

Curriculum Vitae

Tamara FERNÁNDEZ CALERO

Actualizado: 30/05/2016



Publicado: 20/07/2017

Sistema Nacional de Investigadores

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información

Categorización actual: Iniciación

Ingreso al SNI: Activo(01/06/2015)

Datos generales

Información de contacto

E-mail: tamfernandez@gmail.com

Teléfono: 59825220910

Dirección: Mataojo 2020

Institución principal

Unidad de Bioinformática / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Uruguay

Dirección institucional

Dirección: Institut Pasteur de Montevideo / Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo / Montevideo / Uruguay

Teléfono: (+598) 25220910

E-mail/Web: tamfer@pasteur.edu.uy

Formación

Formación concluida

Formación académica/Titulación

Grado

2003 - 2009

Grado

Licenciatura en Ciencias Biológicas

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República, Uruguay

Título: Subclonado y expresión del dominio N-terminal del receptor de estrógenos humano en Escherichia coli

Tutor/es: Mónica Marín

Obtención del título: 2009

Palabras clave: Receptor de estrógenos; expresión en E. coli

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Formación en marcha

Formación académica/Titulación

Posgrado

2010 - 2014

Maestría

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República, Uruguay

Título: Caracterización tejido específica de expresión de tRNAs y componentes de la maquinaria traduccional humana: integración de datos masivos de perfiles de expresión con ensayos cuantitativos.

Tutor/es: Mónica Marín Gutierrez / Hugo Naya Monteverde

Becario de: Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Palabras clave: ARNt; Maquinaria traduccional; tejido específico

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

2014

Doctorado

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República, Uruguay

Título: Receptor de estrógenos: Caracterización funcional tejido específica del polimorfismo sinónimo Ala87 y cinética traduccional en células humanas

Tutor/es: Mónica Marín Gutierrez / Hugo Naya Monteverde

Becario de: Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Palabras clave: Receptor de estrógenos; Cinética de traducción; Plasticidad conformacional; Plegamiento de proteínas

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

Grado

2010

Grado

Ingeniería en Telecomunicación

UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías, Universidad Católica del Uruguay Dámaso Antonio Larrañaga, Uruguay

Título: Evaluación de técnicas de búsqueda y reconocimiento de audio en Internet para su aplicación al alineamiento de secuencias nucleotídicas

Tutor/es: Daniel Perciante

Palabras clave: Ingeniería

Áreas del conocimiento: Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Ingeniería Eléctrica y Electrónica

Formación complementaria

Cursos corta duración

3 / 2009 - 4 / 2009

Functional Genomics in Biomedicine

Institut Pasteur de Montevideo, Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay

12 / 2008 - 12 / 2008

Machine Learning and Statistical Learning for Bioinformatics and Genetics

Institut Pasteur de Montevideo, Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay

Otras instancias

2007

Seminarios

Nombre del evento: II Seminario Biomédico del Institut Pasteur de Montevideo

Institución organizadora: Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay

2014

Congresos

Nombre del evento: The Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network

Institución organizadora: Institut Pasteur de Paris, Francia

Palabras clave: Trypanosoma Cruzii; small RNA transcriptome

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

2010

Congresos

Nombre del evento: XIII Jornadas de la SUB

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Biociencias, Uruguay

2010

Congresos

Nombre del evento: ISCB Latin America

Institución organizadora: International Society for Computational Biology, Uruguay

2010

Congresos

Nombre del evento: 3rd Latin America Protein Society Meeting

Institución organizadora: Argentina

2007	Congresos <i>Nombre del evento:</i> XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias <i>Institución organizadora:</i> SUB , Uruguay
2007	Congresos <i>Nombre del evento:</i> VI International Conference of Biological Physics and V Southern Cone Biophysics Congress <i>Institución organizadora:</i> nternational Conference of Biological Physics , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas
2011	Otros <i>Nombre del evento:</i> Sequencing on the GAIIx <i>Institución organizadora:</i> Illumina , Uruguay

Construcción institucional

Idiomas

Francés
Entiende (Regular) / Habla (Regular) / Lee (Regular)

Inglés
Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Portugués
Entiende (Muy Bien) / Habla (Bien) / Lee (Muy Bien)

Areas de actuación

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento y producción de proteínas recombinantes
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Actuación Profesional

Cargos desempeñados actualmente

Desde: 01/2011
Estudiante de posgrado (Maestria y Doctorado) , (Docente Grado 1 Interino, 10 horas semanales) , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Desde: 11/2011
Estudiante de posgrado (Maestria y Doctorado) , (30 horas semanales) , Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Desde: 03/2012
Investigador Asistente Nivel 4 , (20 horas semanales) , Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Desde: 04/2014
Beca de doctorado , (30 horas semanales) , Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Desde: 07/2015
Investigador activo nivel iniciación , (40 horas semanales / Dedicación total) , Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Desde: 05/2012
Docente de grado. Asistente A1 , (5 horas semanales) , UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías , Uruguay

Desde: 01/2016
(2 horas semanales) , Lunds Universitet , Suecia

Desde: 04/2013
En el marco de mis estudios de posgrado (Maes , (2 horas semanales) , UniversitÃ© de Rennes I , Francia

Universidad de la República , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

05/2007 - 09/2008, *Vínculo:* Pasante, Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

09/2008 - 07/2009, *Vínculo:* , Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

08/2009 - 12/2010, *Vínculo:* , Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

01/2011 - Actual, *Vínculo:* Estudiante de posgrado (Maestría y Doctorado), Docente Grado 1 Interino, (10 horas semanales)

Actividades

05/2007 - Actual

Líneas de Investigación

Plegamiento de proteínas y cinética de traducción , Integrante del Equipo

03/2011 - 06/2011

Docencia , Grado

Bioquímica , Asistente

03/2010 - 06/2010

Docencia , Grado

Bioquímica , Asistente

03/2009 - 06/2009

Docencia , Grado

Bioquímica , Asistente

10/2008 - 10/2008

Docencia , Grado

Fundamentos de Biología para Ingenieros, Físicos y Matemáticos , Invitado

07/2011 - 07/2011

Docencia , Maestría

Producción de proteínas recombinantes , Asistente , Maestría en Biotecnología

02/2010 - 02/2010

Docencia , Maestría

Producción de proteínas recombinantes , Asistente , Maestría en Biotecnología

02/2009 - 02/2009

Docencia , Perfeccionamiento

Expresión de proteínas humanas en bacterias , Asistente

05/2007 - 09/2008

Pasantías , Instituto de Biología , Bioquímica y Biología Molecular

Clonado y expresión de la región N-terminal del Receptor de Estrógenos en E.coli

09/2009 - 12/2010

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Instituto de Biología , Bioquímica y Biología Molecular

Caracterización funcional de mutaciones sinónimas en el receptor de estrógenos alfa , Integrante del Equipo

09/2008 - 07/2009

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Instituto de Biología , Bioquímica y Biología Molecular

Efecto de mutaciones sinónimas en la actividad del receptor de estrógenos alfa , Otros/Becario por proyecto

Institut Pasteur de Montevideo , Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Vínculos con la institución

10/2008 - 10/2010, *Vínculo:* Pasante, (20 horas semanales)

11/2010 - 07/2011, *Vínculo:* Ayudante Técnico Nivel 1, (30 horas semanales)

07/2011 - 11/2011, *Vínculo:* Ayudante Técnico Nivel 1, (30 horas semanales)

11/2011 - Actual, *Vínculo:* Estudiante de posgrado (Maestría y Doctorado), (30 horas semanales)

03/2012 - Actual, *Vínculo:* [Investigador Asistente Nivel 4, \(20 horas semanales\)](#)

Actividades

10/2008 - Actual

Líneas de Investigación

Uso de codones y cinética de traducción en células humanas , Integrante del Equipo

08/2010 - 11/2010

Docencia , Maestría

Asistente , PEDECIBA - Maestría en Bioinformática

08/2009 - 11/2009

Docencia , Maestría

Asistente , PEDECIBA - Maestría en Bioinformática

12/2014 - 12/2014

Docencia , Especialización

Hands-on course on High-Throughput Sequencing data analysis , Asistente

10/2008 - 10/2010

Pasantías , Unidad de Bioinformática , Unidad de Bioinformática

Pasantía

03/2012 - Actual

Servicio Técnico Especializado

Análisis de datos de NGS y microarrays

01/2014 - Actual

Otra actividad técnico-científica relevante , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática

Análisis de pequeños ARNs en cáncer de pulmón

03/2013 - 06/2015

Otra actividad técnico-científica relevante

Análisis de perfiles de metilación en islas CpG en pacientes con LLC

03/2012 - 12/2014

Otra actividad técnico-científica relevante

Análisis de perfiles de expresión de pequeños RNAs en distintos estadios de Trypanosoma cruzi

03/2012 - 12/2014

Otra actividad técnico-científica relevante

Análisis de perfiles de expresión de pequeños RNAs en distintos estadios de Trypanosoma brucei

06/2011 - 12/2012

Otra actividad técnico-científica relevante

Análisis de expresión génica en pacientes con LLC

03/2011 - 03/2012

Otra actividad técnico-científica relevante

Rol de BBS7 en la regulación transcripcional en células Hela

03/2011 - 03/2012

Otra actividad técnico-científica relevante

Análisis de expresión de microRNAs en pacientes con LLC

10/2014 - Actual

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pateur de Montevideo

Implicancias de la expresión anómala de la enzima mutagénica AID en la progresión de la Leucemia Linfoide Crónica. , Integrante del Equipo

08/2014 - Actual

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de bioinformática
Receptor de Estrógenos: caracterización funcional tejido específica de polimorfismos sinónimos y cinética traduccional en células humanas , Coordinador o Responsable

03/2013 - 02/2015

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de bioinformática
Implicancias de la expresión anómala de la enzima mutagénica AID en los procesos leucémicos: Desarrollo de un modelo tumoral , Integrante del Equipo

07/2011 - 10/2011

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de bioinformática
Búsqueda de un agente etiológico viral de la leucemia linfocítica crónica , Integrante del Equipo

11/2010 - 06/2011

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de bioinformática
Creación de un consorcio internacional para la evaluación preclínica de cepas probióticas destinadas a propósitos alimentarios lácteos , Integrante del Equipo

03/2009 - 03/2010

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática
Actividad tejido específica del Receptor de Estrógenos: herramientas bioinformáticas para el análisis comparativo de expresión génica , Integrante del Equipo

Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

[Vínculos con la institución](#)

03/2009 - 03/2010, *Vínculo:* Iniciación a la Investigación, (20 horas semanales)

03/2011 - 03/2013, *Vínculo:* Beca de Maestría, (30 horas semanales)

04/2014 - Actual, *Vínculo:* Beca de doctorado, (30 horas semanales)

07/2015 - Actual, *Vínculo:* Investigador activo nivel iniciación, (40 horas semanales / Dedicación total)

Universidad Católica del Uruguay Dámaso Antonio Larrañaga , UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías , Uruguay

[Vínculos con la institución](#)

05/2012 - Actual, Vínculo: Docente de grado. Asistente A1, (5 horas semanales)

[Actividades](#)

08/2015 - 11/2015

Docencia , Grado
Biología y Microbiología general , Responsable , Ingeniería en Alimentos

08/2015 - 11/2015

Docencia , Grado
Física 2 , Responsable , Ingeniería en Informática

08/2015 - 11/2015

Docencia , Grado
Laboratorio de física 1 , Responsable , Ingeniería en Electronica

03/2015 - 06/2015

Docencia , Grado
Introducción a los circuitos eléctricos , Responsable , Ingeniería en Informática

03/2015 - 06/2015

Docencia , Grado
Laboratorio de Física 1 , Responsable , Ingeniería en Electronica

08/2014 - 11/2014

Docencia , Grado
Laboratorio de Física 1 , Responsable , Ingeniería en Electronica

08/2014 - 11/2014

Docencia , Grado

Biología y Microbiología general , Responsable , Ingeniería en Alimentos

08/2014 - 11/2014

Docencia , Grado

Física 2 , Responsable , Licenciatura en Informática

03/2014 - 06/2014

Docencia , Grado

Laboratorio de Física 1 , Responsable , Ingeniería en Electronica

03/2014 - 06/2014

Docencia , Grado

Laboratorio de Física 2 , Responsable

08/2013 - 11/2013

Docencia , Grado

Laboratorio de Física 1 , Asistente

08/2013 - 11/2013

Docencia , Grado

Biología y Microbiología general , Responsable , Ingeniería en Alimentos

03/2013 - 06/2013

Docencia , Grado

Laboratorio de Física 1 , Asistente

08/2012 - 11/2012

Docencia , Grado

Laboratorio de Física 2 , Asistente

09/2013 - 09/2013

Docencia , Maestría

Ingeniería Biomédica , Invitado , Maestría en Ciencias de la Ingeniería Eléctrica

Universidad ORT Uruguay , Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería , Uruguay

Vínculos con la institución

03/2013 - 03/2015, *Vínculo:* Docente de grado, (4 horas semanales)

Actividades

08/2014 - 09/2014

Docencia , Grado

Bioinformática 2 , Responsable

03/2014 - 06/2014

Docencia , Grado

Bioinformática 1 , Responsable

08/2013 - 11/2013

Docencia , Grado

Laboratorio de Proyecto 2 , Responsable , Licenciatura en Biotecnología

03/2013 - 07/2013

Docencia , Grado

Bioinformática 1 , Responsable , Licenciatura en Biotecnología

Lunds Universitet , Suecia

Vínculos con la institución

02/2010 - 03/2010, *Vínculo:* , (40 horas semanales)

Sistema Nacional de Investigadores

Sistema Nacional de Investigadores

10/2015 - 12/2015, *Vínculo:* Pasantía, (40 horas semanales / Dedicación total)

01/2016 - Actual, *Vínculo:* , (2 horas semanales)

Actividades

10/2015 - 12/2015

Pasantías , Faculty of Medicine , Department of Oncology

Entrenamiento en la síntesis de librerías de ribosome profiling

02/2010 - 03/2010

Pasantías , Faculty of Medicine , Department of Oncology

Capacitación en el análisis de datos de secuenciación masiva de expresión de pequeños ARNs

Université de Rennes I , Francia

Vínculos con la institución

04/2013 - Actual, *Vínculo:* En el marco de mis estudios de posgrado (Maes, (2 horas semanales)

Actividades

06/2014 - 08/2014

Pasantías , INSTITUT DE RECHERCHE SANTE, ENVIRONNEMENT & TRAVAIL , Transcription, Environment & Cancer

Capacitación en técnicas de Biología celular enfocadas en el estudio del receptor de estrógenos alfa.

04/2013 - 05/2013

Pasantías , INSTITUT DE RECHERCHE SANTE, ENVIRONNEMENT & TRAVAIL , Transcription, Environment & Cancer

Pasantía realizada en el marco de mi doctorado. Estudio de la actividad transcripcional de mutantes sinónimos del receptor de estrógenos alfa en distintas líneas celulares.

Lineas de investigación

Título: Plegamiento de proteínas y cinética de traducción

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Palabras clave: plegamiento de proteínas; Cinética de traducción; tRNAs

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

Título: Uso de codones y cinética de traducción en células humanas

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Palabras clave: Uso de codones; Cinética de traducción

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Proyectos

2014 - Actual

Título: Implicancias de la expresión anómala de la enzima mutagénica AID en la progresión de la Leucemia Linfocítica Crónica., *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* Mi participación en este proyecto se da en el marco de mi actividad como técnico de la unidad de bioinformática. En este proyecto participé principalmente en el análisis de datos de transcriptómica, expresión de pequeños ARNs y genómica.

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Equipo: Guillermo Dighiero(Integrante); Pablo Oppezzo(Responsable); Cecilia Abreu(Integrante); Daniel Prieto(Integrante); Pablo Morande(Integrante); Ana Inés Landoni(Integrante); Cecilia Guillermo(Integrante)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Palabras clave: chronic lymphocytic leukemia

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Cáncer

2014 - Actual

Título: Receptor de Estrógenos: caracterización funcional tejido específica de polimorfismos sinónimos y cinética traduccional en células humanas, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable, *Descripción:* Proyecto a través del cual estoy desarrollando mi doctorado. El objetivo principal del mismo es comprender el efecto de la cinética traduccional en la estructura y plegamiento de proteínas utilizando como modelo al Receptor de estrógenos. En el mismo aplico las dos áreas de actuación a las que me dedico, la bioinformática y la biología molecular. Resumen: El receptor de estrógenos alfa media los efectos pleiotrópicos y tejido-específicos de estas hormonas sobre el crecimiento, desarrollo y mantenimiento de diversos tejidos; regulan la diferenciación celular normal, y también la proliferación y progresión de ciertas enfermedades. Esta actividad tejido-específica es regulada a través de mecanismos poco conocidos. El ER juega también un rol relevante relacionado al tratamiento del cáncer de mama de respuesta hormonal, en la prevención del mismo y en el tratamiento de la osteoporosis. Debido a este rol biológico, se cuenta con una gama de compuestos para regular su actividad. Estos denominados SERMs pueden funcionar como agonistas o antagonistas dependiendo del tejido, permitiendo el tratamiento en el tejido deseado pero muchas veces produciendo efectos adversos en otros. Por tanto, constituye un desafío comprender las bases de la modulación tejido-específica del ER. En esta línea, este proyecto busca establecer si el ER puede presentar diferencias conformacionales en distintos tipos celulares que puedan en parte explicar la modulación tejido-específica producida por los SERMs. En particular se quiere analizar la cinética traduccional del ER, el perfil de pausas de la traducción y el efecto de la sustitución de codones sinónimos en la estructura, plegamiento, localización subcelular y en la actividad del ER frente a diferentes ligandos. A través del análisis de polimorfismos, como por ejemplo el Ala87 presente en 5-10% de la población (según grupos étnicos), este proyecto también busca mostrar la importancia de considerar las mutaciones sinónimas (que han sido totalmente desestimadas) en el diagnóstico y tratamiento médico.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Mónica Marín(Integrante); Hugo Naya(Integrante); Gilles Flouriot(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

Palabras clave: Receptor de estrógenos; Cinética de traducción; Mutaciones sinónimas

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

2008 - 2009

Título: Efecto de mutaciones sinónimas en la actividad del receptor de estrógenos alfa, *Tipo de participación:* Otros/Becario por proyecto, *Descripción:* Resumen del proyecto: La elucidación de los mecanismos moleculares que determinan el plegamiento in vivo de las proteínas es uno de los grandes desafíos actuales en biología. Este problema adquirió particular relevancia desde que alteraciones del plegamiento fueron vinculadas con importantes enfermedades humanas. Este proyecto tiene como objetivo establecer cuál es la contribución del estado del aparato traduccional y de la cinética de la biosíntesis en el plegamiento de proteínas. Específicamente este proyecto propone comparar la conformación y actividad biológica del receptor de estrógenos alfa (ER-945;) sintetizado en diferentes contextos celulares y con diferente uso de codones. Los receptores de estrógenos son factores transcripcionales que median los efectos de estrógenos sobre el crecimiento, el desarrollo y mantenimiento de diversos tejidos. A pesar de ser objeto de intensos estudios, comprender cómo se generan los diversos efectos pleiotrópicos y tejido-específicos del ER-945; reviste particular interés. Como primera aproximación se realizará la traducción in vitro del ER-945; a partir de la secuencia codificante salvaje y de otras construcciones portadoras de mutaciones sinónimas (con idéntica secuencia aminoacídica) en diferentes extractos de traducción. Se analizará la conformación (por proteólisis limitada), la cinética traduccional (perfil de pausas) y actividad biológica (unión a diferentes ligandos y al ADN) del receptor sintetizado in vitro. Posteriormente se analizarán las propiedades funcionales de los mutantes sinónimos del ER-945; sintetizado en células transfectadas.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Sofía Horjales(Integrante); Mónica Marín(Responsable); Mariela Bollati(Integrante); Mario Señorale(Integrante); Paula Tucci(Integrante); Germán Cota(Integrante); Nora Artagaveytia(Integrante)

Financiadores: Otra institución nacional / Comisión Honoraria de Lucha Contra el Cáncer / Apoyo financiero

Palabras clave: Receptor de estrógenos alfa; Plegamiento; Mutaciones sinónimas

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

2009 - 2010

Título: Actividad tejido específica del Receptor de Estrógenos: herramientas bioinformáticas para el análisis comparativo de expresión génica, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* Beca de iniciación a la investigación otorgada por la ANII (BE_2008_163). *Título:* Actividad tejido específica del Receptor de Estrógenos: herramientas bioinformáticas para el análisis comparativo de expresión génica

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Mónica Marín(Integrante); Hugo Naya(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Beca

Palabras clave: Expresión tejido específica; Uso de codones; Receptor de estrógenos

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

2009 - 2010

Título: Caracterización funcional de mutaciones sinónimas en el receptor de estrógenos alfa, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Sofía Horjales(Integrante); Mónica Marín(Responsable); Mariela Bollati(Integrante); Soledad Astrada(Integrante); Alvaro Alberti(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

Palabras clave: Mutaciones sinónimas; Receptor de estrógenos; Líneas celulares humanas

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

2011 - 2011

Título: Búsqueda de un agente etiológico viral de la leucemia linfocítica crónica, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* Mi participación en este proyecto fue en el marco de mi actividad como técnico de la unidad de bioinformática.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Hugo Naya(Integrante); Natalia Rego(Integrante); Guillermo Dighiero(Responsable); Pablo Oppezzo(Integrante); Pilar Moreno(Integrante); Sergio Bianchi(Integrante); Otto Pritsch(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

2010 - 2011

Título: Creación de un consorcio internacional para la evaluación preclínica de cepas probióticas destinadas a propósitos alimentarios lácteos, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* Mi participación en este proyecto fue en el marco de mi actividad como técnico de la unidad de bioinformática. En este proyecto participé principalmente en el análisis de datos de microarrays. Resumen publicable del proyecto: Los probióticos son definidos como microorganismos vivos (bacterias o levaduras) que, cuando son consumidos en cantidades adecuadas, confieren un impacto benéfico en el huésped (FAO / OMS, 2002). El estudio del mecanismo de acción y de la caracterización de las capacidades antioxidantes de nuevas cepas probióticas constituye uno de los ejes de investigación mayores en el campo de los lácteos funcionales a nivel mundial. El blanco de mercado que se abre detrás de esta funcionalidad es principalmente el de las personas mayores de edad, que constituye hoy en día, la población con mayor crecimiento a nivel mundial. El porcentaje de personas con más de 65 años llega al 20% en Japón, 15% en Europa y 12% en EEUU (en nuestro país se ubica alrededor del 18%). No solamente se prevé un crecimiento importante de la proporción de estas poblaciones en los próximos 30 años, sino también de su poder adquisitivo, con el correspondiente margen de crecimiento para este mercado. Danone, líder mundial en lácteos y aguas minerales pretende seguir penetrando este nicho de mercado desde el Uruguay, mediante la identificación, selección y caracterización de nuevas cepas probióticas con capacidades antioxidantes en consorcio con el Institut Pasteur de Montevideo y la empresa española Biopolis SL, que puedan ser incorporadas en prototipos de lácteos para ser lanzados en los próximos 4 a 5 años. Este proyecto plantea la creación de una línea globalizada de evaluación preclínica y de prueba de concepto de las capacidades antioxidantes de nuevas cepas probióticas mediante la armonización y conjunción de capacidades biotecnológicas entre Francia, España y Uruguay. Con tal motivo, se utilizarán modelos in vitro de interacción bacteria/organismos de alta predictibilidad asociados a estudios de nutrigenómica, transcriptómica y bioinformática, así como validaciones murinas innovadoras.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Mariela Bollati(Integrante); Hugo Naya(Integrante); Gianfranco Grompone(Responsable); Ana Paula Mulet(Integrante); Inés Tiscornia(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

Palabras clave: Probióticos

2013 - 2015

Título: Implicancias de la expresión anómala de la enzima mutagénica AID en los procesos leucémicos: Desarrollo de un modelo tumoral, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* Mi participación en este proyecto se da en el marco de mi actividad como técnico de la unidad de bioinformática. En este proyecto participé principalmente en el análisis de datos de transcriptómica, expresión de pequeños ARNs y genómica.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Guillermo Dighiero(Integrante); Pablo Oppezzo(Responsable); Cecilia Abreu(Integrante); Mariana Pegazzano(Integrante); Ana Inés Landoni(Integrante); Faride Ututbey(Integrante); Javier Di Noia(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

Palabras clave: chronic lymphocytic leukemia

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Cáncer

Soy Licenciada en Ciencias Biológicas, en este momento me encuentro realizando el Doctorado en el área Biología (realicé el pasaje de maestría a doctorado) y la carrera Ingeniería Eléctrica. Desde 2008 formo parte de la Unidad de Bioinformática del Institut Pasteur de Montevideo. En ella desarrollo tareas técnicas y de servicio las cuales me permiten participar y colaborar en diversos proyectos de investigación principalmente a través del análisis de datos de secuenciación masiva y de microarrays. En particular me he dedicado al análisis de expresión de pequeños ARNs en distintos sistemas y contextos. A su vez me encuentro participando activamente en una de las líneas de investigación clásicas de la unidad liderada por el Dr. Hugo Naya, el análisis de uso de codones. Es en esta línea en la que en los últimos años me he dedicado a desarrollar una nueva área en la unidad: el uso de codones sinónimos en humanos y su asociación a la cinética de traducción, la expresión de ARNs de transferencia y al plegamiento de proteínas. La investigación en este tema la desarrollo centrada en la biología del Receptor de Estrógenos alfa humano debido a mi experiencia y participación en el grupo de investigación de la Dra. Mónica Marín en la Sección Bioquímica y Biología Molecular de la Facultad de Ciencias. El grupo de la Dra. Mónica Marín, del cual soy parte desde el 2007, se dedica al estudio del plegamiento de proteínas y a la producción de proteínas recombinantes. Alteraciones en el plegamiento de proteínas son causa de enfermedades llamadas enfermedades conformacionales, como por ejemplo enfermedades priónicas, mal de Alzheimer y Parkinson y esclerosis lateral amiotrófica (ELA). Elucidar los mecanismos involucrados en el plegamiento de las proteínas es un paso importante para comprender las causas de estas enfermedades y una aproximación al posible tratamiento de ellas. Una de las líneas de investigación del laboratorio es el estudio del plegamiento in vivo del receptor de estrógeno alfa humano. En particular, se estudia la variación de la estructura y la función en relación a la maquinaria de traducción y al contexto celular de biosíntesis. El ERA está involucrado con diversas patologías como cáncer de mama, útero, prostata, osteoporosis, entre otras. Es entonces, en este contexto justamente donde se enmarca mi trabajo de investigación y en el cual puedo integrar tanto mi conocimientos en el área de bioinformática así como en biología molecular.

Producción bibliográfica

Artículos publicados

Arbitrados

Completo

FERNÁNDEZ-CALERO T; CABRERA-CABRERA F; EHRLICH R; MARÍN M

Silent Polymorphisms: Can the tRNA Population Explain Changes in Protein Properties?. *Life*, v.: 6 1, 2016

Palabras clave: protein folding; translation kinetics; isoacceptor tRNA; Estrogen receptor alpha; synonymous polymorphisms

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / tRna y plegamiento de proteínas

ISSN: 20751729 ; DOI: 10.3390/life6010009



Completo

PALACIOS F; PRIETO D; ABREU C; RUIZ S; MORANDE P; FERNÁNDEZ-CALERO T; LIBISCH G; LANDONI A.I; OPPEZZO P

Dissecting chronic lymphocytic leukemia microenvironment signals in patients with unmutated disease: microRNA-22 regulates phosphatase and tensin homolog/AKT/FOXO1 pathway in proliferative leukemic cells.. *Leukemia and Lymphoma*, v.: 56 5, p.: 1560 - 1565, 2015

Palabras clave: Keywords: CLL microenvironment signals; unmutated patients

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Inmunología / Hematología

ISSN: 10428194 ; DOI: 10.3109/10428194.2014.990900



Completo

FERNÁNDEZ-CALERO T; GARCÍA-SILVA R; PENA A.; ROBELLO C; PERSSON H; ROVIRA C; NAYA H; CAYOTA A
Profiling of small RNA cargo of extracellular vesicles shed by Trypanosoma cruzi reveals a specific extracellular signature.. Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 199 1-2, p.: 19 - 28, 2015

Palabras clave: Small non-coding RNA; Trypanosoma cruzi; Extracellular vesicles; tRNA-derived fragments; Small rDNA-derived fragments

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología

ISSN: 01666851 ; DOI: 10.1016/j.molbiopara.2015.03.003

SCOPUS



Completo

GARCIA-SILVA M.R; DAS NEVES RF; CABRERA-CABRERA F; SANGUINETTI J; MEDEIROS LC; ROBELLO C; NAYA H; FERNÁNDEZ-CALERO T; SOUTO-PADRON T; DE SOUZA W; CAYOTA A

Extracellular vesicles shed by Trypanosoma cruzi are linked to small RNA pathways, life cycle regulation, and susceptibility to infection of mammalian cells. Parasitology Research, v.: 113 1, p.: 285 - 304, 2014

Palabras clave: Trypanosoma Cruzii ; Extracellular vesicles; Sequencing

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología

ISSN: 09320113 ; DOI: 10.1007/s00436-013-3655-1.

<http://dx.doi.org/10.1007/s00436-013-3655-1>

THOMSON
ISI

SCOPUS



Completo

FERNÁNDEZ-CALERO T; S. ASTRADA; ALBERTI A; HORJALES S; ARNAL JF; ROVIRA C; BOLLATI-FOGOLÍN M; FLOURIOT G; MARÍN M

The transcriptional activities and cellular localization of the human estrogen receptor alpha are affected by the synonymous Ala87 mutation.. Journal of Steroid Biochemistry and Molecular Biology, v.: 143, p.: 99 - 104, 2014

Palabras clave: Estrogen receptor alpha; Synonymous mutation; Ala87 polymorphism

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

ISSN: 09600760

THOMSON
ISI

SCOPUS

Completo

PALACIOS F; ABREU C; PRIETO D; MORANDE P; RUIZ S; FERNÁNDEZ-CALERO T; NAYA H; LIBISCH G; ROBELLO C; LANDONI A.I; GABUS R; DIGHERO G; OPPEZZO P

Activation of the PI3K/AKT pathway by microRNA-22 results in CLL B-cell proliferation. Leukemia, 2014

Palabras clave: chronic lymphocytic leukemia; microRNA-22; AKT

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

ISSN: 08876924

THOMSON
ISI

SCOPUS

Completo

GIANFRANCO GROMPONE; PATRICIA MARTORELL; SILVIA LLOPIS; NÚRIA GONZÁLEZ; SALVADOR GENOVÉS; ANA PAULA MULET; FERNÁNDEZ-CALERO T; INES TISCORNIA; BOLLATI-FOGOLIN M; ISABELLE CHAMBAUD; BENOIT FOLIGNÉ; AGUSTÍN MONTSERRAT; DANIEL RAMÓN VIDAL

Anti-inflammatory Lactobacillus rhamnosus CNCM I-3690 strain protects against oxidative stress and increases lifespan in Caenorhabditis elegans.. PLoS ONE, v.: 7 12, 2012

Palabras clave: probiotics

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la manipulación de células, tejidos, órganos o todo el org

ISSN: 19326203

THOMSON
ISI

SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

IRIARTE A.; SANGUINETTI M.; FERNÁNDEZ-CALERO T; NAYA H.; RAMÓN A.; MUSTO H

Translational selection on codon usage in the genus *Aspergillus*. *Gene*, v.: 506, p.: 98 - 105, 2012

Palabras clave: Aspergilli; Neosartorya; Optimal codons; tRNA content

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Micología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Holanda ; *ISSN:* 03781119

<http://www.journals.elsevier.com/gene/>



Completo

GASCUE C; TAN PL; CARDENAS-RODRIGUES M; LIBISCH G; FERNÁNDEZ-CALERO T; LIU YP; ASTRADA S; ROBELLO C; NAYA H; KATSANIS N; BADANO JL

A direct role of Bardet-Biedl syndrome proteins in transcriptional regulation.. *Journal of Cell Science*, v.: 125, p.: 362 - 375, 2012

Palabras clave: Bardet-Biedl; Polycomb

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00219533



Artículos aceptados

Capitulos de Libro

Capítulo de libro publicado

FERNÁNDEZ-CALERO T; FLOURIOT G; MARÍN M

The Synonymous Ala87 Mutation of Estrogen Receptor Alpha Modifies Transcriptional Activation Through Both ERE and AP1 Sites , 2016

Libro: Estrogen Receptors. v.: 1366, p.: 287 - 296,

Organizadores: Methods in Molecular Biology

Editorial: Springer , New York

Palabras clave: Estrogen receptor alpha (ER α); Estrogen transcriptional regulation; Estrogen -responsive element (ERE); Nonclassical pathway AP-1 pathway; Estrogen receptor alanine 87 polymorphism

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Trabajos en eventos

Resumen

GARCIA-SILVA M.R; FERNÁNDEZ-CALERO T; PENA A.; ROBELLO C; NAYA H; CAYOTA A

Small RNA transcriptome of trypanosomatids as a tool for understanding strain speciation, transition stages of life cycle and secretory mechanisms relevant for host-pathogen interaction , 2014

Evento: Internacional , The Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network , Paris , 2014

Anales/Proceedings: Arbitrado: SI

Palabras clave: Trypanosoma Cruzi ; small RNA transcriptome

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Resumen

FERNÁNDEZ-CALERO T; SPANGENBERG S; CHAPARRO A; REGO N; MARÍN M; NAYA H

Understanding implications of tissue-specific codon usage in human , 2010

Evento: Internacional , International Society for Computational Biology Regional Latin American meeting (ISCB-LA) , Montevideo , 2010

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Medio de divulgación: Internet;

Resumen

FERNÁNDEZ-CALERO T; SPANGENBERG S; CHAPARRO A; REGO N; MARÍN M; NAYA H

ESTUDIO COMPARATIVO DEL USO DE CODONES EN DIFERENTES TEJIDOS HUMANOS , 2010

Evento: Internacional , XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias , Piriapolis , 2010

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Resumen

FERNÁNDEZ-CALERO T; HORJALES S; ALBERTI A; S. ASTRADA; BOLLATI M; MARÍN M

MUTACIONES SINÓNIMAS AFECTAN LA ACTIVIDAD Y LOCALIZACIÓN CELULAR DEL RECEPTOR DE ESTRÓGENOS ALFA HUMANO. , 2009

Evento: Nacional , 6ta Jornada de la SBBM Seccional Bioquímica y Biología Molecular , Montevideo , 2009

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

Medio de divulgación: Internet;

Resumen

HORJALES S; COTA G; FERNÁNDEZ-CALERO T; SEÑORALE M; ROMÁN E; ARTAGAVEYTIA N; EHRlich R; MARÍN M
MAQUINARIA DE TRADUCCIÓN Y PLEGAMIENTO DE PROTEÍNAS: VARIANTES CONFORMACIONALES DEL RECEPTOR DE
ESTRÓGENOS ALFA HUMANO , 2007

Evento: Nacional , XII JORNADAS DE LA SOCIEDAD URUGUAYA DE BIOCIENCIAS , Lavalleja , 2007

Anales/Proceedings: ACTAS DE FISIOLÓGÍA , 11 , 35 , 35

Palabras clave: Plegamiento; Maquinaria de traducción; Receptor de estrógenos alfa

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

HORJALES S; COTA G; PALACIOS F; FERNÁNDEZ-CALERO T; SEÑORALE M; ROMÁN E; ARTAGAVEYTIA N; MARÍN M

Translational machinery and protein folding: evidences of conformational variants in in vitro and in vivo synthesized proteins , 2007

Evento: Internacional , VI International Conference of Biological Physics and V Southern Cone Biophysics Congress , Montevideo , 2007

Palabras clave: Folding; Translational machinery; SOD; Estrogen receptor alpha

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas

Medio de divulgación: Papel;

Sistema Nacional de Investigadores

Formación de RRHH

Tutorías en marcha

Otras

Otras tutorías/orientaciones

Diseño de oligos para el diagnóstico de Mycobacterium , 2013

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Federico Machado

Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería , Uruguay

Palabras clave: Mycobacterium; Diagnóstico

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

País/Idioma: Uruguay/Español

Indicadores de producción

<i>Producción bibliográfica</i>	16
<i>Artículos publicados en revistas científicas</i>	9
Completo (Arbitrada)	9
<i>Artículos aceptados para publicación en revistas científicas</i>	0
<i>Trabajos en eventos</i>	6
Resumen (Arbitrada)	1
Resumen (No Arbitrada)	5
<i>Libros y capítulos de libros publicados</i>	1
Capítulo de libro publicado	1
<i>Textos en periódicos</i>	0
<i>Documentos de trabajo</i>	0
<i>Producción técnica</i>	0
<i>Productos tecnológicos</i>	0
<i>Procesos o técnicas</i>	0
<i>Trabajos técnicos</i>	0
<i>Otros tipos</i>	0
<i>Evaluaciones</i>	0
<i>Formación de RRHH</i>	1
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas</i>	0
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha</i>	1
Otras tutorías/orientaciones	1

Sistema Nacional de Investigadores