ALEJANDRO BUSCHIAZZO

Dr.

alebus@pasteur.edu.uy
http://pasteur.uy/investigacion/laboratorios/microbiologia-molecular-y-estructural/
Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural, Institut Pasteur de Montevideo, Mataojo 2020, Montevideo (11400) Uruguay
25220910

SNI
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Nivel III (Activo)

Fecha de publicación: 26/07/2023
Última actualización: 06/06/2022

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Dirección: Mataojo 2020 / 11400
País: Uruguay / Montevideo / Montevideo
Teléfono: (598) 25220910 / 120
Correo electrónico/Sitio Web: alebus@pasteur.edu.uy
http://pasteur.uy/investigacion/laboratorios/microbiologia-molecular-y-estructural/

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Ciencias Químicas (1993 - 1998)

Universidad de Buenos Aires , Argentina
Título de la disertación/tesis/defensa: Estudios moleculares de sialidasas de Trypanosomátidos: relación estructura/función
Tutor/es: Alberto Carlos Clemente Frasch
Obtención del título: 1999
Financiación:
Universidad de Buenos Aires , Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Quimica Biologica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular

GRADO

Ciencias Biológicas (1986 - 1991)

Facultad de Ciencias Naturales y Museo de la Universidad Nacional de La Pla , Argentina
Título de la disertación/tesis/defensa:
Obtención del título: 1991
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología / Zoologia

Formación complementaria

CONCLUIDA

POSDOCTORADOS

Biologia Estructural de Sialidasas de Trypanosomatidos (1999 - 2003)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur , Francia
Financiación:
Institut Pasteur Paris , Francia
Palabras Clave: Cristalografia difraccion de rayos X glicobiologia estructural
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

ESRF/EMBL COURSE: Strategies in Macromolecular Structure Determination at 3rd Generation Synchrotron Radiation Sources (01/2003 - 01/2003)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Comunidad Europea , Francia
80 horas
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

CCP4/MAX-INF Refinement Workshop (2001)

Tipo: Taller
Institución organizadora: York University, Inglaterra
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Cristalografia Computacional

Idiomas

Francés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Biología Celular, Microbiología /Biología de Espiroquetas

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Bioquímica y Biología Molecular /Transducción de señales en bacterias

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Bioquímica y Biología Molecular /Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Actuación profesional

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESPAÑA

Centro Nacional de Biotecnología, CSIC / Depto de Estructura de Macromoleculas, Lab de Microscopia Electronica Tridimensional

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (01/2022 - a la fecha)

40 horas semanales / Dedicación total
Estadia en convenio con el Inst Pasteur, en el marco de una Estadia Cientifica ("Sejour Scientifique")

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - FRANCIA

Institut Pasteur Paris / Département de Microbiologie

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (12/2015 - a la fecha) Trabajo relevante

Inv Científico (equivalente a Prof Asociado) 50 horas semanales
Cargo permanente (staff) equivalente a Profesor Asociado, por concurso. Transferido en comisión al Institut Pasteur de Montevideo (agosto 2006 - continúa).

Funcionario/Empleado (07/2003 - 12/2015) Trabajo relevante

Inv Científico (equivalente a Prof Asistente) 40 horas semanales / Dedicación total
Cargo permanente (staff) equivalente a Profesor Asistente (por concurso). Transferido en comisión al Institut Pasteur de Montevideo (agosto 2006 - continúa).

Funcionario/Empleado (08/1999 - 06/2003)

Investigador Contractual Postdoctoral 40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Structural biology of glycogen synthase (06/2004 - 07/2006)

20 horas semanales
Departamento de Biologia Estructural y Quimica, Bioquimica Estructural , Integrante del equipo
Equipo: PEDRO ALZARI , LARA, S. , GUERIN, ME , UGALDE, R. , UGALDE, J.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia

Crystallographic studies of the trans-sialidase from Trypanosoma cruzi (09/1999 - 05/2004)

40 horas semanales
Departamento de Biologia Estructural y Quimica, Bioquimica Estructural , Integrante del equipo
Equipo: ALZARI , WITHERS , FRASCH , AMAYA
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Parasitologia

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

Instituto de Investigaciones Biologicas Clemente Estable (10/2006 - 11/2006)

Analisis funcional de genomas microbianos

UdelaR - Facultad de medicina, Departamento de Bioquimica (11/2005 - 11/2005)

Glicobiologia Molecular y Celular Coordinador: Dr. Eduardo Osinaga

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

Pase en comision como Responsable Cientifico de la Unidad de Cristalografia de Proteinas (07/2006 - a la fecha)

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografia de Proteinas
40 horas semanales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro del Comite de Evaluacion del Personal Cientifico (COMESP), Institut Pasteur, Paris (01/2018 - a la fecha)

Direccion de Carreras Cientificas (Direction des Carrières Scientifiques) Participación en consejos y comisiones 1 horas semanales

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (07/2006 - a la fecha) Trabajo relevante

Investigador Científico 50 horas semanales / Dedicación total
Responsable de la Unidad de Cristalografía de Proteínas / Investigador Principal del Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Biologia Estructural de transducción de señales en bacterias (11/2006 - a la fecha)

El objetivo general es entender al nivel molecular los mecanismos de modificaciones estructurales en proteinas que participan en procesos de transduccion de señales, con especial enfasis en sistemas a dos componentes de Bacillus subtilis y Leptospira spp. Nuestro enfoque esta fuertemente anclado en aproximaciones cristalograficas para determinar las estructuras tridimensionales de las macromoleculas a alta resolucion, en distintos estados funcionales.
Fundamental
20 horas semanales
Biologia Estructural, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Coordinador o Responsable
Equipo: Felipe TRAJTENBERG PAREJA , Juan Andrés IMELIO VIERA , Marcos NIEVES APOLITO , Sofia Lima
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Estudio del aparato locomotor de Leptospira (03/2013 - a la fecha)

Esta línea está enfocada en el estudio de la arquitectura molecular del filamento del flagelo de Leptospira spp. Los flagelos de las espiroquetas son únicos en el sentido de que el filamento queda confinado al espacio periplásmico entre las dos membranas celulares (a diferencia de lo que ocurre en modelos de bacterias Gram negativas "clásicas" como Escherichia o Salmonella, entre otros, en los que el filamento es típicamente extracelular, perforando la membrana externa). El flagelo periplásmico de las espiroquetas es esencial para que estas bacterias tengan movilidad translacional normal, la cual es fundamental para la virulencia de especies patogénicas. Las bases moleculares que ligan a esta estructura supramolecular con el cuerpo celular, permitiendo el movimiento de natación, son aún desconocidos. Nuestras evidencias preliminares muestran que el filamento de Leptospira es mucho más complejo en su constitución proteica que los flagelos de bacterias más estudiadas (en las que el filamento está constituido por una sola especie proteica, la flagelina). Esta línea se está desarrollando en colaboración con equipos en otros Institutos del extranjero, con los que estamos procurando financiación específica (Albert Ko y Charles Sindelar en la Universidad de Yale, USA; Mathieu Picardeau en el Inst Pasteur, Paris)
Fundamental
10 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Integrante del equipo
Equipo: PICARDEAU, M. , TRAJTENBERG F , SAN MARTIN, F. , KO, A. , WUNDER, E. , SINDELAR, C.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Aislamiento y tipificación de serovares autóctonos de Leptospira (09/2014 - 12/2018)

Esta línea se desarrolla en el marco de un proyecto colaborativo multicéntrico, junto al Instituto Nacional de Investigaciones Agronómicas INIA, el Depto de Bacteriología de la Facultad de Medicina (Instituto de Higiene, UdelaR), el Min de Ganadería, Agricultura y Pesca a través de su División de Laboratorios Veterinarios DILAVE, y el centro nacional de referencia de leptospirosis de Francia (Unité de Biologie des Spirochetes, Institut Pasteur, Paris). El objetivo central es el de aislar cepas autóctonas de bacterias del género Leptospira a partir de muestras biológicas de ganado bovino, sospechosos de estar infectados con esta bacteria. Dichos aislamientos serán tipificados con técnicas complementarias (serológicas ya presentes en el país, así como introduciendo técnicas moleculares, de mayor sensibilidad). Esto permitirá la constitución de un cepario de Leptospira, hoy ausente en el dominio público, útil para informar sobre serovares relevantes para la preparación de vacunas de mayor eficacia.
Aplicada
10 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Coordinador o Responsable
Equipo: SUANES, A. , SALABERRY, X. , RIVERO, R , BURONI, F. , DUTRA, F. , BRIANO, C. , BOUHRY, P. , PICARDEAU, M. , TRAJTENBERG, F. , SCHELOTTO, F. , LARIEUX, N. , VARELA, G. , MENY, P. , RíOS, C. , QUINTERO, J , RIET, F. , FRAGA, M. , ZARANTONELLI, L. , NIEVES, C.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Estudios estructurales, bioquímicos y biofísicos del ensamblado de la cápside retroviral (01/2011 - 12/2017)

En colaboración con el equipo liderado por el Prof Otto Pritsch (Institut Pasteur de Montevideo), nosotros nos hemos enfocado en los aspectos estructurales de la cápside del virus de la leucemia bovina (BLV por sus siglas en inglés). Hemos resuelto la estructura cristalográfica de la cápside nativa del BLV, brindando información sustancial sobre los residuos clave en el auto-ensamblado de esta superestructura macromolecular. Las interacciones con proteínas de la célula hospedera nos interesan para entender mecanismos biológicos de regulación del ensamblado y desensamblado durante el ciclo de vida de retrovirus.
Fundamental
10 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Integrante del equipo
Equipo: TRAJTENBERG F , CARRION, F , LARIEUX, N. , PRITSCH, O.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Factores de virulencia en la patogénesis de la enfermedad de Chagas (07/2008 - 08/2012)

El proyecto se centra en el estudio estructural y bioquímico de inmunocomplejos neutralizantes de anticuerpos específicos dirigidos contra la trans-sialidasa de Trypanosoma cruzi, un factor patogénico en la enfermedad de Chagas.
5 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas , Integrante del equipo
Equipo: LARRIEUX, N. , CAMPETELLA, O.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Ser/Thr Kinasas de Leishmania (10/2008 - 10/2011)

Somos un equipo colaborador en el marco del proyecto LEISHDRUG, un esfuerzo multicentrico financiado por la Union Europea (programa FP7 Salud), y coordinado por Gerald Spaeth (Institut Pasteur - Paris). El consorcio busca desarrollar nuevas drogas contra la infeccion por Leishmania, haciendo foco en las protein kinasas del parasito. Nuestro grupo esta a cargo de los objetivos vinculados a los estudios estructurales de dichas enzimas, siguiendo una estrategia de priorizacion en funcion de datos fenotipicos y bioinformaticos provistos por otros laboratorios del consorcio.
20 horas semanales
Biologia Estructural, Unidad de Cristalografia de Proteinas , Integrante del equipo
Equipo: BUSCHIAZZO, A. , SPAETH, G. , HORJALES, S.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia

Estrucrtural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalizacion

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Estudios de virulencia y patogenicidad de aislamientos autóctonos de Leptospira spp.: definición de antígenos bacterianos para la formulación de vacunas de uso veterinario (12/2019 - a la fecha)

Esta propuesta tiene como objetivo estudiar la virulencia de los aislamientos autóctonos de cepas patógenas de Leptospira (que aislamos y tipificamos en proyectos anteriores del laboratorio, y en colaboración con otras instituciones del país). Ahora caracterizaremos su potencial patogénico usando modelos de infección experimental murino, representativo de la enfermedad crónica en el hospedero bovino, así como en el propio modelo bovino Los resultados serán un insumo clave en la elección de variantes antigénicas de Leptospira a incluir en formulaciones de vacunas de uso veterinario.
6 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:2
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Alejandro BUSCHIAZZO , María Leticia ZARANTONELLI FRANCIONI (Responsable) , Camila Ciuffo Duque , Franklin RIET CORREA AMARAL , Florencia BURONI ZENI , Camila HAMOND , Alejandra Suanes , Federico GIANNITTI , Luiz Gustavo SCHNEIDER OLIVEIRA , Ximena SALABERRY DEAMBROSIO , Fabiana MARQUES BOABAID , María Valentina MACCHI VAZQUEZ , Fabiana LÓPEZ CAETANO , Rodolfo Carlos RIVERO GARCIA
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiologia

Leptospirosis bovina: evaluación de pérdidas reproductivas y medidas de control aplicadas en establecimientos ganaderos del Uruguay (12/2019 - a la fecha)

El objetivo de este trabajo es el estudio de la leptospirosis como causante de pérdidas reproductivas y evaluación de las medidas de control. Se estudiarán predios con altos y bajos índices reproductivos, se realizará un estudio de casos y controles a nivel animal. Para constatar la presencia de la enfermedad a nivel individual se realizará PCR y aislamiento, así como prueba de aglutinación microscópica (MAT). A su vez se realizará un muestreo ambiental y de otras especies de animales domésticos los cuales puedan estar involucradas en el ciclo epidemiológico de la enfermedad y un relevamiento de las medidas de control tomadas en los predios participantes. Este estudio brindará herramientas para mejorar las medidas de control utilizadas a nivel predial y eventualmente reducir la prevalencia de la Leptospirosis bovina en el Uruguay.
2 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Doctorado:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Alejandro BUSCHIAZZO , Alejandra Suanes (Responsable) , José Miguel PIAGGIO MAZZARA (Responsable) , María Leticia ZARANTONELLI FRANCIONI , Ximena SALABERRY DEAMBROSIO , María Valentina MACCHI VAZQUEZ , Franklin RIET CORREA AMARAL , Camila HAMOND , Florencia BURONI ZENI , Rodolfo Carlos RIVERO GARCIA , Ruben Edgardo GIANNEECHINI FONTANS , Víctor Santiago RODRÍGUEZ OVIEDO , Gustavo Desire Antunes Gastal , Catalina PICASSO RISSO , Alvaro Jorge NÚÑEZ ALESANDRE , Daniel CAVESTANY BÖCKING , Luiz Gustavo SCHNEIDER OLIVEIRA , Fabiana MARQUES BOABAID , Martín FRAGA COTELO , José Luis CALLERO CASSOU , Fabiana LÓPEZ CAETANO
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Epidemiología

Mecanismo molecular de la señalización en bacterias: la direccionalidad desde la señal a la respuesta (04/2018 - a la fecha)

La señalización es un fenómeno distintivo de la vida, permitiendo a las células adaptarse en respuesta a señales de entrada. Los sistemas de dos componentes (TCS, del inglés ?two-component

systems?), son maquinarias proteicas que controlan el flujo de información de un modo señal-dependiente en una gran variedad de organismos. Para ello utilizan rearreglos conformacionales 3D de las proteínas implicadas, ligados a la transferencia de un grupo fosforilo, entre la histidin-quinasa sensora (HKs, del inglés ?histidine kinase?), y el regulador de respuesta (RR). Los TCSs aseguran alta especificidad (evitando la asociación de pares HK:RR inespecíficos, entre docenas de TCSs co-expresados en la célula), eficiencia y direccionalidad. Estos últimos dos aspectos están aún mal comprendidos, a pesar de su relevancia fundamental en Biología. ¿Cómo se evita la pérdida del fosforilo en ciclos fútiles de fosfotransferencia/desfosforilación? O bien, ¿cómo se regula la dirección apropiada de las vías minimizando las fosfotransferencias reversas? Revelar los mecanismos moleculares subyacentes es un objetivo central de esta propuesta. Nuestros resultados preliminares apoyan la hipótesis de que la fosfotransferencia ocurre como una reacción de sustitución nucleofílica disociativa, directamente correlacionada a la importante distancia interatómica observada entre los átomos dador (HisHK-Ne) y aceptor (AspRR-Od) del fosforilo. Este proyecto pondrá a prueba las hipótesis, interrogando TCSs modelo de sistemas reversibles e irreversibles, combinando abordajes complementarios, experimentales (mutagénesis sitio-específica, cristalografía y bioquímica de reacciones de fosfotransferencia) y computacionales (simulaciones clásicas y cuánticas). Los avances contribuirán a entender la evolución de sistemas de fosfotransferencia irreversible (P~His-->Asp), tal como en los TCSs canónicos. Así como otros reversibles ([P~]His<-->Asp[~P]), típicos en módulos TCS de sistemas más complejos de tipo "phosphorelay". Anticipamos también contribuir en Biología Sintética, haciendo más predecible el diseño de biosensores basados en nuevas especificidades HK/RR: asegurando eficiencia y direccionalidad, por incorporación de elementos de simetría/asimetría en los sitios de reacción.
10 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Doctorado:2
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Marcelo Martí , Felipe TRAJTENBERG PAREJA , Joaquín DALLA RIZZA AISHEMBERG , Claudia Nicole LARRIEUX CIUFFREDA , Matías Rodrigo MACHADO GONZALEZ
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Integrative Microbiology of Zoonotic Agents (IMiZA) (01/2017 - a la fecha)

This project is aimed at studying leptospirosis, an emerging zoonosis, integrating complementary approaches. Leptospira adapts to diverse conditions within the human/animal hosts and the environment. We are conducting genetics, genomics, transcriptomics, proteomics, biochemistry and structural biology approaches to understand signaling, regulation and motility in these atypical bacteria. Fundamental biology insights shall uncover critical protein targets, instrumental for novel immunoprophylactic/therapeutic intervention strategies. This project is funded through an Joint International Unit program (Institut Pasteur-Paris/Institut Pasteur Montevideo). IMiZA is built upon complementation of existing skills in the two associated labs, Structural Biology (at IP-Montevideo) and Molecular Genetics (at IP-Paris), skills that are being consolidated. Vaccine design, an exciting new challenge, will jointly build expertise in Structural and Reverse Vaccinology. To undertake such a challenge, current collaborations will be consolidated, and new ones launched within and beyond the Inst Pasteur International Network. This project will set the foundations for future studies of other zoonoses (TB, brucellosis, campylobacteriosis). The general aims of IMiZA are focused on i- elucidating adaptation mechanisms of Leptospira in human and animal hosts, as well as in the environment; ii- uncovering novel protein targets; iii- identifying novel immunoprophylactic/therapeutic intervention strategies; and, iv- building novel capacities to tackle other zoonoses (TB, brucellosis, etc) in the future. Specific aims: 1. To identify mechanisms involved in the survival and persistance of leptospires in the environment and the host. This aim will significantly extend our current lines of research; 2. To perform a comprehensive analysis of leptospiral exoproteins. We have preliminary proteomics data of Leptospira extracellular proteins (Eshghi et al., 2015). Outer membrane and secreted proteins constitute key components through which the bacteria interact with their surrounding environments. Critical targets, including the immunoglobulin-like protein LigA and Leucin-Rich Repeat (LRR) proteins will be studied focusing on their interactions with host proteins. 3. To develop new leptospirosis vaccines. With expected impact in animal and public health, the Buschiazzo team is focused on bovine leptospirosis within a collaborative multi-centric project (2015-2018; including veterinarian vaccine companies). This Uruguayan network has been established, with key local partners enabling sampling and field

studies of vaccine efficacy and potency. The Picardeau team is identifying Leptospira strains in France, and surface-exposed antigens, towards canine vaccines (in collaboration with industrial partners). A synergic cooperation between Paris and Montevideo will now be possible through this project.
15 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Doctorado:3
Financiación:
Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Mathieu PICARDEAU (Responsable)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas

Molecular mechanism of spirochetal motility: the endoflagellum of Leptospira as a working model (06/2019 - a la fecha)

This is a multi-disciplinary project to build a near-atomic resolution 3D model of the flagellum from Leptospira, and delineate how this unique architecture determines its function as an extremely efficient motility apparatus. We build this proposal on a long-standing collaboration between a team of experts that cover the different disciplines engaged, according to the following specific aims: 1) Identify the molecular architecture of the endoflagellum from Leptospira. 2) Characterize the components of in vivo flagellar assembly and function.
5 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Especialización:1
Doctorado:1
Financiación:
Agence National de la Recherche , Francia, Apoyo financiero
Equipo: Picardeau, M. (Responsable) , Robert GAULTNEY , Nadia BENAROUDJ , Alejandro BUSCHIAZZO , Felipe TRAJTENBERG PAREJA , Fabiana SAN MARTÍN LARROSA , Mondino, S , Julia CHAMOT-ROOKE , Diogo BORGES-LIMA , Mathieu DUPRE , Martial REY , Sven van Teeffelen , Charles SINDELAR , Kimberley GIBSON , Albert KO , Elsio WUNDER
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Cuantificación de la estabilidad y calidad de proteínas mediante nano Fluorimetría Diferencial de Barrido (07/2019 - 07/2020)

El proyecto actual permitió adquirir e instalar un equipo para hacer nano Fluorimetría Diferencial de Barrido con tecnología de punta, así como entrenar el personal a cargo. Durante el primer año se realizarán ensayos de puesta a punto de la tecnología dirigidos a i- aumentar la cristalizabilidad de proteínas de interés, y ii- mejorar la solubilidad de especies proteicas por ingeniería de proteínas; se pasará luego iii- al trabajo de rutina, permitiendo la evaluación de calidad y estabilidad de proteínas recombinantes de grupos de investigación y laboratorios biotecnológicos, la solubilización de proteínas recalcitrantes por replegado, y la contribución en estudios de comparabilidad de biofármacos, usando mínimas cantidades de productos biológicos.
4 horas semanales
Desarrollo
Coordinador o Responsable
Concluido
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Alejandro BUSCHIAZZO , Felipe TRAJTENBERG PAREJA , Joaquín DALLA RIZZA AISHEMBERG , Federico CARRIÓN RUNCO
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Creación y caracterización de un banco de cepas de Leptospira spp. aisladas de casos de leptospirosis bovina en Uruguay (06/2015 - 12/2018)

La leptospirosis es una de las zoonosis más extendidas mundialmente. Es una enfermedad transmisible que afecta a animales y a seres humanos, causada por las especies patógenas del género Leptospira. Se transmite de los animales infectados al hombre generando en este último una enfermedad seria, con signos clínicos severos. Si no es diagnosticada y tratada adecuadamente puede ser mortal. La leptospirosis tiene un alto impacto en el área veterinaria y de salud animal. En bovinos, la infección aguda de terneros causa septicemia y alta mortalidad y en vacas causa abortos, nacimiento de crías débiles, mastitis y agalactia. La infección crónica causa disminución de la eficiencia reproductiva del rebaño, con mayor número de servicios por preñez y aumento del intervalo entre partos. Vacunas y antibióticos son herramientas disponibles para el control de esta enfermedad en animales y protección indirecta en el hombre. Sin embargo la variabilidad antigénica del género Leptospira, que permite la clasificación en serovares, puede comprometer la eficacia de las vacunas elaboradas con bacterias inactivadas. Para ser eficientes las vacunas tienen que incluir cepas autóctonas antigénicamente aptas dado que hay serovares que son menos inmunogénicos que otros y la protección cruzada es limitada. Uruguay no cuenta con una colección de cepas autóctonas en el dominio público y no se sabe qué cepas o serovares circulan y cuál es la dinámica de cambio de serovares prevalentes en el tiempo. Este proyecto propone la constitución de un equipo colaborativo e interdisciplinario para abordar la leptospirosis bovina. La culminación exitosa permitirá la creación de un banco de cepas de Leptospira spp aisladas a partir de casos de leptospirosis en el ganado vacuno. Dicho banco será caracterizado mediante técnicas serológicas y moleculares generando datos microbiológicos locales genuinos que sirvan de base para la producción y el control de calidad de las vacunas nacionales.
15 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Desarrollo
Coordinador o Responsable
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: SCHELOTTO, F. , VARELA, G. (Responsable) , MENY, P. , RíOS, C. , RIET, F. (Responsable) , FRAGA, M. , ZARANTONELLI, L. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable) , ACUñA, P. (Responsable) , CATTANEO, M (Responsable) , COSTOYA, R (Responsable)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Tipificación y diagnóstico de Leptospira spp. por técnicas moleculares: hacia el diseño de vacunas recombinantes (09/2014 - 09/2017)

La leptospirosis es una de las zoonosis con más amplia distribución en el mundo. Causada por distintas cepas patógenas de Leptospira spp., afecta a todas las especies de animales domésticos. En bovinos es una de las principales causas de aborto, así como un permanente riesgo de dispersión de la zoonosis, en especial para trabajadores vinculados al trabajo de campo. Leptospira spp. presenta una enorme variabilidad antigénica, y una gran cantidad de hospedadores potenciales. Es por ende un tema complicado a la hora de generar programas de control eficaces. La vacunación sigue siendo una herramienta muy preciada para la prevención de los animales sanos y susceptibles. Las vacunas contra leptospirosis bovina actualmente disponibles en el mercado consisten en suspensiones de leptospiras inactivadas. En dichas formulaciones se incluyen uno o más serovares. Sin embargo, la eficacia de las vacunas actuales es cuestionada. Si bien la técnica de microaglutinación (MAT), que lleva adelante la DILAVE (Ministerio de Ganadería, Agricultura y Pesca) continúa siendo la técnica gold standard para diagnosticar infecciones de acuerdo a serovares, es bien conocido que presenta una baja sensibilidad. El MAT puede ser útil para el diagnóstico en casos agudos, pero puede dificultarlo en otros, por ejemplo en el curso crónico y subclínico de la enfermedad. Este proyecto se propone aislar cepas locales de Leptospira, y tipificarlas con aproximaciones tanto serológicas como moleculares. Así se podrá contar con un cepario bien caracterizado, del que hoy no disponen las entidades nacionales de vigilancia y control sanitario. Asimismo, desarrollar un método de diagnóstico molecular rápido de Leptospira a partir de muestras biológicas, permitiría implementar precozmente la terapia con antibióticos. Toda esta información asesorará en la formulación de vacunas. El análisis de antígenos inmunogénicos permitirá también establecer bases moleculares para el diseño u optimización de futuras vacunas recombinantes.
15 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural

Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:2
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: TRAJTENBERG F , LARIEUX, N. , ZARANTONELLI, L. , NIEVES, C. , SUANES, A. , SALABERRY, X. , BURONI, F. , BOUHRY, P. , PICARDEAU, M. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Determination of the molecular and immunological features of the non-structural secreted glycoprotein from Ebola virus (05/2015 - 05/2017)

La fiebre hemorrágica Ébola es una enfermedad viral que afecta a los seres humanos y los primates no humanos, para la que aún nos falta información importante en cuanto al mecanismo de patogénesis. Nosotros nos planteamos generar datos relevantes al nivel molecular, que serán pues pertinentes para el desarrollo de estrategias profilácticas efectivas y/o intervenciones terapéuticas. Nos proponemos estudiar en detalle la estructura 3D de la forma secretada de la glicoproteína (sGP) del virus Ébola, que a pesar de ser secretada abundantemente en los pacientes infectados, aún no ha sido dilucidada su función biológica. sGP comparte una gran parte de su secuencia con la glicoproteína estructural de superficie del virus. Por ende nos parece interesante entender mejor las características comunes y distintivas entre las dos variantes, dadas las funciones clave que desempeña la forma de superficie: fijación a la célula hospedera y fusión de membranas. La expresión temprana y la secreción en el torrente sanguíneo de los pacientes también hace de la glicoproteína no estructural sGP una molécula de mucho interés para diagnóstico.
5 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Financiación:
Institut Pasteur Paris, Francia, Apoyo financiero
Equipo: CARRION, F , PRITSCH, O.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Cell signaling in bacterial pathogenesis: iron metabolism regulation in Leptospira as a working model (10/2011 - 03/2014)

El proyecto está centrado en la dilucidación de los mecanismos moleculares de la transducción de seales en Leptospira spp., incluyendo en particular a las especies patógenas que causan leptospirosis, a través de una aproximación multidisciplinaria. Más específicamente, procuramos combinar la potencia de la genómica masiva de próxima generación, genética, biología estructural y biología celular, para conectar las escalas de nivel molecular y celular. Nos proponemos identificar genes en Leptospira, involucrados en la respuesta a niveles de hemo y hierro; caracterizar la vía de seññalización que implica al sistema a dos componentes Hklep/Rrlep, ligado a la regulación de la biosíntesis de hemo en estas bacterias; y, realizar estudios de localización subcelular de sistemas de señalización bacterianos.
10 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Cristalografía de Proteínas
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: TRAJTENBERG, F. , BOTTI, H. , AGUILAR, P. , PICARDEAU, M. , KO, A.
Palabras clave: Cristalografia biosíntesis de hemo regulación sistema a dos componentes

Virulence factors in the pathogenesis of Chagas Disease. (07/2008 - 08/2012)

Trypanosoma cruzi is the causative agent of Chagas disease or American Trypanosomiasis. Chagas

Disease continues to be a relevant infectious cause of death in Latin America where at least 50,000 people die every year and many young men become disabled to rural work with high economic impact to their families. It is estimated that 18,000,000 persons are already infected and 100,000,000 are at risk of infection with 200,000 new cases/year. The disease is also transmitted in uterus and by contaminated blood extending the risk of infection out of the endemic regions. Even though this parasite is unable to synthesize sialic acids de novo, its attachment to, and invasion of host cell as well as its physical protection against serum lytic factors depend upon the sialylation of its membrane-anchored components. To circumvent this gap, the parasite expresses a novel trans-sialidase (TS) activity on its surface, which scavenges sialyl residues from host glycoconjugates and use them to transglycosylate its own acceptor molecules. No similar mammal enzyme is described. In addition to the parasite surface-associated role TS is shed into the bloodstream. The systemically distributed enzyme triggers several of the pathologic findings associated to the acute phase of the disease by inducing apoptosis on different cells of the immune system, thrombocytopenia and erythropenia. The control of this virulence factor by neutralizing antibodies results in prevention of all those abnormalities then suggesting a target for chemotherapy This project attempts to obtaining novel cellular and molecular insights into the multiple pathogenic roles played by TS during infection and to obtain clues for the rational design of inhibitors that might be used in chemotherapy. The immune cells glycoconjugates involved as targets of the TS are being identified by tagged sugars and mass spectra to gain knowledge on the cellular mechanisms involved. The interaction of the modified surface molecules with the endogenous ligands that leads to the associated mechanisms of death are also being searched. The extent to which the immune system damage induced by the TS is reflected on the ongoing immune response will be determined by using ovalbumin specific TCR transgenic mice. The structural basis of the TS inhibition is being studied by the 3D resolution of the binary complex with a high affinity neutralizing monoclonal antibody.
5 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Cristalografía de Proteínas
Investigación
Integrante del Equipo
Concluido
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: CAMPETELLA, O. (Responsable) , LARRIEUX, N.
Palabras clave: chagas anticuerpos monoclonales neutralizantes cristalografía de inmunocomplejos factores de virulencia

Signal transduction in Leptospira virulence regulation: a multidisciplinary approach. (07/2010 - 07/2012)

Signal transduction is a fundamental biologic phenomenon, allowing cells to sense and adapt to changing environmental conditions. In bacteria, two component systems (TCS) play a key role in signaling. Leptospira has a high number of kinase/regulatory TCSs. Serine/threonine protein kinases, which are much more common in eukaryotes, are also present in Leptospira genomes, strongly suggesting complex modes of regulation. This pilot project aims to generate preliminary results to prove that protein-kinase mediated signaling, regulates Leptospira virulence. This will produce novel insights into pathogenesis mechanisms at the molecular level. A multidisciplinary approach complementing bioinformatics, molecular biology, in vivo and structural biology methods, is envisaged to achieve our goals. The term virulence is explicitly associated to any biological function of the bacteria enabling it to better colonize, invade, or damage the cognate hosts it infects. Phenomena such as chemotaxis, locomotion, temperature sensing, quorum sensing and biofilm formation, among others, may all be directly coupled to virulence and pathogenicity. Many of these aforementioned processes are probably controlled by sensory transduction systems, as has been described in other bacterial models, thereby allowing to safely predict kinase/regulators as main players in Leptospira pathogenesis. Very little is known about signaling and regulation in Leptospira, in contrast with other classical bacterial models. Simultaneously, the understanding of the mechanisms of signal transduction and how these pathways are able to regulate different cellular responses, is still poorly understood at the molecular level in the whole Microbiology field. This makes Leptospira spp. an excellent model to undertake a combined microbiological and structural/molecular approach. Our work will rely on microbiological and animal model approaches to study selected HK mutants, which will be also studied at the molecular level using protein crystallography. In combination with a data mining effort based on state-of-the-art bioinformatics tools, we will attempt to extend current knowledge of signal transduction by exploiting the available genomic/transcriptomic/proteomic data in Leptospira spp. The teams involved have complementary expertise in all these areas, enabling to pursue the consolidation of a molecular pathogenesis task force. The training of personnel in these complementary techniques will be a major aim of the program. At the end of the project we expect to have *obtained a database of novel

kinase/regulator targets in Leptospira spp.; *identified kinase/regulator knockouts that attenuate Leptospira virulence; and, *solved high resolution 3D structures of selected kinase/regulator proteins to determine structural motifs related to virulence. The collaborative nature of this proposal will allow this task force to later join ongoing wider-scoped efforts in leptospirosis, offering a validated knowhow in molecular pathogenesis.
15 horas semanales
Biologia Estructural , Unidad de Cristalografia de Proteinas
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: BOTTI, H , TRAJTENBERG, F. , GRAÑA, M. , PICARDEAU, MATHIEU , KO, ALBERT , RISTOW, P , NAYA, H , BENAROUDJ, N , WUNDER, E , REIS, M , BOURHY, P
Palabras clave: two component systems response regulators Ser/Thr protein kinasesprotein crystallography leptospirosis signal transduction

Targeting the Leishmania kinome for the development of novel anti-parasitic strategies (10/2008 - 10/2011)

Type of funding scheme: Framework Program 7 multicentric Collaborative project,Small or medium-scale focused research project) HEALTH-2007-2.3.4-1: Development of new tools to control infections due to parasites of the Trypanosomatidae family
10 horas semanales
Biologia Estructural , Unidad de Cristalografia de Proteinas
Investigación
Integrante del Equipo
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Doctorado:1
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: GERALD SPAETH (Responsable) , LUCIO FREITAS-JUNIOR , ALIA BENKAHLA , DAN ZILBERSTEIN , SIMON CROFT , MANUELA HELMER-CITTERICH , LUIS RIVAS , CEDRIC NOTREDAME , LAURENT MEIJER , IAIN PEMBERTON , DAVID ANDREU , CONRAD KUNICK

Estudios estructurales del mecanismo de transducción de señales en bacterias Gram+ (04/2009 - 04/2011)

Nos proponemos estudiar al nivel molecular cómo las bacterias son capaces de transducir la señal externa ligada a la variación térmica ambiental, adaptando su maquinaria de desaturación de ácidos grasos para modular la fluidez de la membrana. Para éllo, centraremos nuestros esfuerzos en el estudio estructural del sistema de dos componentes DesK/DesR de B. subtilis. Comprender, 1) cómo una histidin-quinasa logra transducir una señal a través de rearreglos moleculares, 2) cómo estos cambios modulan su actividad enzimática, y, en fin, 3) cómo la histidin-quinasa se asocia específicamente con su regulador de respuesta para transferirle el grupo fosfato o desfosforilarlo, constituyen el núcleo de nuestro interés científico. Nuestra hipótesis es que la transducción de la señal en histidin-quinasas implica un rearreglo conformacional intramolecular que modula sus actividades catalíticas y, eventualmente, su afinidad por otras proteínas específicas de la vía. DesK salvaje y mutantes específicos permiten atrapar distintos estados funcionales. Determinar sus estructuras 3D a alta resolución, brindará información relevante para comprender el mecanismo de transducción de señales al nivel molecular.
10 horas semanales
Biologia Estructural , Unidad de Cristalografia de Proteinas
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Doctorado:1
Equipo: TRAJTENBERG, F. , RUETALO, N. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable)
Palabras clave: Cristalografia coiled-coils transduccion de señales

Molecular mechanisms of signaling in fatty acid synthesis of Gram-positive bacteria (01/2007 - 05/2010)

The molecular understanding of lipid biosynthesis regulation in Gram+ bacteria is still fragmentary.

To unravel the mechanisms of signal integration in two key pathways of lipid homeostasis in Bacillus subtilis, we will focus on the study of two proteins that play a central role, DesK and FapR. The synthesis of unsaturated fatty acids is tightly controlled in response to cold shock, through a two-components system. This system includes a trans-membrane histidine-kinase, DesK, from which we have recently solved the 3D structure of the cytoplasmic domain. DesK detects a drop in environmental temperature, autophosphorylates and transfers thereafter the phosphate to its response regulator partner DesR, which finally regulates the expression of a key desaturase. We wish to understand which is the molecular nature of the signal detected by DesK and how this protein is able to integrate it in order to further transduce it. On the other hand, FapR is a protein that represses the transcription of almost all the genes encoding the enzymes of fatty acid synthesis. We have solved the 3D structure of one of its domains, proving that it directly binds the positive effector: malonyl-coenzymeA. Our current hypothesis puts forward a major conformational rearrangement triggered by malonyl-CoA, ultimately resulting in FapR releasing its DNA operator. Given that FapR is a global regulator highly conserved among Gram+ bacteria, validation of our structural hypotheses will also contribute to the identification and design of novel antibiotic molecules. All the target proteins of the project are available from the coordinators team as recombinant soluble material, highly purified and corresponding both to the full-length and the separated sub-domain versions. We will use an approach combining disciplines coming from biology and physics. We will rely on crystal-state X-ray diffraction to pursue our work aimed at solving the 3D structures of each different component, free or complexed with its cognate partner/ligand: full-length DesK (including its trans-membrane domain), alone and associated with DesR; full-length FapR with and without DNA and/or malonyl-CoA. Detailed comparison of high resolution structures along the transduction pathways will generate and/or validate mechanistic hypotheses to be tested by site-directed mutagenesis and functional experiments. The static crystallographic structures will be complemented by physics techniques that study the proteins in solution. NMR spectroscopy and complete thermodynamic characterizations of the protein targets represent high priority tasks. Methodological developments are envisaged both in NMR analyses of conformational dynamics as well as in structural thermodynamics to explain the cooperative phenomena. We plan to apply structural bioinformatics methods to both systems under study, in order to design small molecules using the structural and dynamic information that will be gathered. We are particularly interested in identifying malonyl-CoA mimetics unable to trigger transcriptional induction. The synthesis of candidate molecules selected from the virtual screenings, will allow their characterization in vitro and their validation in vivo.
20 horas semanales
Unidad de Cristalografía de Proteínas , Lab de Biología Estructural
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Pregrado:1
Doctorado:1
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: ALZARI, P. , NILGES, M. , DE MENDOZA, D. , VILA, A. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable)

EXTENSIÓN

Actividad conjunta de formación de profesores secundarios en Biología, Química y Física (04/2008 - 10/2008)

Institut Pasteur de Montevideo, Cristalografía y Biofísica de Proteínas - junto con el CERP de Colonia
2 horas

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (04/2015 - 04/2015)

Macromolecular Crystallography School 2013: From data processing to structure refinement and beyond
45 horas semanales

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (11/2014 - 11/2014)

Modern Approaches in Drug Discovery for Neglected Infectious Diseases
45 horas semanales

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (04/2013 - 04/2013)

Macromolecular Crystallography School 2013: From data processing to structure refinement and beyond
45 horas semanales

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (04/2010 - 04/2010)

Macromolecular Crystallography : Introduction and Applications
45 horas semanales

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Biologia Estructural, Unidad de Cristalografia de Proteinas (09/2008 - 09/2008)

Curso de Introduccion a la Virologia Estructural
40 horas semanales

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural

UdelaR - Facultad de Ciencias, Curso Regional AMSUD Pasteur (11/2007 - 12/2007)

Folding, misfolding and degradation of cellular proteins. Coordinadora: Dr. Monica Marin

UdelaR, Fac de Medicina (12/2005 - 12/2005)

Curso Regional AMSUD-Pasteur, sobre Glicobiología Celular y Molecular
40 horas semanales

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

Jefe de la Plataforma Tecnológica de Cristalografía de Proteínas - Institut Pasteur de Montevideo (09/2006 - a la fecha)

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas
2 horas semanales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro del Consejo Académico Institut Pasteur de Montevideo (11/2018 - a la fecha)

Participación en consejos y comisiones 2 horas semanales

Miembro Pleno (06/2007 - a la fecha)

Institut Pasteur de Montevideo, Claustro de Investigadores
Participación en consejos y comisiones

Miembro de la Comision de Investigaciones del Inst Pasteur de Montevideo (01/2014 - 01/2017)

Institut Pasteur de Montevideo
Participación en consejos y comisiones 5 horas semanales

Miembro Pleno en representacion de los investigadores (09/2009 - 05/2010)

Institut Pasteur de Montevideo, Comision de Plan Estrategico
Participación en consejos y comisiones

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Área Biología (PEDECIBA)

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (07/2006 - a la fecha)

Investigador Grado 5 40 horas semanales
En 2006 ingresé como Investigador Grado 4. Fui promocionado a Grado 5 en 2019.

ACTIVIDADES

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro de la Comisión Coordinadora (sub-áreas Biología Celular y Molecular; y, Bioquímica) del Área Biología (04/2019 - 02/2021)

Participación en consejos y comisiones 1 horas semanales

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Inst. Investigaciones Biotecnólógicas-Inst. Tecnológico de Chascomús

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (03/1997 - 07/1999)

Jefe de Trabajos Practicos 40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudios estructural/funcionales de sialidasas de Trypanosoma (03/1997 - 07/1999)

40 horas semanales
Area de Investigacion, Laboratorio de Biologia Molecular , Integrante del equipo
Equipo:
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia

DOCENCIA

(03/1997 - 07/1999)

Grado

Asignaturas:
Bases de Biotecnologia y Biologia Molecular, horas

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Facultad de Ciencias Exactas y Naturales Universidad de Buenos

Aires

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (03/1993 - 03/1997)

Docente auxiliar 9 horas semanales

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Ciencias Biológicas (03/1993 - 03/1997)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Genetica Molecular, horas
Introduccion a la Biologia Molecular y Celular, horas

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas
Carga horaria de investigación: 30 horas
Carga horaria de formación RRHH: 15 horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

Tempranamente en mi carrera, contribuí a dilucidar el mecanismo catalítico de las sialidasas. Estudiando la estructura 3D de sialidasas de Trypanosomas, dicho trabajo también desembocó en la identificación racional de inhibidores. Extendiendo a otras enzimas relevantes de parásitos trypanosomátidos, resolví la estructura 3D de la primer prolina racemasa eucariota (Trypanosoma cruzi), dilucidando su mecanismo catalítico, y resultando en una patente enfocada en el desarrollo de drogas trypanocidas. A partir del trabajo en sialidasas, participé luego en el estudio estructural de otras glicosiltransferasas de relevancia biológica, tales como la primer glucógeno sintetasa reportada, o también manosiltransferasas esenciales de mycobacterias (tuberculosis).
Más recientemente, y hasta la actualidad, me he concentrado en el estudio de rearreglos conformacionales (alosterismo) en proteínas clave de mecanismos de regulación en virus, bacterias y trypanosomátidos. Al cabo de estudiar Ser/Thr-kinasas de *Leishmania*, nuestro interés principal ha sido enfocado en bacterias. Inicialmente estudiando a FapR (regulador global de la biosíntesis de ácidos grasos en Gram+), luego nos implicamos centralmente en el estudio de sistemas de dos componentes (SDC), que transducen señales del ambiente al interior de las células disparando respuestas adaptativas. Estudiando varios SDCs (DesK/DesR de B. subtilis; HemK/HemR y LvrA/LvrB de Leptospira; entre otros), nos proponemos entender cómo trabajan en concierto las histidin-kinasas sensoras y sus partners específicos los reguladores de respuesta, al nivel molecular. Ambos componentes proteicos se comunican por transferencia de grupos fosforilo, actividad modulada en forma señal-dependiente. Nuestro trabajo ha contribuido a entender los determinantes moleculares que dichas proteínas señalizadoras poseen, asegurando que la señal se transmite en forma específica (sin ?cross-talk? inespecífico entre sistemas diferentes), con la correcta dirección (catalizando fosforil-transferencias reversibles o irreversibles en distintos sistemas) y de forma eficiente (sin ciclos fútiles de fosfotransferencia y defosforilación simultáneos).
Recientemente hemos extendido el trabajo en SDCs a otros modelos biológicos con interés biomédico y veterinario. Nos interesamos en espiroquetas del género Leptospira, agente causal de la leptospirosis, una zoonosis de gran importancia clínica. Hemos identificado SDCs que son factores de virulencia en dichas bacterias, o que regulan la expresión de factores de patogenicidad.
En forma derivada a la identificación de proteínas clave de virulencia en Leptospira, ahora nos proponemos desarrollar vacunas veterinarias, usando un abanico de aproximaciones: desde las más clásicas, hasta el diseño innovador de vacunas recombinantes diseñadas con técnicas de punta de vaccinología reversa y estructural. Las ideas clásicas se basan en métodos ya validados para obtener vacunas de mediana eficacia: formulaciones de bacterias enteras muertas (bacterinas), pero eligiendo los serovares antigénicos correctos que circulan en el país o región. Coordino un esfuerzo multicéntrico en este sentido, que ha creado el primer banco de cepas autóctonas en el dominio público en Uruguay, obtenidas a partir de aislamientos de casos de leptospirosis bovina. La identificación de antígenos proteicos individuales de importancia funcional para el patógeno (por ej factores de virulencia, o bien antígenos esenciales muy expuestos como los del aparato locomotor flagelar), nos guía nuestro trabajo actual hacia vacunas a subunidades recombinantes.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

3D cryo-electron microscopic imaging of bacterial flagella: novel structural and mechanistic insights into cell motility (Completo, 2022)

SONIA MONDINO , FABIANA SAN MARTIN , ALEJANDRO BUSCHIAZZO
Journal of Biological Chemistry, p.:102105 2022
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia

Estructural
Lugar de publicación: United states
Escrito por invitación
ISSN: 00219258
DOI: 10.1016/j.jbc.2022.102105
http://dx.doi.org/10.1016/j.jbc.2022.102105
Scopus

Listeria innocua isolated from diseased ruminants harbour minor virulence genes of _L. monocytogenes_ (Completo, 2022)

CAROLINA MATTO , BRUNO D'ALESSANDRO , MARÍA INÉS MOTA , VALERIA BRAGA , ALEJANDRO BUSCHIAZZO , EDGARDO GIANNEECHINI , GUSTAVO VARELA , RODOLFO RIVERO
Veterinary Medicine and Science, v.: 8 p.:735 - 740, 2022
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiologia
ISSN: 20531095
DOI: 10.1002/vms3.710
http://dx.doi.org/10.1002/vms3.710
Scopus

Allostery and protein plasticity: the keystones for bacterial signaling and regulation (Completo, 2021)

J. A. IMELIO , F. TRAJTENBERG , A. BUSCHIAZZO
Biophysical Reviews, 2021
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Lugar de publicación: Germany
Escrito por invitación
ISSN: 18672450
DOI: 10.1007/s12551-021-00892-9
http://dx.doi.org/10.1007/s12551-021-00892-9
Scopus

The crystal structure of yeast regulatory subunit reveals key evolutionary insights into Protein Kinase A oligomerization (Completo, 2021)

NICOLÁS GONZÁLEZ BARDECI , ENZO TOFOLÓN , FELIPE TRAJTENBERG , JULIO CARAMELO , NICOLE LARRIEUX , SILVIA ROSSI , ALEJANDRO BUSCHIAZZO , SILVIA MORENO
Journal of Structural Biology, v.: 213 p.:107732 2021
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Lugar de publicación: United states
ISSN: 10478477
DOI: 10.1016/j.jsb.2021.107732
http://dx.doi.org/10.1016/j.jsb.2021.107732
Scopus

AID overexpression leads to aggressive murine CLL and non-Ig mutations that mirror human neoplasms. (Completo, 2021)

PABLO ELÍAS MORANDE , XIAO-JIE YAN , JULIETA HAYDEE SEPULVEDA-YANEZ , NOÉ SEIJA , MARIA ELENA MARQUEZ , NATALIA SOLEDAD SOTELO , CECILIA ABREU , MARTINA CRISPO , GABRIEL FERNÁNDEZ-GRAÑA , NATALIA REGO , THERENCE BOIS , STEPHEN PATRICK METHOT , FLORENCIA PALACIOS , VICTORIA REMEDI , KANTI R RAI , ALEJANDRO BUSCHIAZZO , JAVIER MARCELO DI NOIA , MARCELO ALEJANDRO NAVARRETE , NICHOLAS CHIORAZZI , PABLO OPPEZZO
Blood, 2021
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular /
Lugar de publicación: United states
ISSN: 00064971
DOI: 10.1182/blood.2020008654
http://dx.doi.org/10.1182/blood.2020008654

Scopus

Role of the major determinant of polar flagellation FlhG in the endoflagella-containing spirochete *Leptospira* (Completo, 2021)

LENKA FULE , RUBEN HALIFA , CELIA FONTANA , ODILE SISMEIRO , RACHEL LEGENDRE , HUGO VARET , JEAN?YVES COPPÉE , GERALD L. MURRAY , BEN ADLER , DAVID R. HENDRIXSON , ALEJANDRO BUSCHIAZZO , SHUAIQI GUO , JUN LIU , MATHIEU PICARDEAU
Molecular Microbiology, v.: 116 p.:1392 - 1406, 2021
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Lugar de publicación: United kingdom
ISSN: 0950382X
DOI: 10.1111/mmi.14831
http://dx.doi.org/10.1111/mmi.14831
Scopus

Mycobacterium tuberculosis FasR senses long fatty acyl-CoA through a tunnel and a hydrophobic transmission spine (Completo, 2020) Trabajo relevante

LARA,J. , DIACOVICH,L. , TRAJTENBERG, F , LARRIEUX, N , MALCHIODI,E.L. , FERNANDEZ,M.M. , GAGO,G. , GRAMAJO,H. , BUSCHIAZZO, A.
Nature Communications, v.: 11 1 , p.:3703 2020
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 24011723
DOI: 10.1038/s41467-020-17504-x
https://www.nature.com/articles/s41467-020-17504-x

Causes of abortion in dairy cows in Uruguay (Completo, 2020)

Macías-Rioseco , Silveira, C.S. , FRAGA M , Casaux, ML , ANDRES CABRERA , MARIA E FRANCIA , ROBELLO, C. , MAYA L , ZARANTONELLI L , A. SUANES , Colina R , BUSCHIAZZO, A. , Giannitti F , Riet-Correa F.
Pesquisa Veterinária Brasileira, v.: 40 5 , p.:325 - 332, 2020
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Salud Animal
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 0100736X
DOI: 10.1590/1678-5150-pvb-6550
https://www.scielo.br/scielo.php?pid=S0100-736X2020000500325&script=sci_arttext&tlng=en
Scopus latindex SciELO

An Asymmetric Sheath Controls Flagellar Supercoiling and Motility in the Leptospira Spirochete (Completo, 2020) Trabajo relevante

GIBSON, KH , TRAJTENBERG, F , WUNDER, EA , BRADY, MR , SAN MARTÍN.F , MECHALY, A , SHANG, Z , LIU, J , PICARDEAU, M , KO, A , BUSCHIAZZO, A. , SINDELAR, CV
eLife, v.: 9 2020
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20502050
DOI: 10.7554/eLife.53672
https://elifesciences.org/articles/53672

Protein Dynamics in Phosphoryl-Transfer Signaling Mediated by Two-Component Systems (Completo, 2020)

TRAJTENBERG, F , BUSCHIAZZO, A.
Methods in molecular biology, v.: 2077 p.:1 - 18, 2020
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Escrito por invitación
ISSN: 10643745
DOI: 10.1007/978-1-4939-9884-5_1
Scopus

Molecular adaptations of NADP-malic enzyme for its function in C4 photosynthesis in grasses (Completo, 2019)

ALVAREZ CE , Bovdilova A , Höppner A , Wolff CC , Saigo M , TRAJTENBERG, F , Zhang T , BUSCHIAZZO, A. , Nagel-Steger L , Drincovich MF , Lercher MJ , Maurino VG
Nature Plants, v.: 5 7 , p.:755 - 765, 2019
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
ISSN: 20550278
DOI: 10.1038/s41477-019-0451-7

Two-Component Sensing and Regulation: How Do Histidine Kinases Talk with Response Regulators at the Molecular Level? (Completo, 2019) Trabajo relevante

BUSCHIAZZO, A. , TRAJTENBERG, F
Annual Review of Microbiology, v.: 73 2019
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Escrito por invitación
ISSN: 00664227
DOI: 10.1146/annurev-micro-091018-054627
Scopus WEB OF SCIENCE™

Draft Genome Sequences of 40 Pathogenic Leptospira Strains Isolated from Cattle in Uruguay (Completo, 2019)

NIEVES, C. , FERRÉS I. , Díaz-Viraqué F , BUSCHIAZZO, A. , ZARANTONELLI L , IRAOLA G.
Microbiology Resource Announcements, v.: 8 47 , 2019
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2576098X
DOI: 10.1128/MRA.00893-19
https://mra.asm.org/content/8/47/e00893-19

Glucose-6-Phosphate Dehydrogenase from the Human Pathogen Trypanosoma cruzi Evolved Unique Structural Features to Support Efficient Product Formation (Completo, 2019)

ORTIZ, C. , H. BOTTI , BUSCHIAZZO, A. , COMINI MA
Journal of Molecular Biology, v.: 431 11 , p.:2143 - 2162, 2019
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00222836
DOI: 10.1016/j.jmb.2019.03.023
Scopus WEB OF SCIENCE™

Isolation of pathogenic Leptospira strains from naturally infected cattle in Uruguay reveals high serovar diversity, and uncovers a relevant risk for human leptospirosis (Completo, 2018)

ZARANTONELLI L , A. SUANES , Buroni F. , Nieves, C , Ximena SALABERRY DEAMBROSIO , BRIANO CAROLINA , Ashfield, N , Silveira, C.S. , DUTRA, F. , Cristina Easton , FRAGA M , Giannitti F , Camila Hamond , Macías-Rioseco , Menendez, C , Mortola, A , Picardeau, M , Quintero, J , Rios, C , Rodríguez, V , ROMERO A. , VARELA, G. , Rivero, R , SCHELOTTO F , Riet-Correa F. , BUSCHIAZZO, A.
PLoS Neglected Tropical Diseases, v.: 12 9 , 2018
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 19352735
DOI: 10.1371/journal.pntd.0006694
WEB OF SCIENCE™

Conformational plasticity of the response regulator CpxR, a key player in Gammaproteobacteria virulence and drug-resistance (Completo, 2018)

Mechaly, AE , Haouz, A , Sassoon, N , BUSCHIAZZO, A. , Betton, JM , Alzari, M
Journal of Structural Biology, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
ISSN: 10478477
DOI: 10.1016/j.jsb.2018.08.001
Scopus WEB OF SCIENCE™

SIMBAD: a sequence-independent molecular-replacement pipeline (Completo, 2018)

Simpkin, AJ , Simkovic, F , Thomas, JMH , Savko, M , Lebedev, A , Uski, V , Ballard, C , Wojdyr, M , Wu, R , Sanishvili, R , Xu, Y , María-Natalia Lisa , BUSCHIAZZO, A. , Shepard, W , Rigden, DJ , Keegan, RM
Acta Crystallographica Section D Biological Crystallography, v.: 74 7 , p.:595 - 605, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
ISSN: 09074449
DOI: 10.1107/S2059798318005752
Scopus

Lvr, a Signaling System That Controls Global Gene Regulation and Virulence in Pathogenic Leptospira. (Completo, 2018)

Adhikarla, H. , Wunder, E.A. Jr. , Mechaly, A.E. , Mehta, S. , Wang, Z. , Santos, L. , Bisht, V. , Diggle, P. , Murray, G. , Adler, B. , Lopez, F. , Townsend, J.P. , Groisman, E. , Picardeau, M. , BUSCHIAZZO, A. , Ko, A.I.
Frontiers in Cellular and Infection Microbiology, v.: 8 p.:45 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 22352988
DOI: 10.3389/fcimb.2018.00045
https://www.frontiersin.org/journals/cellular-and-infection-microbiology

The crystal structure of the malic enzyme from Candidatus Phytoplasma reveals the minimal structural determinants for a malic enzyme. (Completo, 2018)

Alvarez, C.E. , Trajtenberg, F. , Larrieux, N. , Saigo, M. , Golic, A. , Andreo, C.S. , Hogenhout, S.A. , Mussi, M.A. , Drincovich, M.F. , BUSCHIAZZO, A.
Acta Crystallographica Section D Biological Crystallography, v.: 74 p.:332 - 340, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas
ISSN: 09074449
DOI: 10.1107/S2059798318002759
Scopus

FcpB is a surface filament protein of the endoflagellum required for the motility of the spirochete Leptospira (Completo, 2018)

Wunder Jr., E.A. , Slamti, L. , Suwondo, D.N. , Gibson, K.H. , Shang, Z. , Sindelar, C.V. , Trajtenberg, F. , BUSCHIAZZO, A. , Ko, A.I. , Picardeau, M.
Frontiers in Cellular and Infection Microbiology, v.: 8 p.:130 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Medio de divulgación: Internet

ISSN: 22352988
DOI: 10.3389/fcimb.2018.00130
https://www.frontiersin.org/article/10.3389/fcimb.2018.00130

Structural Coupling between Autokinase and Phosphotransferase Reactions in a Bacterial Histidine Kinase (Completo, 2017)

MECHALY AE , SOTO DIAZ S , SASSOON N , BUSCHIAZZO, A. , BETTON JM , ALZARI PM
Structure, v.: 25 6 , p.:939 - 944, 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
ISSN: 09692126
DOI: 10.1016/j.str.2017.04.011
Scopus WEB OF SCIENCE™

Crystallization of FcpA from Leptospira, a novel flagellar protein that is essential for pathogenesis. (Completo, 2017)

SAN MARTIN F , MECHALY AE , LARRIEUX N , WUNDER EA JR , KO AI , PICARDEAU M , TRAJTENBERG, F. , BUSCHIAZZO, A.
Acta Crystallographica Section F Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 73 p.:123 - 129, 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
ISSN: 17443091
DOI: 10.1107/S2053230X17002096
WEB OF SCIENCE™

Snapshots of the Signaling Complex DesK:DesR in Different Functional States Using Rational Mutagenesis and X-ray Crystallography. (Completo, 2017)

Imelio, J.A. , Larrieux, N. , Mechaly, A.E. , Trajtenberg, F. , BUSCHIAZZO, A.
BIO-PROTOCOL, v.: 7 p.:2510 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas
Medio de divulgación: Internet
Escrito por invitación
ISSN: 23318325
DOI: 10.21769/BioProtoc.2510
https://bio-protocol.org/

What Makes a Bacterial Species Pathogenic?:Comparative Genomic Analysis of the Genus Leptospira (Completo, 2016)

MATTHIAS, MA , FOUTS, DE , ADHIKARLA, H , ADLER, B. , AMORIM-SANTOS, L. , BERG, D.E. , BULACH, D. , BUSCHIAZZO, A. , CHANG, Y.F. , GALLOWAY RL , HAAKE DA , HAFT DH , HARTSKEERL R , KO, A.I. , LEVETT PN , MATSUNAGA J , MECHALY A.E. , MONK JM , NASCIMENTO AL , NELSON KE , PALSSON B , PEACOCK SJ , PICARDEAU M , RICALDI JN , THAIPANDUNGPANIT J , WUNDER EA JR , YANG XF , ZHANG JJ , VINETZ JM
PLoS Neglected Tropical Diseases, v.: 10 2 , 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 19352735
DOI: 10.1371/journal.pntd.0004403
WEB OF SCIENCE™

Data publication with the structural biology data grid supports live analysis. (Completo, 2016)

MEYER PA , BUSCHIAZZO, A. , SOCIAS S , KEY J , RANSEY E , TJON EC , LEI M , BOTKA C , WITHROW J , NEAU D , RAJASHANKAR K , ANDERSON KS , BAXTER RH , BLACKLOW SC ,

BOGGON TJ , BONVIN AM , BOREK D , BOREK D , CAFLISCH A , CHANG CI , CHAZIN WJ , CORBETT KD , COSGROVE MS , CROSSON S , DHE-PAGANON S , DI CERA E , DRENNAN CL , ECK MJ , EICHMAN BF , FAN QR , FROMME JC , GARCIA KC , GAUDET R , GONG P , HARRISON SC , HELDWEIN EE , JIA Z , KEENAN RJ , KRUSE AC , KVANSAKUL M , MCLELLAN JS , MODIS Y , NAM Y , OTWINOWSKI Z , PAI EF , PEREIRA PJ , PETOSA C , RAMAN CS , RAPOPORT TA , ROLL-MECAK A , ROSEN MK , RUDENKO G , SCHLESSINGER J , SCHWARTZ TU , SHAMOO Y , SONDERMANN H , TAO YJ , TOLIA NH , TSODIKOV OV , WESTOVER KD , WU H , FOSTER I , FRASER JS , MAIA FR , GONEN T , KIRCHHAUSEN T , DIEDERICHS K , CROSAS M , SLIZ P
Nature Communications, v.: 7 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
ISSN: 20411723
DOI: 10.1038/ncomms10882
Scopus WEB OF SCIENCE™

A novel flagellar sheath protein, FcpA, determines filament coiling, translational motility and virulence for the Leptospira spirochete. (Completo, 2016)

WUNDER EA JR , FIGUEIRA CP , BENAROUDJ N , HU B , TONG BA , TRAJTENBERG, F. , LIU J , REIS MG , CHARON NW , BUSCHIAZZO, A. , PICARDEAU M , KO AI
Molecular Microbiology, v.: 101 3 , p.:457 - 470, 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 13652958
DOI: 10.1111/mmi.13403

Crystal Structure of the Metallo-β-Lactamase GOB in the Periplasmic Dizinc Form Reveals an Unusual Metal Site. (Completo, 2016)

MORáN-BARRIO J , LISA MN , LARRIEUX N , DRUSIN SI , VIALE AM , MORENO DM , BUSCHIAZZO, A. , VILA AJ
Antimicrobial Agents and Chemotherapy, v.: 60 10 , p.:6013 - 6022, 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
ISSN: 00664804
DOI: 10.1128/AAC.01067-16
Scopus WEB OF SCIENCE™

Regulation of signaling directionality revealed by 3D snapshots of a kinase:regulator complex in action. (Completo, 2016) Trabajo relevante

TRAJTENBERG, F. , IMELIO JA , MACHADO MR , LARRIEUX N , MARTI MA , OBAL G , MECHALY AE , BUSCHIAZZO, A.
eLife, v.: 5 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Señalizacion
ISSN: 2050084X
DOI: 10.7554/eLife.21422
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural Basis of Pullulanase Membrane Binding and Secretion Revealed by X-Ray Crystallography, Molecular Dynamics and Biochemical Analysis (Completo, 2016)

EAST, A. , MECHALY, AE , HUYSMANS, GHM , BERNARDE, C. , TELLO-MANIGNE, D. , NADEAU, N. , PUGSLEY, AP , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, P.M. , BOND, PJ , FRANCETIC, O.
Structure, v.: 24 1 , p.:92 - 104, 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 09692126

DOI: 10.1016/j.str.2015.10.023
http://www.cell.com/structure/abstract/S0969-2126(15)00463-3
Scopus WEB OF SCIENCE™

Consecutive interactions with HSP90 and eEF1A underlie a functional maturation and storage pathway of AID in the cytoplasm (Completo, 2015)

METHOT, SP , LITZLER, LC , TRAJTENBERG, F. , ZAHN, A , ROBERT, F , PELLETIER, J , BUSCHIAZZO, A. , MAGOR, BG , DI NOIA, JM
The Journal of Experimental Medicine, v.: 212 4 , p.:581 - 596, 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 00221007
DOI: 10.1084/jem.20141157
Scopus WEB OF SCIENCE™

Conformational plasticity of a native retroviral capsid revealed by x-ray crystallography (Completo, 2015) Trabajo relevante

OBAL, G , TRAJTENBERG, F. , CARRION, F , TOMé, L. , LARRIEUX, N. , ZHANG, X. , PRITSCH, O. , BUSCHIAZZO, A.
Science, v.: 349 6243 , p.:95 - 98, 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /
ISSN: 00368075
DOI: 10.1126/science.aaa5182
Scopus WEB OF SCIENCE™

A coiled coil switch mediates cold sensing by the thermosensory protein DesK (Completo, 2015)

SAITA E , ABRIATA LA , TSAI YT , TRAJTENBERG, F. , LEMMIN T , BUSCHIAZZO, A. , DAL PERARO M , DE MENDOZA, D. , ALBANESI, D.
Molecular Microbiology, 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
ISSN: 0950382X
DOI: 10.1111/mmi.13118
Scopus WEB OF SCIENCE™

HemR is an OmpR/PhoB-like response regulator from Leptospira, which simultaneously effects transcriptional activation and repression of key haem metabolism genes. (Completo, 2014)

MORERO, N.R. , BOTTI, H , NITTA, KR , CARRION, F , OBAL, G , PICARDEAU, M , BUSCHIAZZO, A.
Molecular Microbiology, 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 0950382X
DOI: 10.1111/mmi.12763
Scopus WEB OF SCIENCE™

Allosteric Activation of Bacterial Response Regulators: the Role of the Cognate Histidine Kinase Beyond Phosphorylation. (Completo, 2014) Trabajo relevante

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , RUETALO, N. , BOTTI, H , MECHALY, AE , NIEVES, M , AGUILAR, PS , CYBULSKI, L , LARRIEUX, N. , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.
mBio, 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

ISSN: 21507511
DOI: 10.1128/mBio.02105-14
WEB OF SCIENCE™

Structural and molecular basis of the peroxynitrite-mediated nitration and inactivation of Trypanosoma cruzi iron-superoxide dismutases (Fe-SODs) A and B: disparate susceptibilities due to the repair of Tyr35 radical by Cys83 in Fe-SODB through intramolecular electron transfer. (Completo, 2014)

MARTINEZ, A. , PELUFFO, G. , PETRUK, A.A. , HUGO, M. , PIñEYRO, D. , DEMICHELI, V. , MORENO, D.M. , LIMA, A. , BATTHYANY, C. , DURAN, R. , ROBELLO, C. , MARTI, M.A. , LARRIEUX, N. , BUSCHIAZZO, A. , TRUJILLO, M. , RADI, R. , PIACENZA, L.
Journal of Biological Chemistry, 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
ISSN: 00219258
DOI: 10.1074/jbc.M113.545590
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural insights into bacterial resistance to cerulenin. (Completo, 2014)

TRAJTENBERG, F. , ALTABE, S. , LARRIEUX, N. , FICARRA, F. , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A. , SCHUJMAN, GE
FEBS Journal, 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
ISSN: 1742464X
DOI: 10.1111/febs.12785
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structure of a human IgA1 Fab fragment at 1.55 Å resolution: potential effect of the constant domains on antigen-affinity modulation (Completo, 2013)

CORREA A , TRAJTENBERG F , OBAL G , PRITSCH, O. , DIGHIERO G , OPPEZZO P , BUSCHIAZZO, A.
Acta Crystallographica Section D Biological Crystallography, v.: 69 3 , p.:388 - 397, 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunologia Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 09074449
DOI: 10.1107/S0907444912048664
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural basis for feed-forward transcriptional regulation of membrane lipid homeostasis in Staphylococcus aureus (Completo, 2013)

ALBANESI, D. , REH, G , GUERIN, ME , SCHAEFFER, F. , DEBARBOUILLE, M. , BUSCHIAZZO, A. , SCHUJMAN, GE , DE MENDOZA, D. , ALZARI, P.M.
PLoS Pathogens, v.: 9 1 , 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 15537366
http://www.plospathogens.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.ppat.1003108
Scopus

The Crystal Structure of the MAP Kinase LmaMPK10 from Leishmania major Reveals Parasite-specific Features pointing to Novel Regulatory Mechanisms (Completo, 2012)

HORJALES S , SCHMIDT-ARRAS D , RODRIGUEZ LIMARDO R , LECLERCQ O , OBAL G , PRINA E , TURJANSKI A , SPAETH G , BUSCHIAZZO, A.
Structure, v.: 20 10 , p.:1649 - 1660, 2012

Palabras clave: Ser/Thr kinases
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 09692126
http://www.cell.com/structure/retrieve/pii/S0969212612002560
Scopus WEB OF SCIENCE™

Trypanosoma cruzi trans-sialidase in complex with a neutralizing antibody: structure/function studies towards the rational design of inhibitors (Completo, 2012)

BUSCHIAZZO, A. , MUIÁ, R. , LARRIEUX, N. , PITCOVSKY, T. , MUCCI, J. , CAMPETELLA, O.
PLoS Pathogens, v.: 8 1 , 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 15537366
http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC3252381/
Scopus

Swapping FAD binding motifs between plastidic and bacterial ferredoxin-NADP(H) reductases (Completo, 2011)

MUSUMECI, M , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A. , CECCARELLI, E
Biochemistry, v.: 50 12 , p.:2111 - 2122, 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00062960
Scopus WEB OF SCIENCE™

Expression, crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of glucose-6-phosphate dehydrogenase from the human pathogen Trypanosoma cruzi in complex with substrate (Completo, 2011)

ORTIZ, C. , LARRIEUX, N. , MEDEIROS, A. , BOTTI, H. , COMINI, M. , BUSCHIAZZO, A.
Acta Crystallographica Section F Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 67 11 , p.:1457 - 1461, 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 17443091
Scopus WEB OF SCIENCE™

Crystal structure of an enzymatically inactive trans-sialidase-like lectin from Trypanosoma cruzi: The carbohydrate binding mechanism involves residual sialidase activity (Completo, 2011)

OPPEZZO, P. , OBAL, G. , BARAIBAR, M.A. , PRITSCH, O. , ALZARI, P.M. , BUSCHIAZZO, A.
Biochimica et Biophysica Acta (BBA) - Proteins and Proteomics, 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 15709639
DOI: 10.1016/j.bbapap.2011.04.012
Scopus WEB OF SCIENCE™

Evidence of adaptability in metal coordination geometry and active-site loop conformation among B1 metallo-beta-lactamases (Completo, 2010)

GONZÁLEZ, JM , BUSCHIAZZO, A. , VILA, AJ

Biochemistry, v.: 49 36 , p.:7930 - 7938, 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Cristalografía de Macromoléculas
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00062960
DOI: 10.1021/bi100894r
Scopus WEB OF SCIENCE™

Crystal structure of Mycobacterium tuberculosis LppA, a lipoprotein confined to pathogenic mycobacteria. (Completo, 2010)

GRAÑA, M. , BELLINZONI, M. , BELLALOU, J , HAOUZ, A. , MIRAS, I. , BUSCHIAZZO, A. , WINTER, N , ALZARI, P.M.
Proteins Structure Function and Bioinformatics, v.: 78 p.:769 - 772, 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 08873585
Scopus WEB OF SCIENCE™

Phylogenetic analysis of bovine leukemia viruses isolated in South America reveals diversification in seven distinct genotypes. (Completo, 2010)

MORATORIO, G. , OBAL, G. , DUBRA, A. , CORREA, A. , BIANCHI, S. , BUSCHIAZZO, A. , CRISTINA, J. , PRITSCH, O.
Archives of Virology, v.: 155 p.:481 - 489, 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 03048608
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural and enzymatic insights into the ATP-binding and autophosphorylation mechanism of a sensor histidine kinase. (Completo, 2010)

TRAJTENBERG, F. , GRAÑA, M. , RUETALO, N. , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A.
Journal of Biological Chemistry, 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalizacion
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: May 27. [Epub ahead of print]
ISSN: 00219258
Scopus WEB OF SCIENCE™

Active nuclear import and cytoplasmic retention of activation-induced deaminase. (Completo, 2009)

PATENAUDE, A.M. , ORTHWEIN, A. , HU, Y. , CAMPO, V.A. , KAVLI, B. , BUSCHIAZZO, A. , DI NOIA, J.M.
Nature Structural Biology, v.: 16 p.:517 - 527, 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 10728368
DOI: 10.1038/nsmb.1598

Structural plasticity and catalysis regulation of a thermosensor histidine kinase (Completo, 2009) Trabajo relevante

ALBANESI, D. , MARTIN, M. , TRAJTENBERG, F. , MANSILLA, M.C. , HAOUZ, A. , ALZARI, P.M. , DE

MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.
Proceedings of the National Academy of Sciences, v.: 106 p.:16185 - 16190, 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalizacion
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00278424
Scopus WEB OF SCIENCE™

Discovery of novel inhibitors of Trypanosoma cruzitrans-sialidase from in silico screening (Completo, 2009)

NERES, J , BREWER, ML , RATIER, L , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A. , EDWARDS, PN , MORTENSON, PN , CHARLTON, MH , ALZARI, PM , FRASCH, AC , BRYCE, RA , DOUGLAS, KT
Bioorganic & Medicinal Chemistry Letters, v.: 19 p.:589 - 596, 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / sintesis
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 0960894X
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structure of Mycobacterium tuberculosis Rv2714, a representative of a duplicated gene family in Actinobacteria. (Completo, 2009)

GRAÑA, M. , BELLINZONI, M. , MIRAS, I. , FIEZ-VANDAL, C. , HAOUZ, A. , SHEPARD, W. , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM
Acta Crystallographica Section F Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 65 p.:972 - 977, 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 17443091
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural insights into sialic acid enzymology (Completo, 2008)

BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM
Current Opinion in Chemical Biology, v.: 12 p.:565 - 572, 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 13675931
Electronic print ahead of publication
Scopus WEB OF SCIENCE™

A new generation of specific Trypanosoma cruzi trans-sialidase inhibitors (Completo, 2008)

BUCHINI, S. , BUSCHIAZZO, A. , WITHERS, SG
Angewandte Chemie International Edition in English, v.: 47 p.:2700 - 2703, 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / sintesis
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 05700833

Kinetic and mechanistic analysis of Trypanosoma cruzi trans-sialidase reveals a classical ping-pong mechanism with acid/base catalysis. (Completo, 2008)

BUCHINI, S. , DAMAGER, I , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , FRASCH, A.C. , WATTS, AG , WITHERS, SG
Biochemistry, v.: 47 p.:3507 - 3512, 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00062960
Scopus WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of M. leprae ML2640c defines a large family of putative S-adenosylmethionine-dependent methyltransferases in mycobacteria (Completo, 2007)

GRAÑA, M. , HAOUZ, A , BUSCHIAZZO, A. , MIRAS, I. , WEHENKEL, A , BONDET, V. , SHEPARD, W , SCHAEFFER, F , COLE, ST , ALZARI, PM
Protein Science, v.: 16 p.:1896 - 1904, 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / bioinformatica estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / bacteriologia
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 09618368
Scopus WEB OF SCIENCE™

Molecular recognition and interfacial catalysis by the essential phosphatidylinositol mannosyltransferase PimA from mycobacteria (Completo, 2007)

GUERIN, ME , KORDULAKOVA, A. , SCHAEFFER, F , SVETLIKOVA, Z. , BUSCHIAZZO, A. , GIGANTI, D. , GICQUEL, B. , MIKUSOVA, K. , JACKSON, J. , ALZARI, PM
Journal of Biological Chemistry, v.: 282 p.:20705 - 20714, 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Glicobiologia
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00219258
Scopus WEB OF SCIENCE™

Benzoic acid and pyridine derivatives as inhibitors of Trypanosoma cruzi trans-sialidase (Completo, 2007)

NERES, J , BONNET, P , EDWARDS, PN , KOTIAN, PL , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , BRYCE, RA , DOUGLAS, KT
Bioorganic & Medicinal Chemistry, v.: 15 5 , p.:2106 - 2119, 2007
Palabras clave: trans-sialidase inhibitors Chagas disease neuraminidase
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / sintesis
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 09680896
Scopus WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of Rv0813c from Mycobacterium tuberculosis reveals a new family of FABP-like proteins in bacteria (Completo, 2007)

SHEPARD, W , HAOUZ, A , GRAÑA, M. , BUSCHIAZZO, A. , BETTON, JM , COLE, ST , ALZARI, PM
Journal of Bacteriology, 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00219193
http://jb.asm.org/cgi/reprint/JB.01435-06v1
published online ahead of print on 15 December 2006 J. Bacteriol. doi:10.1128/JB.01435-06
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural basis of lipid biosynthesis regulation in Gram-positive bacteria (Completo, 2006)

SCHUJMAN, GE , GUERIN, ME , BUSCHIAZZO, A. , SCHAEFFER, F , LLARRULL, LI , REH, G , VILA, AJ , ALZARI, PM , DE MENDOZA, D.
The EMBO Journal, v.: 25 17 , p.:4074 - 4083, 2006
Palabras clave: fatty acid synthesis Gram-positive bacteria lipid homeostasis malonyl-CoA X-ray crystallography
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Regulacion transcripcional
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 02614189
http://www.nature.com/emboj/journal/v25/n17/abs/7601284a.html;jsessionid=26450A6AF4523B7D[
Schujman GE and Guerin M contributed equally to this work
Scopus WEB OF SCIENCE™

Continuous fluorimetric assay for high-throughput screening of inhibitors of trans-sialidase from Trypanosoma cruzi (Completo, 2006)

NERES, J , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , WALSH, L. , DOUGLAS, KT
Analytical Biochemistry, v.: 357 2 , p.:302 - 304, 2006
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / sintesis
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00032697
Scopus WEB OF SCIENCE™

Crystal structure, catalytic mechanism, and mitogenic properties of Trypanosoma cruzi proline racemase (Completo, 2006)

BUSCHIAZZO, A. , GOYTIA, M , SCHAEFFER, F , DEGRAVE, W. , SHEPARD, W , GRÉGOIRE, C , CHAMOND, N. , COSSON, A , BERNEMAN, A , COATNOAN, N. , ALZARI, PM , MINOPRIO, P.
Proceedings of the National Academy of Sciences, v.: 103 6 , p.:1705 - 1710, 2006
Palabras clave: B cell mitogen pyridoxal phosphate-independent proline racemase epimerases enzyme-inhibitor complex titration calorimetry
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00278424
http://www.pnas.org/cgi/content/full/103/6/1705
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural and kinetic analysis of two covalent sialosyl-enzyme intermediates on Trypanosoma rangeli sialidase (Completo, 2006)

WATTS, AG , OPPEZZO, P. , WITHERS, SG , ALZARI, PM , BUSCHIAZZO, A.
Journal of Biological Chemistry, v.: 281 7 , p.:4149 - 4155, 2006
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / sintesis
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00219258
http://www.jbc.org/cgi/content/full/281/7/4149
Scopus WEB OF SCIENCE™

Crystallization and preliminary crystallographic analysis of PimA, an essential mannosyltransferase from Mycobacterium smegmatis (Completo, 2005)

GUERIN, ME , BUSCHIAZZO, A. , KORDULAKOVA, A. , JACKSON, J. , ALZARI, PM
Acta Crystallographica Section E Structure Reports Online, v.: F61 p.:518 - 520, 2005
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 16005368
Scopus WEB OF SCIENCE™

Crystal structure of glycogen synthase: homologous enzymes catalyze glycogen synthesis and degradation (Completo, 2004)

BUSCHIAZZO, A. , UGALDE, JE , GUERIN, ME , SHEPARD, W , UGALDE, R. , ALZARI, PM
The EMBO Journal, v.: 23 16 , p.:3196 - 3205, 2004
Palabras clave: X-ray crystallography glycogen glycosyltransferase starch 3D structure

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 02614189
http://www.pubmedcentral.nih.gov/articlerender.fcgi?tool=pubmed&pubmedid=15272305
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural insights into the catalytic mechanism of Trypanosoma cruzi trans-sialidase (Completo, 2004)

AMAYA, MF , WATTS, AG , DAMAGER, I , WEHENKEL, A , NGUYEN, T. , BUSCHIAZZO, A. , PARIS, G , FRASCH, A.C. , WITHERS, SG , ALZARI, PM
Structure, v.: 12 5 , p.:775 - 784, 2004
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 09692126
http://www.sciencedirect.com/science?_ob=ArticleURL&_udi=B6VSR-4CC1J6C-8&_user=10&_coverDate=05%2F31
Scopus WEB OF SCIENCE™

Trypanosoma cruzi trans-sialidase operates through a covalent sialyl-enzyme intermediate: tyrosine is the catalytic nucleophile (Completo, 2003)

WATTS, AG , DAMAGER, I , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , FRASCH, A.C. , WITHERS, SG
Journal of the American Chemical Society, v.: 125 25 , p.:7532 - 7533, 2003
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / sintesis
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / Espectrometria de masa
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00027863
Scopus WEB OF SCIENCE™

Preliminary crystallographic studies of glycogen synthase from Agrobacterium tumefaciens (Completo, 2003)

GUERIN, ME , BUSCHIAZZO, A. , UGALDE, JE , UGALDE, R. , ALZARI, PM
Acta Crystallographica Section D Biological Crystallography, v.: 59 3 , p.:526 - 528, 2003
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 09074449
Scopus WEB OF SCIENCE™

The high resolution structures of free and inhibitor-bound Trypanosoma rangeli sialidase and its comparison with T. cruzi trans-sialidas (Completo, 2003)

AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , NGUYEN, T. , ALZARI, PM
Journal of Molecular Biology, v.: 325 4 , p.:773 - 784, 2003
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00222836
Scopus WEB OF SCIENCE™

The crystal structure and mode of action of trans-sialidase, a key enzyme in Trypanosoma cruzi pathogenesis (Completo, 2002)

BUSCHIAZZO, A. , AMAYA, MF , CREMONA, ML , FRASCH, A.C. , ALZARI, PM
Molecular Cell, v.: 10 4 , p.:757 - 768, 2002
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 10972765
Scopus WEB OF SCIENCE™

The trans-sialidase from the african trypanosome Trypanosoma brucei (Completo, 2002)

MONTAGNA, G. , CREMONA, ML , PARIS, G , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , FRASCH, A.C.
European Journal of Biochemistry, v.: 269 12 , p.:2941 - 2950, 2002
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00142956
Scopus WEB OF SCIENCE™

Probing molecular function of trypanosomal sialidases: single point mutations can change substrate specificity and increase hydrolytic activity (Completo, 2001)

PARIS, G , CREMONA, ML , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , GIAMBAGI, S. , FRASCH, A.C. , ALZARI, PM
Glycobiology, v.: 11 4 , p.:305 - 311, 2001
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 09596658
Scopus WEB OF SCIENCE™

The tyrosine aminotransferase from Trypanosoma rangeli: sequence and genomic characterization (Completo, 2000)

BONTEMPI, EJ , GARCIA, GA , BUSCHIAZZO, A. , HENRIKSSON, J. , PRAVIA, CA , RUIZ, AM , PETTERSSON, U. , PSZENNY, V.
FEMS Microbiology Letters, v.: 189 2 , p.:253 - 257, 2000
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 03781097
Scopus WEB OF SCIENCE™

Structural basis of sialyltransferase activity in trypanosomal sialidases (Completo, 2000)

BUSCHIAZZO, A. , TAVARES, GA , CAMPETELLA, O. , SPINELLI, S. , CREMONA, ML , PARIS, G , AMAYA, MF , FRASCH, A.C. , ALZARI, PM
The EMBO Journal, v.: 19 1 , p.:16 - 24, 2000
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 02614189
Scopus WEB OF SCIENCE™

Trypanosoma rangeli sialidase: cloning, expression and similarity to T. cruzi trans-sialidase (Completo, 1997)

BUSCHIAZZO, A. , CAMPETELLA, O. , FRASCH, A.C.
Glycobiology, v.: 7 8 , p.:1167 - 1173, 1997
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 09596658
Scopus WEB OF SCIENCE™

Medium scale production and purification to homogeneity of a recombinant trans-sialidase from Trypanosoma cruzi (Completo, 1996)

BUSCHIAZZO, A. , FRASCH, A.C. , CAMPETELLA, O.
Cellular and Molecular Biology, v.: 42 5 , p.:703 - 710, 1996
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Cromatografia
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 01455680
Scopus WEB OF SCIENCE™

Sequence of a Trypanosoma rangeli gene closely related to Trypanosoma cruzi trans-sialidase (Completo, 1993)

BUSCHIAZZO, A. , CREMONA, ML , CAMPETELLA, O. , FRASCH, A.C. , SÁNCHEZ, DO
Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 62 1 , p.:115 - 116, 1993
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 01666851
Scopus WEB OF SCIENCE™

Sequence of the gene for a Trypanosoma cruzi protein antigenic during the chronic phase of human Chagas disease (Completo, 1992)

BUSCHIAZZO, A. , CAMPETELLA, O. , MACINA, RA , SALCEDA, S. , FRASCH, A.C. , SÁNCHEZ, DO
Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 54 1 , p.:125 - 128, 1992
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 01666851
Scopus WEB OF SCIENCE™

Identification of the gene(s) coding for the trans-sialidase of Trypanosoma cruzi (Completo, 1992)

PARODI, AJ , POLLEVICK, GD , MAUTNER, M. , BUSCHIAZZO, A. , SÁNCHEZ, DO , FRASCH, A.C.
The EMBO Journal, v.: 11 5 , p.:1705 - 1710, 1992
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 02614189
Scopus WEB OF SCIENCE™

LIBROS

Histidine Phosphorylation (Participación , 2020)

TRAJTENBERG, F , BUSCHIAZZO, A.
Publicado , Methods in Molecular Biology
Editorial: Humana , New York, NY, USA
Tipo de puplicación: Investigación
DOI: 10.1007/978-1-4939-9884-5_1
Referado
Escrito por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
ISSN/ISBN: 978-1-4939-9884-5
https://link.springer.com/protocol/10.1007%2F978-1-4939-9884-5_1
Cita completa (capitulo de libro) : Trajtenberg F., Buschiazzo A. (2020) Protein Dynamics in Phosphoryl-Transfer Signaling Mediated by Two-Component Systems. In: Eyers C. (eds) Histidine Phosphorylation. Methods in Molecular Biology, vol 2077, pp 1-18. Humana, New York, NY

Capítulos:
Protein Dynamics in Phosphoryl-Transfer Signaling Mediated by Two-Component Systems
Organizadores: Eyers, C.
Página inicial 1, Página final 18

Biology of Parasitism (Participación , 1994)

CAMPETELLA, O. , SÁNCHEZ, D.O. , REYES, M.B. , POLLEVICK, G.D. , BUSCHIAZZO, A. , CREMONA, M.L. , GUERIN, M. , DINOIA, J. , FRASCH, A.C.C.
Publicado
Editorial: Ediciones Trilce , Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitologia Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN/ISBN:

Capítulos:
Trans-sialidase and the superfamily of Trypanosoma cruzi antigens
Organizadores: R. Ehrlich A. Nieto
Página inicial 187, Página final 195

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Molecular determinants of histidine kinase dependent phosphatase and phosphotransfer reactions in two- component systems (2021)

Lima Sofia , Federico OLIVIERI , Marcelo MARTI , BUSCHIAZZO, A. , TRAJTENBERG, F
Publicado
Resumen
Descripción: Cold Spring Harbor Meeting on Network Biology 2021
Año del evento: 2021
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
https://meetings.cshl.edu/abstracts.aspx? meet=network&year=21

Tandem phosphoryl transfers enable information transmission in bacteria: a metal at the center of (re)action (2021)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: VII Latin American Meeting on Biological Inorganic Chemistry
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2021

Watching bacterial sensors as they move: pliable proteins that transmit signals (2020)

BUSCHIAZZO, A. , IMELIO J. , Sofia Lima , TRAJTENBERG, F
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 20th International Union of Pure and Applied Biophysics Congress
Año del evento: 2020
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
https://iupab2020.sbbq.org.br/

Mechanistic insights of phosphoryl-transfer reactions in two- component systems (2020)

Lima Sofia , Blanco, J. , DALLA RIZZA J. , MARTI,M. , BUSCHIAZZO, A. , TRAJTENBERG, F
Publicado
Resumen
Descripción: Gordon Research Conference Sensory Transduction in Microorganisms
Ciudad: Ventura
Año del evento: 2020
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
https://www.grc.org/sensory- transduction-in-microorganisms- conference/2020/

Bacterial sensory machines, watch them as they move (2020)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: 30th Annual Users? Meeting LNLS / CNPEM
Ciudad: Campinas
Año del evento: 2020
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Going up or going down: phosphoryl flow directionality can shape signal encoding in TCSs (2019)

TRAJTENBERG, F , Sofia Lima , MARTÍ, M. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: EMBO Workshop Bacterial networks (BacNet19)
Ciudad: Sant Feliu de Guíxols, España
Año del evento: 2019
Publicación arbitrada
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
http://meetings.embo.org/event/19-bac-networks

Sensors and regulators: pliable proteins in bacterial signaling (2019)

BUSCHIAZZO, A. , IMELIO J. , Sofia Lima , TRAJTENBERG, F
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: International Symposium on Integrative Structural Biology
Ciudad: Curitiba, Brasil
Año del evento: 2019
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
http://www.abcristalografia.org.br/evento.php?cod=IntegrativeBiology

A diversity of rodent species are carriers of Leptospira in Uruguay raising public health concerns. (2019)

Camila Hamond , CABRERA, A. , CLARA, M. , ZARANTONELLI L , Riet-Correa F. , DELFRARO A. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: International Leptospirosis Society 2019 Scientific Meeting
Ciudad: Vancouver, Canada
Año del evento: 2019
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiologia
https://www.fourwav.es/view/836/info/

Regulation of virulence in Leptospira : new targets for diagnostics and vaccines? (2019)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen

Evento: Internacional
Descripción: REDBIO 2019
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2019
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
http://www.redbio.com.uy/redbio2019/

APLICACIÓN DE MÉTODOS MOLECULARES PARA LA IDENTIFICACIÓN Y GENOTIPIFICACIÓN DE ESPECIES PATÓGENAS DE LEPTOSPIRA EN MUESTRAS CLÍNICAS DE BOVINOS (2018)

NIEVES, C. , Camila Hamond , Buroni F. , RIVERO, R. , A. SUANES , SALABERRY DEAMBROSIO Ximena , Macías-Rioseco , Silveira, C.S. , Giannitti F , Riet-Correa F. , BUSCHIAZZO, A. , ZARANTONELLI L
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: XLVI Jornadas Uruguayas de Buiatría
Ciudad: Paysandú
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiologia
Medio de divulgación: Otros

Bacterial Signaling Proteins: 3D Structures of a Kinase:Regulator Complex in Action (2018)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 3rd Protein Biophysics at the End of the World Symposium
Ciudad: Santiago, Chile
Año del evento: 2018

The 3D structure of a virulence regulator protein from Leptospira interrogans reveals a novel signaling mechanism (2018)

AEM , TRAJTENBERG, F , Haritha ADHIKARLA , Elsio WUNDER JR , Mathieu PICARDEAU , Albert I. KO , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference
Ciudad: Ventura (USA)
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Watching the Phosphotransferase-Phosphatase Switch: 3D Structures of a TCS Complex in Action (2018)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference "Signal Transduction in Micro-organisms"
Ciudad: Ventura (USA)
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Avances en la epidemiología y diagnóstico de la Leptospirosis bovina en Uruguay (2017)

BUSCHIAZZO, A. , A. SUANES
Publicado
Resumen expandido
Evento: Nacional
Descripción: Congreso Buiatría 2017
Ciudad: Paysandú
Año del evento: 2017
Publicación arbitrada
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Medio de divulgación: Papel

TWO-COMPONENT SYSTEMS IN BACTERIA: HOW IS THE SIGNAL UNIDIRECTIONALLY TRANSMITTED? (2017)

BUSCHIAZZO, A. , IMELIO J. , TRAJTENBERG, F , AEM , Nicole LARRIEUX
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Twenty-Fourth Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography
Ciudad: Hyderabad (India)
Año del evento: 2017
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Isolation and Typing of Leptospira spp from Urine and Kidney of Naturally Infected Cattle in Uruguay (2017)

ZARANTONELLI ML , Cecilia NIEVES , A. SUANES , SALABERRY DEAMBROSIO Ximena , BRIANO CAROLINA , RIVERO, R , DUTRA, F. , PAULINA MENY , VARELA, G. , SCHELOTTO F , FRAGA M , Riet-Correa F. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 10th International Leptospirosis Society Meeting
Ciudad: Palmerston North (Nueva Zelanda)
Año del evento: 2017
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Financiación/Cooperación:
Dirección de Ciencia y Tecnología / Beca, Uruguay

Bacterial signaling from structure to movement, and back again (2017)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Biophysics at the end of the world
Ciudad: Buenos Aires (Argentina)
Año del evento: 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

The Times They Are a-Changin' : can protein structure and flexibility be seen, together? (2016)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado

Resumen
Evento: Internacional
Descripción: V Latin American Protein Society (LAPS) Meeting
Ciudad: Rio de Janeiro
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
http://cnrmn.bioqmed.ufrj.br/laps2016/

An extra twist in Leptospira flagella: filament structure, flagellin, and beyond (2016)

TRAJTENBERG, F. , WUNDER JR, E. , SAN MARTIN, F. , MECHALY, AE , PICARDEAU, M. , KO, AI , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference
Ciudad: Ventura (USA)
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
https://www.grc.org/programs.aspx?id=12455

Novel structural insights into bacterial signal transduction from the crystal structure of the DesK-DesR complex (2016)

TRAJTENBERG, F. , IMELIO, JA , MECHALY, AE , OBAL, G , LARRIEUX, N. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Año del evento: 2016
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
https://www.grc.org/programs.aspx?id=12139

Macromolecular Crystallography within Integrative Landscapes: New Challenges and Opportunities (2016)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: First Pan African Conference of Crystallography
Ciudad: Dschang (Camerun)
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
http://pccr1-2016.univ-dschang.org

¿Cómo perciben las bacterias las señales de su entorno? (2016)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: FAPESP Week Montevideo 2016
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia

Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
http://www.fapesp.br/week2016/montevideo/

Biología Estructural Integrativa: nuevos desafíos y oportunidades para la Cristalografía de Macromoléculas (2016)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 2do encuentro de la Red Uruguaya de Cristalografía
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
https://sites.google.com/site/2encuentrorucr/

HemR: un regulador de respuesta de Leptospira que activa y reprime la transcripción de genes clave para el metabolismo del hemo (2015)

BUSCHIAZZO, A. , MORERO, N.R. , BOTTI, H , NITTA, KR , CARRION, F , OBAL, G , PICARDEAU, M
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos - Sociedad Uruguaya de Microbiología (SUM)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

ESTANDARIZACIÓN DE MÉTODOS SEROLÓGICOS Y MOLECULARES PARA SU APLICACIÓN EN EL DIAGNÓSTICO Y VIGILANCIA EPIDEMIOLÓGICA DE LA LEPTOSPIROSIS BOVINA EN URUGUAY (2015)

ZARANTONELLI, L. , NIEVES, C. , PICARDEAU, M , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos - Sociedad Uruguaya de Microbiología (SUM)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

THE CRYSTAL STRUCTURE OF THE NATIVE CAPSID FROM BOVINE LEUKEMIA VIRUS: RETROVIRAL CAPSIDS ARE PLASTIC (2015)

OBAL G , TRAJTENBERG F , CARRION, F , TOMé, L. , LARIEUX, N. , ZHANG, X. , PRITSCH, O. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 1st Meeting of the Latin American Crystallographic Association
Ciudad: Sao Paulo
Año del evento: 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

THE CRYSTAL STRUCTURE OF THE NATIVE CAPSID FROM BOVINE LEUKEMIA VIRUS: RETROVIRAL CAPSIDS ARE PLASTIC (2015)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Scientific Meeting of the Institut Pasteur International Network
Ciudad: Paris
Año del evento: 2015
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

LA ESTRUCTURA 3D DE LA CAPSIDE NATIVA DEL VIRUS DE LA LEUCEMIA BOVINA: LAS CAPSIDES RETROVIRALES SON PLASTICAS (2015)

OBAL G , TRAJTENBERG F , CARRION, F , TOMé, L. , LARIEUX, N. , ZHANG, X. , PRITSCH, O. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: 9as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular SBBM
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2015
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Novel insights into Bacterial Signaling : the 'One Sequence - Multiple Structures' Perspective (2014)

TRAJTENBERG, F. , BOTTI, H , ALBANESI, D. , DE MENDOZA, D. , LARRIEUX, N. , MECHALY, AE , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XLIII Annual Meeting of Sociedade Brasileira de Bioquimica e Biologia Molecular SBBq
Ciudad: Foz do Iguaçu, Brasil
Año del evento: 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

SEÑALIZACIÓN EN BACTERIAS: ESTUDIOS MOLECULARES DEL SISTEMA DE DOS COMPONENTES DESK-DESR (2014)

IMELIO, JA , TRAJTENBERG, F. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias SUB
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Motilidad de Espiroquetas: estudios estructurales del flagelo de Leptospira (2014)

SAN MARTIN, F , TRAJTENBERG, F. , MECHALY, AE , MORERO, N.R. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias SUB
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia

Estructural

Two components, two systems: protein conformational switches in bacterial signaling (2014)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Nacional
Descripción: X CONGRESO ARGENTINO DE MICROBIOLOGÍA GENERAL SAMIGE
Ciudad: Mar del Plata, Argentina
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Two components, two systems: signal transduction in Leptospira and Bacillus - a way to approach pathogenesis through protein science (2014)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: International Union of Microbiological Societies Congresses: XIVth International Congress of Bacteriology and Applied Microbiology, XIVth International Congress of Mycology, XVIth International Congress of Virology
Ciudad: Montreal, Canada
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Crystallographic snapshots of DesK and DesR: two component systems on the move (2014)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: 23rd Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography IUCr
Ciudad: Montreal, Canada
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Activation of Response Regulators is Mediated by a Non-canonical Allosteric Mechanism Linking Dimerization and Cognate Kinase Binding (2014)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference - Sensory Transduction in Microorganisms
Ciudad: Ventura CA, USA
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
https://www.grc.org/programs.aspx?id=12138

Functional and crystallographic characterization of the response regulator HemR from Leptospira

biflexa (2014)

MORERO, N.R. , BOTTI, H , ESHGHI, A. , KAZUHIRO, NR , PICARDEAU, M , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference - Biology of Spirochetes
Ciudad: Ventura CA, USA
Año del evento: 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Crystallographic studies of flagellar proteins from Leptospira (2014)

TRAJTENBERG, F. , WUNDER, E. , MORERO, N.R. , PICARDEAU, M , KO, A , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference - Biology of Spirochetes
Ciudad: Ventura CA, USA
Año del evento: 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

De los genes a las proteinas en Leptospira: enfoques moleculares en la comprensión de la patogenicidad (2013)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: Jornada Científica: Leptospirosis Bovina
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

ESTUDIO ESTRUCTURAL DE LA PROTEÍNA-QUINASA MPK4 DE LEISHMANIA: HACIA EL DISEÑO DE NUEVOS FÁRMACOS (2013)

IMELIO, JA , HORJALES, S. , CORREA, A , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
http://www.iibce.edu.uy/SBBM/Docs/jornadas/jornadas2013/2013_LIBRO%20RESUMENES.pdf

ANÁLISIS ESTRUCTURAL DE LA PROTEIN-QUINASA CK1 DE Leishmania major: UN BLANCO PARA EL DESARROLLO DE NUEVOS MEDICAMENTOS ANTI-PARASITARIOS (2013)

SAN MARTIN, F , HORJALES, S. , RACHIDI, N , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

http://www.iibce.edu.uy/SBBM/Docs/jornadas/jornadas2013/2013_LIBRO%20RESUMENES.pdf

Activation of Response Regulators is Mediated by a Non-canonical Allosteric Mechanism Linking Dimerization and Cognate Kinase Binding (2013)

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , RUETALO, N. , BOTTI, H , MECHALY, AE , CYBULSKI, L , LARRIEUX, N. , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: I Reunion Latinoamericana de Cristalografia y IX Reunion Anual de la Asociacion Argentina de Cristalografia
Ciudad: Cordoba, Argentina
Año del evento: 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Novel insights into bacterial signaling : the 'one sequence - multiple structures' perspective (2013)

TRAJTENBERG, F. , BOTTI, H , ALBANESI, D. , DE MENDOZA, D. , LARRIEUX, N. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 4yh Latin American Protein Society Meeting & XII Congress of the Pan-American Association of Biochemistry and Molecular Biology
Ciudad: Puerto Varas, Chile
Año del evento: 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

La cristalografía en biología : su contribución a la biología estructural como nueva disciplina (2013)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: 3er Encuentro Nacional de Ciencias Químicas ENAQUI 3.0
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Escrita por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

APROXIMACIONES CRISTALOGRÁFICAS PARA ENTENDER LA SEÑALIZACIÓN CELULAR: PROTEIN-QUINASAS EN MODELOS PROCARIOTAS Y EUCARIOTAS (2012)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: VIII Reunion Anual de la Asociacion Argentina de Cristalografia
Ciudad: Santa Fe, Argentina
Año del evento: 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
http://www.unl.edu.ar/aacr2012

Bacterial signaling: a molecular perspective from thermometers to virulence factors (2012)

TRAJTENBERG, F. , MORERO, N. , BOTTI, H. , RUETALO, N. , KO, A. , PICARDEAU, M. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado

Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region: Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Año del evento: 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Papel
http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/

Signaling, heme metabolism and motility in Leptospira virulence (2012)

MORERO, N. , BOTTI, H. , TRAJTENBERG, F. , WUNDER, E. , KO, A. , PICARDEAU, M. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region: Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Año del evento: 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Papel
http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/

Structural studies of the kinase LmaMPK10 from Leishmania major: parasite-specific features and auto-inhibition mechanism (2012)

HORJALES, S. , SCHMIDT-ARRAS, D. , LECLERCQ, O , OBAL, G. , PRINA, E. , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region: Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Año del evento: 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Papel
http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/

Bacterial signaling: a molecular perspective from thermometers to virulence factors (2012)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Journées Départementales 2012 Biologie Structurale et Chimie
Ciudad: Paris, Francia
Año del evento: 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

LA CRISTALOGRAFÍA DE RAYOS X EN BIOLOGÍA: SU CONTRIBUCIÓN EN LA CONSTITUCIÓN DE LA BIOLOGÍA ESTRUCTURAL COMO NUEVA DISCIPLINA (2012)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen

Evento: Nacional
Descripción: Simposio uruguayo de celebración de 100 años de la Cristalografía Moderna
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2012
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Conformational Plasticity of Histidine Kinases is Key for Signal Transduction (2011)

BUSCHIAZZO, A. , TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , BOTTI, H , RUETALO, N. , FORMAN, J. , NILGES, M. , DE MENDOZA, D. , ALZARI, P.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXII Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography
Ciudad: Madrid
Año del evento: 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

Molecular mechanisms of signaling in fatty acid synthesis of Gram-positive bacteria (2011)

BUSCHIAZZO, A. , NILGES, M. , DE MENDOZA, D. , VILA, AJ
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Grand Colloque Biologie & Sante - Agence Nationale de la Recherche
Ciudad: Lyon
Año del evento: 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Papel
Invitado como orador, en el marco de la reunion final de balance de proyectos de la "Agence Nationale de la Recherche" (ANR), Francia.

A method for the absolute scaling of refined atomic B factors (2011)

BOTTI, H , BONILLA, L. , TRAJTENBERG, F. , RADI, R. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXII Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography
Ciudad: Madrid
Año del evento: 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

Structural Study of PK10, a MAPK from Leishmania major with unique characteristics (2011)

HORJALES, S. , SCMHIDT-ARRAS, D , LIMA, A. , BATTHYANY, C. , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXII Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography
Ciudad: Madrid
Año del evento: 2011
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

Conformational plasticity of histidine kinases is key for catalysis regulation (2010)

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , MARTIN, M. , ALZARI, PM , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: III Latin American Protein Society Meeting
Ciudad: Salta
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

Motivos estructurales de unión a flavina adenina dinucleótido (FAD) como determinantes de la diferente eficiencia catalítica de ferredoxina/flavodoxina-NADP+ reductasas vegetales y bacterianas (2010)

BOTTI, H , MUSUMECI, M , BUSCHIAZZO, A. , CECCARELLI, E
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: SUB XIII
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

OBTENCIÓN DEL COMPLEJO FORMADO ENTRE EL REGULADOR TRANSCRIPCIONAL MUR Y SU ADN BLANCO PARA ENSAYOS DE CO-CRISTALIZACIÓN (2010)

CABRERA CARRASCO, ML , ROSCONI, F , LARRIEUX, N. , BUSCHIAZZO, A. , PLATERO, R , FABIANO, E.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XIII SUB
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Estudio estructural de la MAP Quinasa PK10 de Leishmania major (2010)

BUSCHIAZZO, A. , HORJALES, S. , SCHMIDT-ARRAS, D.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: SUB XIII
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Coiled-coil helical rearrangements control the histidine- kinase/phosphatase activities of a bacterial thermosensor (2010)

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , DE MENDOZA, D. , ALZARI, PM , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 42th Course: Structure and Function from Macromolecular Crystallography: Organisation in Space and Time

Ciudad: Erice
Año del evento: 2010
Anales/Proceedings:«Ettore Majorana» Foundation and International Centre for Scientific Culture INTERNATIONAL SCHOOL OF CRYSTALLOGRAPHY
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel
http://www.crystalerice.org/erice2010/2010.htm

The Crystal Structure of MAP Kinase LmaMPK10 from Leishmania major at 1.9Å Resolution (2010)

HORJALES, S. , SCMHIDT-ARRAS, D , LECLERCQ, O , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: LEISHDRUG consortium mid-term meeting
Ciudad: Paris
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

Structural plasticity and catalysis regulation of histidine kinases: a structural approach (2010)

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , ALZARI, P.M. , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conferences : Sensory Transduction In Microorganisms
Ciudad: Ventura
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalizacion
Medio de divulgación: Papel

Crystallographic studies of the cytoplasmic domain of the histidine kinase DesK from Bacillus subtilis (2009)

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D. , MARTIN, M. , MANSILLA, M.C. , ALZARI, P.M. , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: ACA2009 Meeting of the American Crystallography Association
Ciudad: Toronto
Año del evento: 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

On the detection, analysis and prediction of allosteric information pathways derived from human serum albumin crystallographic data. (2009)

BOTTI, H , TRAJTENBERG, F. , MANTA, B. , PRITSCH, O. , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: ACA2009 Meeting of the American Crystallography Association
Ciudad: Toronto
Año del evento: 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia

Estructural
Medio de divulgación: Papel

The Protein Crystallography Facility at the Institut Pasteur of Montevideo : structural biology of lipid synthesis regulation in bacteria (2009)

BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: IV Workshop de Biologia Molecular Estrutural do LNLS
Ciudad: Campinas
Año del evento: 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estrucrtural

Structural insights into sialic acid biology of Trypanosomes : a special look at neuraminidase structures (2009)

BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, P.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XIII International Congress of Protistiology
Ciudad: Buzios
Año del evento: 2009
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Glicobiologia
Medio de divulgación: Papel

Structural basis of lipid biosynthesis regulation in Gram-positive bacteria (2008)

PEDRO ALZARI , DANIELA ALBANESI , FRANCIS SCHAEFFER , GEORGINA REH , BUSCHIAZZO, A. , DIEGO DE MENDOZA
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXI Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography
Ciudad: Osaka
Año del evento: 2008
Anales/Proceedings:Acta Crystallographica A
Editorial: International Union of Crystallography
Ciudad: Chester
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Papel

Sensing Lipid Fluidity in Bacterial Membranes (2008)

M MARTIN , L CYBULSKI , D ALBANESI , MC MANSILLA , BUSCHIAZZO, A. , PM ALZARI , D DE MENDOZA
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Meeting of HHMI International Research Scholars
Ciudad: Lisboa
Año del evento: 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Structural Biology at the Pasteur Institute of Montevideo: Protein Crystallography to Understand Bacterial Lipid Biosynthesis Regulation (2008)

BUSCHIAZZO, A. , P ALZARI , D DE MENDOZA
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXXVII Annual Meeting of the Brazilian Society of Biochemistry and Molecular Biology
Ciudad: Aguas de Lindoia
Año del evento: 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: CD-Rom

Structure/Functional Studies of Trypanosomal Neuraminidases (2008)

BUSCHIAZZO, A. , S WITHERS , PM ALZARI
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Research on infectious diseases: a global challenge
Ciudad: Paris
Año del evento: 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica /
Medio de divulgación: Internet
http://www.pasteur.fr/infosci/conf/sb/RIIP08/fichiers/book_RIIP_complet.pdf

Structure/functional studies of trypanosomal sialidases (2007)

BUSCHIAZZO, A. , S WITHERS , PM ALZARI
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Second Latin American Protein Society Meeting
Ciudad: Acapulco
Año del evento: 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Papel

Estudios Estructurales del Complejo Proteico DesKC-DesR de Bacillus subtilis, un Sistema que Sensa Temperatura (2007)

F TRAJTENBERG , D ALBANESI , L CYBULSKI , C MANSILLA , G OBAL , O PRITSCH , D DE MENDOZA , BUSCHIAZZO, A.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XII jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Minas
Año del evento: 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Crystal structure and catalytic mechanism of the proline racemase, a B-cell mitogen from Trypanosoma cruzi (2006)

BUSCHIAZZO, A. , FRANCIS SCHAEFFER , PEDRO M ALZARI
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XLII Reunión Anual Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Rosario
Año del evento: 2006
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Micología / Biologia Estructural

Producción técnica

PROCESOS

Crystallographic structure of TcPRACA and uses therefor (2005)

Otros procesos o técnicas
MINOPRIO,P. , ALZARI, P. , BUSCHIAZZO, A. , DEGRAVE,W. , GREGOIRE,C. , CHAMOND,N.

País: Francia
Disponibilidad: Restricta
Institución financiadora: Institut Pasteur Paris
Patente o Registro:

Otros registros
BRP10410975, Crystallographic structure of TcPRACA an
Depósito: 04/07/2006; Examen: ; Concesión: 04/07/2006
Patente nacional: NO

Otros registros
20050250195, Crystallographic structure of TcPRACA an
Depósito: 01/11/2005; Examen: ; Concesión: 01/11/2005
Patente nacional: NO
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Medio de divulgación: Otros

Otras Producciones

CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

Macromolecular Crystallography School : Structural Biology to enhance high impact research in health and disease (2021)

BUSCHIAZZO, A. , STEVENSON, K. , LARRIEUX, N
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Web: http://pasteur.uy/en/news/macromolecular-crystallography-school-2021/
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Institución Promotora/Financiadora: Centro de Biologia Estructural del Mercosur / Collaborative Computational Project 4 (UK) / Institut Pasteur de Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Macromolecular Crystallography School : From data processing to structure refinement and beyond (2017)

BUSCHIAZZO, A. , Ronan KEEGAN , Richard GARRATT
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: International Union of Crystallography / Centro de Biología Estructural del Mercosur
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Integrative methods in Structural Biology to enhance high impact research in health and disease (2016)

BUSCHIAZZO, A. , Dave STUART
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 1 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: British Council / Centro de Biología Estructural del Mercosur
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Macromolecular Crystallography School : From data processing to structure refinement and beyond (2015)

BUSCHIAZZO, A. , KEEGAN, R.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Modern Approaches in Drug Discovery for Neglected Infectious Diseases (2014)

BUSCHIAZZO, A. , Wim HOL
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 1 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: UNU/Biolac; Centro de Biología Estructural del Mercosur (CeBEM)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Macromolecular Crystallography School : From data processing to structure refinement and beyond (2013)

BUSCHIAZZO, A. , KEEGAN, R.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Macromolecular Crystallography : Introduction and Applications (2010)

BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, P.M. , SHEPARD, W.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo

Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

DESARROLLO DE MATERIAL DIDÁCTICO O DE INSTRUCCIÓN

¿Qué es un cristal? (2014)

BUSCHIAZZO, A. , SUESCUN, L , ALVAREZ N. , Santiago Vázquez

País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: http://www.pedeciba.edu.uy/QueEs/cristal.html
Proyecto ¿Qué es? de PEDECIBA en asociación con TarkioFilm: videos de divulgación científica sobre temas en los que trabajan algunos investigadores del programa.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Ciencias Químicas / Cristalografía

EDICIÓN O REVISIÓN

PLOS Neglected Tropical Diseases (2010)

BUSCHIAZZO, A.
Revista
País: Estados Unidos
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Web: http://www.plosntds.org
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas /
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Información adicional: Desde el año 2010 hasta el presente, soy uno de los Editores Asociados de la revista.

ORGANIZACIÓN DE EVENTOS

4th Protein Biophysics at the end of the world (2019)

M. MACHADO , BUSCHIAZZO, A. , PANTANO S , César RAMÍREZ , Ernesto ROMÁN
Congreso
Sub Tipo: Organización
Lugar: Uruguay ,Institut Pasteur de Montevideo Montevideo
Idioma: Inglés
Web: https://sites.google.com/view/pbateotw-2019
Duración: 1 semanas
Evento itinerante: SI
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region : Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases (2012)

BUSCHIAZZO, A. , AGUILAR, P.
Congreso
Lugar: Uruguay ,Institut Pasteur de Montevideo Montevideo
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Papel
Web: http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/
Duración: 1 semanas
Evento itinerante: SI
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur International Network
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

COMITÉ EVALUACIÓN DE PROYECTOS

Comision Evaluadora (2020)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay
Cantidad: De 5 a 20

Evaluación de propuestas en el marco de la convocatoria 2020 a grupos de investigación que deseen ser reconocidos como Laboratorios en el marco de los Departamentos de la Institución

Actualizacion o mejora de grandes equipos cientificos (2019 / 2019)

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay
Cantidad: De 5 a 20

Actions Concertees Inter-Pasteuriennes ACIP (2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur Paris , Francia
Cantidad: Mas de 20

Projets Transversaux de Recherche PTR (2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur Paris , Francia
Cantidad: Mas de 20

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Fondo Carlos Vaz Ferreira (2021)

Uruguay
Dirección Nacional de Innovación, Ciencia y Tecnologia (DICYT) del Ministerio de Educación y Cultura (MEC)
Cantidad: Menos de 5

Programa de Iniciación a la Investigación - Comisión Sectorial de Investigación Científica Udelar (2021)

Uruguay
Cantidad: Menos de 5

Research Grants - United States-Israel Binational Science Foundation (2019)

Israel
Cantidad: Menos de 5

Individual Research Grants (Israel Science Foundation) (2018)

Israel
Cantidad: Menos de 5

Fondo Clemente Estable (2015)

Uruguay
Agencia Nacional de Investigación e Innovación
Cantidad: Menos de 5

Actions Concertees Inter-Pasteuriennes ACIP (2014)

Francia
Cantidad: Mas de 20

Projets Transversaux de Recherche PTR (2014)

Francia
Cantidad: Mas de 20

FAPESP (2012 / 2012)

Brasil
FAPESP
Cantidad: Menos de 5

CSIC - UdelaR (2010 / 2013)

Uruguay
CSIC - UdelaR
Cantidad: Menos de 5

Consejo Nacional de Investigaciones Cientificas y Tecnicas (2008 / 2008)

Argentina
Consejo Nacional de Investigaciones Cientificas y Tecnicas
Cantidad: Menos de 5

Agencia Nacional de Promocion Cientifica y Tecnologica (2006 / 2021)

Argentina
Agencia Nacional de Promocion Cientifica y Tecnologica
Cantidad: De 5 a 20

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

COMITÉ EDITORIAL

PLOS Neglected Tropical Diseases (2010 / 2021)

Tipo de publicación: Revista
Editorial: Edición
Cantidad: Mas de 20
Soy miembro del comité editorial de esta revista en calidad de Editor Asociado.

REVISIONES

Nature Communications (2020 / 2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Frontiers in Microbiology (2020)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

mBio (2020 / 2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Molecular Plant Pathology (2019 / 2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Ciência Rural (2018 / 2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PLoS Biology (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Nature Reviews Microbiology (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Science Signaling (2017 / 2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Scientific Reports (2016 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

eLife (2016)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Molecular Microbiology (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Cell Reports (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Acta Crystallographica - Section F Structural Biology Communications (2014)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Biochemistry (2014 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PLOS Neglected Tropical Diseases (2014)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Bacteriology (2014 / 2020)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Journal of Synchrotron Radiation (2013)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Biological Chemistry (2013 / 2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Medicinal Chemistry (2012 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PLoS ONE (2011)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of the American Chemical Society (2011)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PROTEINS: Structure, Function, and Bioinformatics (2010)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Proceedings of the National Academy of Sciences USA (2010 / 2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Glycobiology (2009 / 2011)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Bioorganic and Medicinal Chemistry (2009)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

BMC Structural Biology (2009)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Cellular and Molecular Life Sciences (2008)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

FEBS Journal (2006 / 2008)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

20th International Union for Pure and Applied Biophysics Congress (2017 / 2021)

Comité programa congreso
Brasil
Arbitrado

Latin American Crosstalk in Biophysics and Physiology. SBF.uy-SAB (2015)

Revisiones
Uruguay

23rd Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography IUCr (2014)

Comité programa congreso
Canadá
Arbitrado

International Union of Crystallography - Red Uruguaya de Cristalografia

Primera Reunión Latinoamericana de Cristalografía (2013)

Comité programa congreso
Argentina
Arbitrado

Asociacion Argentina de Cristalografia

2as Jornadas +Biofisica 2013 (2013)

Revisiones
Uruguay

EVALUACIÓN DE PREMIOS

Premio Fima Leloir "A la excelencia Científica de Jóvenes Investigadores" (2019)

Evaluación de premios y concursos
Argentina

Cantidad: De 5 a 20
Fundacion Instituto Leloir

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Sistema Nacional de Investigadores 2021 (2022 / 2022)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
SNI
Miembro de la Comision Tenica de Area Ciencias Naturales

Creacion y Renovacion de Laboratorios IIBCE (2020)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
Instituto de Investigaciones Biologicas Clemente Estable

Mejora o actualización de equipamiento científico (2019)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
Agencia Nacional de Investigación e Innovación
Comité de evaluación y seguimiento (CES) del Programa de Equipamiento Científico (PEC)

Reclutamientos, promociones y evaluaciones individuales - Inst Pasteur, Paris (2018 / 2019)

Comité evaluador
Francia
Cantidad: Mas de 20
Institut Pasteur
Miembro del Comite de Evaluacion del Personal Cientifico (Direccion de Carreras Cientificas), Institut Pasteur, Paris

Tribunal Concurso de Profesor Doctor - Instituto de Fisica de Sao Carlos (2017)

Comité evaluador
Brasil
Cantidad: Menos de 5
Universidad de Sao Paulo

Sistema Nacional de Investigadores / Comisión de Revisión (2016)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
Agencia Nacional de Investigación e Innovación

JURADO DE TESIS

Programa de Doctorado en Biotecnologia (2020 / 2021)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Politécnica de Valencia , España
Nivel de formación: Doctorado

Doctorado en Química (UDELAR-PEDECIBA) (2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Química (PEDECIBA) / Facultad de Química , Uruguay

Nivel de formación: Doctorado

Maestria en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2015 / 2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Nivel de formación: Maestría

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2009 / 2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Nivel de formación: Doctorado

Doctorado Universidad de Buenos Aires (2007)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de Buenos Aires , Argentina
Nivel de formación: Doctorado

Licenciatura en Bioquimica (2006)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Nivel de formación: Grado

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Estudios genómicos y moleculares de bacterias del género Leptospira: análisis de la variabilidad genética y contribución en diagnóstico y tipificación

Tesis de maestria
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Cecilia Nieves
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Caracterización estructural de la proteína CCDC28B, un modificador del síndrome de Bardet-Biedl

Tesis de maestria
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Matias Fabregat
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Señalización en bacterias : estudios moleculares de sistemas de dos componentes

Tesis de maestria
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Juan Andres Imelio
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Biologia Estructural de Protein Quinasas: las Serin/Treonin-Quinasas de Leishmania

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Sofia Horjales
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Mecanismos alostéricos en la regulación funcional de un termosensor bacteriano

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Felipe Trajtenberg
País: Uruguay
Palabras Clave: cristalografia de proteinas señalizacion celular sistemas de dos componentes alosterismo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Efectos de las regiones constantes de las inmunoglobulinas en el reconocimiento antigénico

Tesis de maestria
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Agustin Correa
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Inmunología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Trans-sialidasa de Trypanosoma cruzi: estudio de moléculas blanco en el sistema inmune y mecanismo de inhibición de un anticuerpo monoclonal neutralizante

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de San Martín , Argentina
Programa: Biología Molecular y Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Romina Muiá
País: Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología

Etudes structurales et fonctionnelles de la trans-sialidase de trypanosoma cruzi

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / , Francia
Programa: Docteur en Sciences
Tipo de orientación: Asesor
Nombre del orientado: Amaya, Maria Fernanda
País: Francia
Palabras Clave: Structure tridimensionnelle Maladie de Chagas Trypanosoma rangeli Trans-glycosylation
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimologia

GRADO

CLONADO, EXPRESIÓN Y PURIFICACIÓN DE LA PROTEÍNA-QUINASA PK4 DE LEISHMANIA MAJOR

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Imelio, Juan
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

Estudios estructurales en el sistema de dos componentes DesK/DesR de Bacillus subtilis

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Licenciatura en Bioquímica
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Ferrari, Mathias
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural

OTRAS

Molecular basis of virulence regulation in Leptospira: a structural biology approach to bacterial signaling

Orientación de posdoctorado
Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Natalia LISA
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Virulence regulation in Leptospira: a Structural Biology approach to bacterial signaling and motility

Orientación de posdoctorado
Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Ariel E. MECHALY
País: Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

SEÑALIZACIÓN CELULAR EN PATOGÉNESIS BACTERIANA: LA REGULACIÓN DEL METABOLISMO DEL HIERRO EN Leptospira spp. COMO MODELO DE TRABAJO

Orientación de posdoctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Consejo de Investigaciones Cientificas y Tecnicas , Argentina
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Natalia MORERO
País: Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas

Structural studies of the glycogen synthase from Agrobacterium tumefaciens

Otras tutorías/orientaciones

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur Paris , Francia
Tipo de orientación: Asesor
Nombre del orientado: Lara Gonzales, Samuel
País: Francia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biologia Estructural

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Mecanismo molecular de la señalización y regulación bacterianas (2018)

Tesis de maestria
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Uruguay
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Sofía Lima
País/Idioma: Uruguay, Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Aproximación estructural e integrativa al estudio del endoflagelo de Leptospira (2017)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UEDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Fabiana San Martin
País/Idioma: Uruguay, Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
Esta Tesis de Doctorado es en continuidad con la Tesis de Maestria (Maestría en Ciencias Biológicas / UdelaR-PEDECIBA) "Estudios Estructurales del Aparato Locomotor de Bacterias Espiroquetas: el Flagelo Periplasmático de Leptospira como Modelo" que Fabiana San Martín comenzó en 2014. Orientador : Alejandro Buschiazzo, co-orientador : Felipe Trajtenberg. Fabiana decidió utilizar la opción de hacer la transición de Maestría a Doctorado PEDECIBA-Biología, defendiendo exitosamente el proyecto ante la Comisión de Admisión y Seguimiento en 2017.

MECANISMOS DE TRANSMISIÓN ESTÍMULO-RESPUESTA EN SISTEMAS DE SEÑALIZACIÓN BACTERIANOS (2017)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UEDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Juan Andres Imelio
País/Idioma: Uruguay, Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural y Ciencia de Proteínas

Señalización en bacterias: integrando las escalas molecular y celular. (2015)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UEDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Marcos Nieves
País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Transducción de señales en bacterias
Esta Tesis de Doctorado es en continuidad con la Tesis de Maestria (Maestría en Ciencias Biológicas / UdelaR-PEDECIBA) "Estudios celulares y moleculares de sistemas de transducción de señales de dos componentes en bacterias" que Marcos Nieves comenzó en 2013. Orientador : Alejandro Buschiazzo, co-orientador : Pablo Aguilar (trabajo en colaboración entre los dos laboratorios). Marcos decidió utilizar la opción de hacer la transición de Maestría a Doctorado, defendiendo exitosamente el proyecto ante la Comisión de Admisión y Seguimiento en 2015. Ahora está haciendo su trabajo de Doctorado co-orientado por mi, y por el Dr Roland Wedlich-Söldner (Univ Münster, Alemania) realizando trabajo experimental en ambos laboratorios, con estadías periódicas en Alemania.

OTRAS

Unravelling the molecular mechanisms of Leptospira endoflagellar motility (2020)

Orientación de posdoctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Sonia MONDINO
País/Idioma: Uruguay, Inglés
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular
Financiado con una beca postdoctoral tras llamado concursable, en el marco del programa Calmette & Yersin de la Red Internacional de Institutos Pasteur (Direction Internationale, Institut Pasteur, Paris, Francia)

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Miembro de la Academia Mundial de Ciencias TWAS (2021)

(Internacional)
The World Academy of Sciences TWAS

Miembro de Número de la Academia Nacional de Ciencias del Uruguay (2018)

(Nacional)
Academia Nacional de Ciencias del Uruguay
La Asamblea Extraordinaria de la Academia Nacional de Ciencias del Uruguay en sesión de fecha 17 de julio de 2018 aprobó por unanimidad mi incorporación como Miembro de Número de la ANCiU.

Investigador PEDECIBA Grado 5 (2018)

(Nacional)
PEDECIBA - Area Biología
Ingresé a PEDECIBA (Área Biología) en 2006 como Invesitgador Activo Grado 4. En nov 2018 fui promocionado a Grado 5.

Miembro de la Comisión de Macromoléculas Biológicas-Unión Internacional de Cristalografía IUCr (2017)

(Internacional)
International Union of Crystallography
http://www.iucr.org/iucr/commissions/biological-macromolecules

Premio Nacional Ciudadano de Oro (2015)

(Nacional)
Centro Latinoamericano de Desarrollo - CELADE
"Considerando los méritos que lo distinguen por su destacada labor, calidad de servicio y su contribución al sostenido proceso en el desarrollo nacional"

Premios de la Cultura Uruguaya Morosoli 2015 (Morosoli Institucional) (2015)

(Nacional)
Fundación Lolita Rubial
"Por el aporte al Uruguay cultural en Ciencia y Tecnología, al grupo de Investigadores (BLV) Alejandro Buschiazzo (Instituto Pasteur - Facultad de Medicina UdelaR)"

Premio François Jacob (2014)

(Internacional)
Institut Pasteur - Paris
Premio a la labor científica de un investigador destacado del año, otorgada por el Institut Pasteur (Paris, Francia) en honor al Prof François Jacob. "This Award recognizes his work on crystallography, his great commitment in the interface with the Institut Pasteur International Network especially in a leptospirosis' project and the creation of a structural biology network in Latin America."

Miembro del Consejo Científico Internacional del Consorcio de Biologia Estructural SBGrid (Harvard Medical School, USA) (2014)

(Internacional)
Structural Biology Grid SBGrid (https://sbgrid.org)
Scientific Advisory Board (https://sbgrid.org/about/advisory/)

Chair del Comité Uruguayo de Cristalografía, miembro pleno de la Unión Internacional de Cristalografía IUCr (2014)

(Internacional)
International Union of Crystallography
http://www.iucr.org/iucr/ab.html/adhering-bodies/uy

Miembro fundador y nodo activo de la red sudamericana de Biología Estructural CeBEM (Centro de Biología Estructural del Mercosur) (2008)

(Internacional)
Mercosur y Ministerio de Educación y Cultura
http://www.cebem-lat.org

Mencion Especial - premio "Profesor Doctor Luis Federico Leloir" a la mejor Tesis Doctoral en Ciencias Quimicas (2006)

Universidad de Buenos Aires - Argentina

Beca Postdoctoral "Dr Roux" (2003)

(Internacional)
Institut Pasteur - Paris

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Bases moleculares de la especifidad en el mecanismo de transduccion de señal en los sistemas de dos componentes bacterianos (2021)

Candidato: Cristina Mideros Mora
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
LASA I , VEGA C , BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Biotecnología / Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institución Extranjera / Universidad Politécnica de Valencia (U.P.V.) / España
País: España
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Estudio de las bases moleculares de la adaptacion a hospedero y la invasividad en Salmonella enterica (2020)

Candidato: Adriana Yissel Martínez Sanguiné
Tipo Jurado: Otras
DURÁN, R , SCAVONE, P , BUSCHIAZZO, A.
Subarea Microbiología / Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología
Comision de Admision y Seguimiento PEDECIBA

Estudio de la respuesta de anticuerpos monodominio contra haptenos y aspectos estructurales de los mismos" (2018)

Candidato: Sofia Tabares
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
BUSCHIAZZO, A. , RODRÍGUEZ, S. , MAQUIEIRA, A.
Posgrado - PEDECIBA / Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Química (PEDECIBA) / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español

Desarrollo, implementación y optimización de herramientas de genómica comparativa para el género Leptospira. (2018)

Candidato: Ignacio Ferrés
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
BUSCHIAZZO, A. , SOTELO SILVEIRA, J. , BETANCOR L
Maestría en Bioinformática / Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español

Estudio de la diversidad funcional de una familia de inhibidores Kunitz de Echinococcus granulosus (2016)

Candidato: Martin Flo
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
TORT, J , HERNANDEZ, J. , BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Desarrollo y aplicación de herramientas computacionales para el análisis taxonómico y patogenómico de procariotas (2016)

Candidato: Gregorio Iraola
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
FABIANO, E. , ROMERO, H. , BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Bioinformática

Caracterización estructural y funcional de la única fosfatasa del virus Orf (2016)

Candidato: Danilo Segovia
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
DENICOLA, A. , MORENO, P. , BUSCHIAZZO, A.

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Virología

Determinación del rol de la bacterioferritina en la homeostasis de hierro en S. meliloti 1021 (2015)

Candidato: Daniela Costa
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
ZUNINO, P. , CECCHETTO, G. , BUSCHIAZZO, A.
Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Caracterización proteómica y funcional de una cepa de Pseudomonas aeruginosa que sobreexpresa una fosfodiesterasa específica de di-GMPc (2015)

Candidato: Jessica Rossello
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
BATTISTONI, F. , MáRQUEZ, C. , BUSCHIAZZO, A.
Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Diseño e implementación de nuevas herramientas para la solubilización, evolución y cristalogénesis de proteínas. (2014)

Candidato: Agustín Correa
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
PAULINO, M , COITIñO, L , GONZALEZ, G , AGUILAR P , BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biologia Estructural

ANÁLISIS FUNCIONAL DE GLUTARREDOXINAS MONOTIÓLICAS DE TRIPANOSOMAS (2013)

Candidato: Bruno Manta
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
RADI, R. , SALINAS, G. , BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español

Estudio de la actividad de la proteina Fur y su participacion en el transporte de manganeso en Sinorhizobium meliloti (2009)

Candidato: Raul Platero
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
MONZA, J , SONCINI, F , CECCHETTO, G , MARIN, M , FABIANO, E. , GARAT, B , BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español

Estudio cristalográfico y catalítico de la enzima Lumazina sintetasa en Brucella y otros miembros del orden Rhizobiales (2007)

Candidato: Sebastian Klinke
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
GOLDBAUM, F. , ERMACORA, M. , WOLOSIUK, R. , BUSCHIAZZO, A.
Ciencias Químicas / Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institución Extranjera / Universidad de Buenos Aires / Argentina
País: Argentina
Idioma: Español

Dimensionalidades del citocromo c (2006)

Candidato: Mariana Pereyra
Tipo Jurado: Pregrado
BUSCHIAZZO, A.
Licenciatura en Bioquímica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Tesina para optar por el título de Licenciada en Bioquímica

¿Son las proteinas objetos fractales? (2006)

Candidato: Mariana Pereyra
Tipo Jurado: Pregrado
BUSCHIAZZO, A.
Licenciatura en Bioquímica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Tesina correspondiente al Trabajo Especial I para optar por el título de Licenciada en Bioquímica

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Participación activa en la fundación del Instituto Pasteur de Montevideo (2006): miembro de Comisiones (2008-2015; Enseñanza; Espacios; Investigación), Consejo Asesor a la Dirección (2008-2011); Consejo Académico (2018-continúa). Evaluador de proyectos ANII, CSIC-UdelaR, Agencia Nacional de Promocion de la Investigacion, el Desarrollo Tecnologico y la Innovacion programa PICT (Argentina), Israel Science Foundation, US-Israel Binational Science Foundation, etc. Miembro de Comisiones de Revisión y Comision Tecnica de Area (Ciencias Naturales) del SNI. Miemrbo de Comite de Evaluación y Seguimiento del Programa de Equipamiento Científico ANII. Miembro de las Comisiones Coordinadoras de las sub-áreas de Biología Celular y Molecular, y de Bioquímica, de PEDECIBA Biología (2019-2021). Consolidación de un área de conocimiento vacante en Uruguay: la Biología Estructural. Creación del Centro de Biología Estructural del Mercosur (2008-continúa; www.cebem-lat.org), coordinador general 2014-17 animando actividades a escala regional/internacional. Creación de la Red Uruguaya de Cristalografía (2013), de la cual soy Chair; incorporación de Uruguay a la Unión Internacional de Cristalografía (2014). Fundador de la linea de cooperacion internacional entre el CeBEM y la red de Biologia Estructural Europea Instruct-ERIC: firma de un Memorandum of Understanding entre el Institut Pasteur de Montevideo e Instruct-ERIC (vigente al 2021), catalizando la firma de MoUs similares entre Instruct-ERIC y varias instituciones de America Latina incluyendo a la UdelaR. Dichos acuerdos de cooperacion han ampliado el acceso de nuestras instituciones a una cantidad de plataformas tecnologicas europeas nucleadas en Instruct-ERIC.

Información adicional

Agosto 2006 - continua: Responsable Cientifico de la Unidad de Cristalografia de Proteinas del Instituto Pasteur de Montevideo.
Desde la plataforma hemos resuelto mas de 150 estructuras cristalográficas de macromoléculas, principalmente proteínas (individuales y en complejo), así como complejos proteína-ADN.
De este total de estructuras, 66 ya están accesibles en la Protein Data Bank (www.rcsb.org, códigos de acceso 2XNC, 2XNJ, 3B69, 3EHF, 3EHG, 3EHH, 3EHJ, 3GIE, 3GIF, 3GIG, 3I0V, 3I11, 3I13, 3I14, 3I15, 3M8O, 3OPZ, 3PG1, 3PJQ, 3QNX, 3QNY, 3QNZ, 3QO0, 3QO1, 3UIB, 4DVH, 4EMX, 4LDZ, 4LE0, 4LE1, 4LE2, 4LS5, 4LS6, 4LS7, 4LS8, 4PH0, 4PH1, 4PH2, 4PH3, 4Q7E, 4UHJ, 4UHK, 4UHS, 4UHT, 5CEE, 5IUJ, 5IUK, 5IUL, 5IUM, 5IUN, 5K0W, 5OU5, 6BY0, 6C7N, 6D23, 6D24, 6NQW, 6NQX, 6NQY, 6NQZ, 6O6P, 6O6O, 6O6N, 6OC8, 6PWB, 6XQK.

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	**151**
Artículos publicados en revistas científicas	78
Completo	78
Trabajos en eventos	71
Libros y Capítulos	2
Capítulos de libro publicado	2
PRODUCCIÓN TÉCNICA	**12**
Procesos o técnicas	1
Con registro o patente	1
Otros tipos	11
EVALUACIONES	**61**
Evaluación de proyectos	15
Evaluación de eventos	5
Evaluación de publicaciones	29
Evaluación de convocatorias concursables	6
Jurado de tesis	6
FORMACIÓN RRHH	**19**
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	14
Tesis/Monografía de grado	2
Tesis de maestria	4
Tesis de doctorado	4
Otras tutorías/orientaciones	1
Orientación de posdoctorado	3
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	5
Tesis de doctorado	3
Tesis de maestria	1
Orientación de posdoctorado	1