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en UC Davis, California, USA. (2011)

(Nacional)

CSIC - Programa de pasantías en el exterior

El cierre del primer llamado del ejercicio 2011 del Programa de Pasantías en el Exterior fue el 19 de octubre de 2010.

Beca de Posgrado para docentes (2010)

(Nacional)

Comisión Académica de Posgrado, UdelaR

La Comisión Académica de Posgrado de la Universidad de la República otorgará becas de apoyo a docentes para realizar estudios de doctorado de la Universidad de la República. Monto equivalente a Grado 2, 40 horas semanales, 24 meses, a partir de la aprobación del CDC de las becas otorgadas. La selección de los estudiantes becados la realizó por la Comisión Académica de Posgrado tomando en cuenta los antecedentes académicos del postulante.

Beca de Estudio (2000)

(Internacional)

St. Clares International College, Oxford, Inglaterra

Curso de Perfeccionamiento general. Además de Guided Self-Access (Técnicas Autodidactas) e ingles de negocios.

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética. (2008)

Congreso

ESTUDIO DE LA ASOCIACIÓN ENTRE DIVERGENCIA MOLECULAR Y POSIBLES EVENTOS DE ESPECIACIÓN CROMOSÓMICA ENTRE Bos taurus y Ovis aries.
Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 3

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética. Palabras Clave: Genómica Bio-informática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica, Evolución Molecular

Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética. (2008)

Congreso

Efectos de la 5-Azacitidina-C sobre la cromatina de bovinos Criollos portadores de la translocación Robertsoniana (rob1;29).

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 3

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética. Palabras Clave: 5-azacitidina-C Cromatina Bovinos Criollos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Encuentro Enseñanza-aprendizaje (2005)

Seminario

Aplicación de metodologías de enseñanza-aprendizaje en Genética Veterinaria.

Uruguay

Tipo de participación: Otros

Carga horaria: 4

Nombre de la institución promotora: Facultad de Ciencias. Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Enseñanza

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

2013: Delegado de ADUR Ciencias al Consejo Federal de ADUR Central.

 $2012\text{-}2013\text{:}\ Miembro\ suplente\ de\ la\ Asamblea\ del\ Claustro\ -\ Facultad\ de\ Ciencias,\ (Orden\ Docentes).$

2012-2013: Miembro titular de la Comisión Directiva de ADUR Ciencias.

2018-2020. Miembro Titular de la Comisión Directiva del Instituto de Higiene, Facultad de Medicina, UdelaR. Representante del orden Docentes. (Director Interino).

2020-Actual. Miembro Suplente de la Comisión Directiva del Instituto de Higiene, Facultad de Medicina, UdelaR. Representante del orden Docentes.

2017-2019. Miembro Titular de la Comisión de Maestría en Bioinformática, PEDECIBA. Representante del área PEDECIBA-Biología.

2019-Actual. Miembro Suplente de la Comisión de Maestría en Bioinformática, PEDECIBA. Representante del área PEDECIBA-Biología.

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	140
Artículos publicados en revistas científicas	86
Completo	83
Resumen	3
Trabajos en eventos	52
Libros y Capítulos	1
Capítulos de libro publicado	1
Textos en periódicos	1
Revistas	1
EVALUACIONES	32
Evaluación de proyectos	2

Evaluación de publicaciones	18
Evaluación de convocatorias concursables	8
Jurado de tesis	4
FORMACIÓN RRHH	23
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	15
Tesis/Monografía de grado	8
Tesis de maestria	3
Otras tutorías/orientaciones	1
Tesis de doctorado	3
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	7
Tesis de doctorado	4
Tesis de maestria	3
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones desistidas	1
Tesis/Monografía de grado	1