



Curriculum Vitae

Silvana María PEREYRA LEPRE

Actualizado: 27/06/2017



Publicado: 20/07/2017

Sistema Nacional de Investigadores

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica

Categorización actual: Iniciación

Ingreso al SNI: Activo(01/06/2011)

Datos generales

Información de contacto

E-mail: spereyra@fmed.edu.uy

Teléfono: 29243414 ext. 3497

Dirección: Gral. Flores 2125 C.P. 11800 Montevideo - Uruguay

Institución principal

Departamento de Genética / Facultad de Medicina - UDeLaR / Universidad de la República / Uruguay

Dirección institucional

Dirección: Facultad de Medicina - UDeLaR / Departamento de Genética / 11800 / Montevideo / Montevideo / Uruguay

Teléfono: (+598) 29243414

E-mail/Web: pereyra.s@gmail.com

Formación

Formación concluida

Formación académica/Titulación

Posgrado

2007 - 2009

Maestría

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República, Uruguay

Título: Diversidad y estructura genética de *Mustelus schmitti* (Chondrichthyes, Triakidae) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo

Tutor/es: Graciela García

Obtención del título: 2009

Becario de: Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Palabras clave: Estructura genética poblacional; ADN mitocondrial; Variación genética

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la

Evolución

Grado

2001 - 2005

Grado

Licenciatura en Ciencias Biológicas

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Título: Diferenciación genética en poblaciones del género *Gymnogeophagus* (Perciformes, Cichlidae) distribuidas en Uruguay

Tutor/es: Graciela García

Obtención del título: 2006

Palabras clave: Citocromo b; Filogeografía; Genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Formación en marcha

Formación académica/Titulación

Posgrado

2013

Doctorado

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Título: Expresión génica en membranas fetales de recién nacidos prematuros

Tutor/es: Dra. Rossana Sapiro / Cotutor: Bernardo Bertoni

Palabras clave: Parto prematuro; Transcriptómica; expresión génica

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Formación complementaria

Cursos corta duración

03 / 2015 - 05 / 2015

PH525.4x: Introduction to Bioconductor.

Harvard University , Estados Unidos

Palabras clave: Bioinformática; genética; Estadística

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología

Molecular

02 / 2015 - 03 / 2015

Entrenamiento de Secuenciación mediante ABI310

Ridaline S.A. , Uruguay

Palabras clave: Secuenciación; Electroforesis capilar; biología molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

08 / 2014 - 08 / 2014

NGS Summer Course 2014: Analyzing Next-Generation Sequencing Data

Michigan State University , Estados Unidos

Palabras clave: Bioinformatics; Next Generation Sequencing; Transcriptomics

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos

Biológicos / Bioinformática

04 / 2013 - 07 / 2013

Introducción al manejo del software estadístico R

Centro Universitario Regional Este - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Palabras clave: Estadística; lenguaje R; programación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Estadística

08 / 2011 - 09 / 2011

Tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs

Institut Pasteur de Montevideo, Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Palabras clave: secuenciado masivo; micro ARNs

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular
02 / 2011 - 03 / 2011		Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas Genomics´ applications Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas, Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay <i>Palabras clave:</i> Bioinformática; genómica; secuenciación masiva <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia
03 / 2010 - 03 / 2010		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática Wellcome Trust Open Door Workshop: Working with the Human Genome Sequence Facultad de Medicina - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Palabras clave:</i> Genoma humano; Bioinformática <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana
2009 - 2009		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática Genética de la Conservación: la ecología molecular al servicio de la conservación de especies silvestres Univ. Simón Bolívar , Venezuela <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia
09 / 2009 - 09 / 2009		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad / Genética de la Conservación Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecología Molecular I Escuela latinoamericana de Evolución Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Palabras clave:</i> Evolucion <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
2008 - 2008		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia Un método eficiente para caracterizar el genoma: PCR en tiempo real (PEDECIBA) Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Técnicas moleculares
2008 - 2008		EMBO Practical Course: Advanced Course on Bioinformatics and Comparative Genome Analysis Universidade Federal de Santa Catarina , Brasil <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática
2007 - 2007		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Spatial Genetics, distribution patterns of genetic variation Universidad Nacional del Comahue , Argentina <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
2007 - 2007		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Diversidad Genética Data Mining en Bioinformática: generalidades y aplicaciones en Química Computacional, Biología Molecular y Medicina Molecular Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática
2006 - 2006		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Minería de datos Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática Genética de elasmobrânquios Universidade do Vale do Itajaí , Brasil <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia
		Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

2006 - 2006	Obtención y Análisis de Datos (PEDECIBA) Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Estadística
2006 - 2006	Genética de poblaciones aplicada a pesquerías y en acuicultura (PEDECIBA) Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay
2006 - 2006	Melhoramento genético em peixes Universidade Federal de São Carlos , Brasil <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Acuicultura
2005 - 2005	Principios de la Dinámica de Poblaciones (PEDECIBA) Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Dinámica de poblaciones Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biología de Poblaciones
2005 - 2005	Genómica y Introducción a las herramientas de bioinformática (PEDECIBA) Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática

Otras instancias

2008	Congresos <i>Nombre del evento:</i> Primeras Jornadas de Genética del Uruguay <i>Institución organizadora:</i> Sociedad Uruguaya de Genética , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia
2006	Congresos <i>Nombre del evento:</i> I International Congress of Fish Genetics <i>Institución organizadora:</i> Universidade Federal de Sao Carlos , Brasil <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ictología
2006	Congresos <i>Nombre del evento:</i> V Reuniao da sociedade brasileira para o estudo de elasmobranchios <i>Institución organizadora:</i> Universidade do vale do Itajai , Brasil <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología / Elasmobranchios Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad
2005	Congresos <i>Nombre del evento:</i> Jornadas SUB-11 <i>Institución organizadora:</i> Sociedad Uruguaya de Biociencias , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia
2005	Congresos <i>Nombre del evento:</i> VIII Jornadas de Zoología del Uruguay <i>Institución organizadora:</i> Sociedad Zoológica del Uruguay , Uruguay <i>Areas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

2005	<p>Simposios</p> <p><i>Nombre del evento:</i> V Simposio de recursos genéticos para América Latina y el Caribe</p> <p><i>Institución organizadora:</i> INIA - Facultad de Agronomía, Uruguay</p> <p><i>Áreas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución</p> <p style="margin-left: 150px;">Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad</p> <p style="margin-left: 150px;">Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia</p>
2007	<p>Talleres</p> <p><i>Nombre del evento:</i> First Porto Alegre Biological Evolution Workshop</p> <p><i>Institución organizadora:</i> Departamento de Genética de la UFRGS, Brasil</p> <p><i>Áreas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular</p> <p style="margin-left: 150px;">Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /</p>
2004	<p>Filogenia</p> <p>Talleres</p> <p><i>Nombre del evento:</i> Avances científico-técnicos para el manejo del área protegida Laguna Rocha</p> <p><i>Institución organizadora:</i> Facultad de Ciencias - UdelaR, Uruguay</p> <p><i>Áreas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad</p> <p style="margin-left: 150px;">Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Lagunas costeras</p>

Construcción institucional

Idiomas

Español
 Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Inglés
 Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Áreas de actuación

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Actuación Profesional

Cargos desempeñados actualmente

Desde: 11/2016
 Asistente, (Docente Grado 2 Titular, 40 horas semanales / Dedicación total), Facultad de Medicina - UDeLaR, Uruguay

Desde: 06/2011
 Candidato a Investigador SNI, (1 hora semanales), Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Universidad de la República, Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Vínculos con la institución

04/2007 - 10/2007, *Vínculo:* Ayudante G1 en apoyo a proyecto, Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

11/2007 - 12/2009, *Vínculo:* Becario de Postgrado, No docente (40 horas semanales)

01/2006 - 03/2007, *Vínculo:* Colaborador honorario, No docente (25 horas semanales)

01/2010 - 06/2010, *Vínculo:*, No docente (15 horas semanales)

Actividades

04/2004 - Actual

Líneas de Investigación , Instituto de Biología , Sección Genética Evolutiva
Diversidad genética y estructura poblacional en ciclidos , Integrante del Equipo

04/2007 - 06/2010

Líneas de Investigación , Sección Genética Evolutiva
Aislamiento y caracterización de microsatelites en especies ictícolas , Integrante del Equipo

04/2007 - 12/2009

Líneas de Investigación , Instituto de Biología , Sección Genética Evolutiva
Estructura genética poblacional de elasmobranchios , Integrante del Equipo

04/2008 - 05/2008

Docencia , Maestría
Citogenética y Evolución, Módulo III: Complejidad, organización y evolución del genoma de peces , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

04/2008 - 05/2008

Docencia , Maestría
Organización y Evolución del Genoma Eucariota , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

06/2007 - 06/2007

Docencia , Maestría
Citogenética y Evolución. Modulo III: Complejidad, organización y evolución del genoma de peces. , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

08/2004 - 11/2004

Docencia , Pregrado
Genética General / Genética Molecular I , Licenciatura en Ciencias Biológicas

04/2004 - 12/2005

Pasantías , Instituto de Biología , Sección Genética Evolutiva
Pasantía de Grado

02/2009 - 12/2009

Gestión Académica , PEDECIBA , Area Biología
Representante suplente por Orden Estudiantil al Consejo Científico del Area Biología

04/2007 - 12/2009

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Instituto de Biología , Sección Genética Evolutiva
Identificación de stock y caracterización del gatuzo (*Mustelus* sp.) y del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo , Integrante del Equipo

04/2007 - 11/2007

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Instituto de Biología , Sección Genética Evolutiva
Filogeografía de *Mustelus schmitti* en el Atlántico Sudoccidental , Coordinador o Responsable

University of Nebraska - Lincoln , Estados Unidos

Vínculos con la institución

10/2007 - 10/2007, *Vínculo:* Pasante, (40 horas semanales)

Actividades

10/2007 - 10/2007

Pasantías , School of Biological Sciences , Laboratorio del Dr. Guillermo Ortí
Pasantía de postgrado: Aprendizaje de técnica SSCP. Desarrollo de protocolo de aislamiento de microsatelites

Organizaciones Sin Fines de Lucro , Asociación Civil 'Ciencia Viva' , Uruguay

Vínculos con la institución

09/2005 - 11/2005, *Vínculo:* Disertante - Moderador, (10 horas semanales)

05/2002 - 11/2005, *Vínculo:* Orientador, (10 horas semanales)

Universidad de la República , Facultad de Medicina - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

09/2009 - 03/2011, *Vínculo:* Ayudante G2, Docente Grado 2 Interino, (20 horas semanales)

01/2010 - 03/2011, *Vínculo:* Ayudante G2, Docente Grado 2 Interino, (13 horas semanales)

10/2012 - 11/2016, *Vínculo:* Asistente del Dpto. de Genetica, Docente Grado 2 Titular, (20 horas semanales)

11/2016 - Actual, Vínculo: Asistente, Docente Grado 2 Titular, (40 horas semanales / Dedicación total)

Actividades

08/2013 - Actual

Líneas de Investigación , Departamento de Genetica

Expresion genica de membranas fetales en parto prematuro , Coordinador o Responsable

01/2010 - Actual

Líneas de Investigación , Departamento de Histología y Embriología , Laboratorio de Biología de la Reproducción

Papel del Receptor Toll TLR4 en el Síndrome de Ovario Poliquístico , Integrante del Equipo

10/2009 - Actual

Líneas de Investigación , Departamento de Genetica

Epidemiología genética en cáncer: Búsqueda de marcadores de susceptibilidad al cáncer de mama y melanoma en la población uruguaya , Integrante del Equipo

09/2010 - 09/2015

Líneas de Investigación , Departamento de Genetica

Determinación del riesgo genetico en el parto prematuro en la poblacion uruguaya , Integrante del Equipo

02/2013 - Actual

Docencia , Grado

ESFUNO , Responsable , Escuela Universitaria de Tecnologia Medica

06/2017 - 06/2017

Docencia , Maestría

Expresión génica en eucariotas: cambio de paradigmas en el estudio de su regulación y abordajes de investigación. , Invitado , Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas

05/2013 - 11/2016

Docencia , Maestría

Aplicaciones de la PCR en Tiempo Real a la Investigación , Invitado , Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas

10/2014 - 10/2014

Docencia , Maestría

Introducción a la Virología Molecular , Invitado , Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas

09/2011 - 09/2011

Docencia , Maestría

Aplicaciones de la PCR en Tiempo Real a la Investigación , Invitado , Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas

06/2013 - Actual

Docencia , Pregrado

CBCC5 , Invitado , Doctor en Ciencias Médicas

04/2013 - Actual

Docencia , Pregrado

Ciclo Introductorio , Asistente , Doctor en Ciencias Médicas

10/2012 - Actual

Docencia , Pregrado

Genética en Ciclo Básico y Biología Celular 1 , Invitado , Doctor en Ciencias Médicas

04/2014 - 04/2016

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Departamento de Genetica

Expresion genica de membranas fetales en parto prematuro , Coordinador o Responsable

09/2009 - 09/2015

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Departamento de Genética
Desarrollo de técnicas para la determinación del riesgo genético en el parto prematuro aplicables en el sector productivo , Integrante del Equipo

01/2010 - 04/2015

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Departamento de Histología y Embriología
Papel del Toll Receptor 4 en el Síndrome de Ovario Poliquístico (PCOS) , Integrante del Equipo

Empresa Privada , Asociación Española Primera de Socorros Mutuos , Uruguay

Vínculos con la institución

11/2010 - 10/2016, Vínculo: *Biólogo - Profesional no médico, (30 horas semanales)*

Actividades

11/2010 - 10/2014

Líneas de Investigación , Laboratorio de Biología Molecular.
Historia epidemica del virus de la Hepatitis C en Uruguay , Integrante del Equipo

11/2010 - 04/2014

Líneas de Investigación , Laboratorio de Biología Molecular.
Análisis filogenético del gen de la neuroaminidasa en el virus H1N1 circulante en Uruguay , Integrante del Equipo

11/2010 - Actual

Servicio Técnico Especializado , Laboratorio de Técnicas Especializadas , Sector Biología Molecular
Diagnóstico molecular de agentes infecciosos

06/2011 - 10/2016

Capacitación/Entrenamientos dictados , Asociación Española , Laboratorio de Biología Molecular
Entrenamiento y capacitación de laboratorio a nuevos técnicos que ingresan al laboratorio.

06/2011 - 06/2014

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Laboratorio de Técnicas Especializadas , Sector Biología Molecular
Diagnóstico molecular de virosis emergentes de gran impacto en la salud , Integrante del Equipo

Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Vínculos con la institución

06/2011 - Actual, Vínculo: Candidato a Investigador SNI, (1 hora semanal)

Lineas de investigación

Título: Aislamiento y caracterización de microsatelites en especies ictícolas

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Graciela García(Integrante); Verónica Gutierrez(Integrante); Nestor Ríos(Integrante)

Palabras clave: Microsatelites; *Mustelus schmitti*; *Austrolebias* sp.

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Título: Análisis filogenético del gen de la neuroaminidasa en el virus H1N1 circulante en Uruguay

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Rosario Uriarte(Integrante); Mónica Cappetta(Integrante); Susana Boschi(Integrante); Martín Soñora(Integrante); Victoria Comas(Integrante); Pilar Moreno(Integrante); Gonzalo Moratorio(Integrante); Juan Cristina(Integrante); Silvana Ifrán(Integrante)

Palabras clave: filogenética; Influenza A

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Título: Determinación del riesgo genético en el parto prematuro en la población uruguaya

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: El parto pretérmino es aquel que se produce antes de las 37 semanas de edad gestacional, y es la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal a nivel mundial. En Sudamérica, más del 10% de los recién nacidos son prematuros, y la incidencia es entre 8% y 10% en Uruguay. No se ha podido identificar una causa única del parto pretérmino, por lo que actualmente se prefiere describir al mismo como un síndrome, bajo el cual subyacen múltiples causas médicas, sociales y ambientales. Existen diferencias étnicas y predisposición en algunas familias que permiten postular la presencia de factores genéticos que predisponen al PPT. La infección e inflamación son vías comunes conocidas y que están asociadas con el desencadenamiento del parto prematuro. Citoquinas proinflamatorias como la IL-1, TNF α , y otros mediadores inflamatorios tienen un papel importante en la cascada de eventos que desencadenan el PTB. La mayoría de los estudios genéticos de asociación a PTB han demostrado alteraciones genéticas en estos mediadores. Nuestra propuesta comprende el uso de la técnica de PCR en tiempo real para la asignación de genotipos de polimorfismos de nucleótido simple (SNP). Para esto desarrollamos un ensayo que nos permite estudiar simultáneamente varios SNPs de manera rápida y económica. Mediante un diseño de casos-controles pretendemos estudiar el grado de asociación genética de cada SNP con el parto prematuro en la población uruguaya, y analizar la distribución de estas variantes alélicas en el Uruguay. A más largo plazo esta técnica podría ser utilizada como plataforma para cualquier SNP o grupo de polimorfismos.

Equipos: Rossana Sapiro(Integrante); Tatiana Velázquez(Integrante); Bernardo Bertoni(Integrante)

Palabras clave: Parto prematuro; Asociación genética; SNP

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Título: Diversidad genética y estructura poblacional en ciclidos

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Graciela García(Integrante); Nestor Ríos(Integrante)

Palabras clave: Biodiversidad; Cichlidae; Genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogenética

Título: Epidemiología genética en cáncer: Búsqueda de marcadores de susceptibilidad al cáncer de mama y melanoma en la población uruguaya

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Bernardo Bertoni(Integrante); Mónica Cappelletta(Integrante); Valentina Colistro(Integrante); Lucía Brignioni(Integrante)

Palabras clave: SNPs; Melanoma; Cáncer de mama

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Título: Estructura genética poblacional de elasmobranchios

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: Las pesquerías de elasmobranchios han incrementado notoriamente su actividad en las últimas décadas. La estrategia de vida K presente en la mayoría de los tiburones resulta en un reducido potencial reproductivo de estas especies, que limita su habilidad para recuperarse de la sobreexplotación. Esta situación requiere medidas de manejo y conservación inmediatas. Claramente, planes de manejo diseñados para peces teleosteos son inapropiados para su uso en tiburones, por lo que se requiere conocimiento de la estructura y dinámica poblacional de las especies manejadas, que permitan elaborar planes adecuados. Por lo tanto, nuestro objetivo es determinar la diversidad genética y la estructura poblacional de diferentes especies de elasmobranchios en el Río de la Plata y su Frente Marítimo, mediante una aproximación filogeográfica.

Equipos: Graciela García(Integrante); Sebastián Oviedo(Integrante); Verónica Gutiérrez(Integrante)

Palabras clave: Filogeografía; Pesquerías; Estructura poblacional

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biología de

Poblaciones

Título: Expresión genética de membranas fetales en parto prematuro

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: El parto pretérmino (PPT) es aquel que se produce antes de las 37 semanas de gestación, y es la mayor causa de morbi-mortalidad perinatal a nivel mundial. Es considerado una entidad compleja donde existen varios factores ambientales asociados (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico, edad materna, entre otros). La existencia de diferencias étnicas y agregación familiar indica que existen factores genéticos que predisponen al PPT. Se han identificado varios polimorfismos genéticos que confieren riesgo de presentar PPT, principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. Previamente, nuestro grupo detectó una asociación entre la presencia de la variante Asp299Gly del Receptor de tipo Toll 4 (TLR4) y la prematuridad severa (i.e. menor a 33 semanas de gestación). La estimulación de TLR4 con sus ligandos induce cascadas de señalización que provocan una respuesta inflamatoria, por

la liberación de citoquinas proinflamatorias en las células epiteliales del útero, membranas fetales y placenta. Se ha propuesto que la inflamación intrauterina resulta en el inicio del parto a término y pretérmino, pero las bases moleculares no se han dilucidado aun. Durante el trabajo de parto a término, las membranas corioamnióticas tienen un perfil de expresión génica diferente de acuerdo a los sectores que se examinen, coincidente con los cambios histológicos observados en las mismas en ese momento. Este perfil de expresión génica es consistente con una activación de las vías de inflamación y de adhesión celular. Los patrones de expresión génica diferencial han probado ser relevantes para entender la susceptibilidad a enfermedades genéticas complejas. En este contexto, este proyecto propone comparar la expresión génica entre el parto desencadenado a término y pretérmino severo, analizando el transcriptoma de la membrana corioamniótica en mujeres en ambas situaciones. Se busca identificar genes diferencialmente expresados relacionados con el parto prematuro. A su vez se busca identificar polimorfismos genéticos asociados con expresión diferencial en estos dos grupos, que permitan identificar susceptibilidad a esta patología.

Equipos: Rossana Sapiro(Integrante); Bernardo Bertoni(Integrante)

Palabras clave: Transcriptómica; expresión génica; Parto prematuro

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Título: Historia epidémica del virus de la Hepatitis C en Uruguay

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Rosario Uriarte(Integrante); Susana Boschi(Integrante); Juan Cristina(Integrante); Silvana Ifrán(Integrante); Rodney Colina(Integrante); Matias Castells(Integrante); Gonzalo Bello(Integrante)

Palabras clave: Hepatitis C; filogenética

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Título: Papel del Receptor Toll TLR4 en el Síndrome de Ovario Poliquístico

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: El síndrome de ovario poliquístico (PCOS) es la causa más común de infertilidad anovulatoria, afectando cerca del 10% de las mujeres en edad reproductiva. Aunque se han postulado múltiples causas de esta enfermedad, su etiología permanece desconocida. Si bien la PCOS es considerada como un estado proinflamatorio, relativamente poco se conoce acerca de si mecanismos inmune/inflamatorios podrían contribuir a inducir un crecimiento anormal de los folículos ováricos. Las células granulosas foliculares son capaces de responder a las endotoxinas como el LPS y producir TNF- α . El LPS inhibe la expresión de la enzima aromatasa y la secreción de estrógenos. Dado que el incremento de andrógenos versus estrógenos se encuentra asociado al PCOS, una respuesta diferencial al LPS podría modular el crecimiento anormal de los folículos durante la formación de quistes. Se han descrito receptores a LPS que constituyen la familia de receptores toll. Conocidos polimorfismos genéticos de esta familia podrían explicar diferentes susceptibilidades entre la población. Para abordar esta propuesta, estamos realizando un estudio con pacientes mujeres que presenten o no PCOS y estamos analizando la incidencia del polimorfismo Asp299Gly de TLR4 en ambas poblaciones. En estudios in vitro examinaremos la habilidad de las células de la granulosa de mujeres con y sin PCOS de responder al LPS. Este trabajo nos permitirá aportar nuevos datos acerca de la etiología y patogenia del PCOS, introducir en nuestro país el estudio de una enfermedad frecuente en mujeres jóvenes, y finalmente mejorar el entrenamiento de investigadores en aspectos epidemiológicos y moleculares de la reproducción humana.

Equipos: Jimena Mas de Ayala(Integrante); Gabriel Anesetti(Integrante); Jimena Alciaturi(Integrante); Rebeca Chávez(Integrante); Rossana Sapiro(Integrante)

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico; infertilidad; Asociación genética

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Proyectos

2007 - 2007

Título: Filogeografía de *Mustelus schmitti* en el Atlántico Sudoccidental, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable, *Descripción:* Proyecto Iniciación a la Investigación CSIC 2006 - Modalidad II. En las últimas décadas, las pesquerías de elasmobranchios han incrementado sustancialmente su actividad. Por su estrategia de vida, los condriictios poseen un reducido potencial reproductivo, lo que los hace extremadamente vulnerables a los efectos de la sobrepesca y al colapso de la población. El "gatuzo" (*Mustelus schmitti*) es explotado intensamente por pesquerías industriales y artesanales de Argentina, Uruguay y el sur de Brasil, pero a pesar de su importancia comercial, poco se sabe acerca de su estructura poblacional. En este estudio se prevé emplear marcadores moleculares robustos (secuencias de ADN mitocondrial y genes nucleares) para analizar la estructura genética poblacional del gatuzo, identificar "stocks" pesqueros en esta especie, determinar el patrón filogeográfico e inferir su historia demográfica. Los resultados que emerjan del presente proyecto podrán ser utilizados para diseñar planes de manejo pesquero para esta especie.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Graciela García(Integrante)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Remuneración

Palabras clave: Elasmobranchios; Conservación; Estructura poblacional

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecología

2007 - 2009

Título: Identificación de stock y caracterización del gatuzo (*Mustelus sp.*) y del angelito (*Squatina sp.*) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Investigación

Alumnos: 2(Pregrado), 2(Maestría/Magister),

Equipo: Graciela García(Responsable); Julia Vergara(Integrante); Sebastián Oviedo(Integrante); Verónica Gutierrez(Integrante); Andrés Domingo(Integrante); Philip Miller(Integrante)

Financiadores: DINACYT/DICYT/CONICYT / Apoyo financiero

Palabras clave: Elasmobranchios; Estructura poblacional; Genética de poblaciones

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogenética

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

2011 - 2014

Título: Diagnóstico molecular de virosis emergentes de gran impacto en la salud, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Desarrollo

Sistema Nacional de Investigadores

Alumnos:

Equipo: María del Rosario Uriarte Escuder(Responsable); Mónica Cappetta(Integrante); Susana Boschi(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

Palabras clave: Diagnóstico molecular; Enfermedades infecciosas

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

2009 - 2015

Título: Desarrollo de técnicas para la determinación del riesgo genético en el parto prematuro aplicables en el sector productivo, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* El parto pretérmino (PPT), definido como aquel que se produce antes de las 37 semanas de edad gestacional, es la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal a nivel mundial. En Sudamérica, más del 10% de los recién nacidos son prematuros, y la incidencia es entre 8% y 10% en Uruguay. Existen numerosos factores ambientales asociados al parto prematuro (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico). A su vez, existen diferencias étnicas y predisposición en algunas familias que permiten postular la presencia de factores genéticos que predisponen al PPT. Recientemente se ha encontrado asociación entre la incidencia de parto prematuro y varios polimorfismos de nucleótido simple (SNP), principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. La técnica de PCR a tiempo real, seguida de un análisis de desnaturalización simple y de alta resolución (HRM), puede identificar cambios hasta en un único nucleótido. El objetivo general de este trabajo consiste en desarrollar una técnica sensible, rápida, poco costosa y de fácil manejo por operadores no necesariamente familiarizados con las técnicas de Biología Molecular que permita detectar SNP asociados al riesgo de parto prematuro y crear una técnica que, mediante la combinación del estudio de varios genes permita detectar el riesgo de PTB. A más largo plazo ésta técnica podría ser utilizada como plataforma para cualquier SNP o grupo de polimorfismos.

Tipo: Investigación

Sistema Nacional de Investigadores

Alumnos:

Equipo: Rossana Sapiro(Responsable); Tatiana Velázquez(Integrante); Daniel Grasso(Integrante); Grazzia Rey(Integrante); Bernardo Bertoni(Responsable); Justo Alonso(Integrante)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Palabras clave: Parto prematuro; Riesgo genético

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

2010 - 2015

Título: Papel del Toll Receptor 4 en el Síndrome de Ovario Poliquístico (PCOS), *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* El síndrome de ovario poliquístico (PCOS) es la causa más común de infertilidad anovulatoria, afectando cerca del 10% de las mujeres en edad reproductiva. Aunque se han postulado múltiples causas de esta enfermedad, su etiología permanece desconocida. Si bien la PCOS es considerada como un estado proinflamatorio, relativamente poco se conoce acerca de si mecanismos inmune/inflamatorios podrían contribuir a inducir un crecimiento anormal de los folículos ováricos. Las células granulosa foliculares son capaces de responder a las endotoxinas como el LPS y producir TNF- α . El LPS inhibe la expresión de la enzima aromatasa y la secreción de estrógenos. Dado que el incremento de andrógenos versus estrógenos se encuentra asociado al PCOS, una respuesta diferencial al LPS podría modular el crecimiento anormal de los folículos durante la formación de quistes. Se han descrito receptores a LPS que constituyen la familia de receptores toll. Conocidos polimorfismos genéticos de esta familia podrían explicar diferentes susceptibilidades entre la población. Para abordar esta propuesta, estamos realizando un estudio con pacientes mujeres

que presenten o no PCOS y estamos analizando la incidencia del polimorfismo Asp299Gly de TLR4 en ambas poblaciones. En estudios in vitro examinaremos la habilidad de las células de la granulosa de mujeres con y sin PCOS de responder al LPS. Este trabajo nos permitirá aportar nuevos datos acerca de la etiología y patogenia del PCOS, introducir en nuestro país el estudio de una enfermedad frecuente en mujeres jóvenes, y finalmente mejorar el entrenamiento de investigadores en aspectos epidemiológicos y moleculares de la reproducción humana.

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Jimena Mas de Ayala(Integrante); Gabriel Anesetti(Integrante); Rebeca Chávez(Responsable); Rossana Sapiro(Responsable)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico; Asociación genética

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología de la Reproducción

2014 - 2016

Título: Expresión genica de membranas fetales en parto prematuro, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable,

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Rossana Sapiro(Integrante); Bernardo Bertoni(Integrante)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Palabras clave: Parto prematuro; secuenciación masiva; expresión génica

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Producción científica/tecnológica

El parto pretérmino (PPT), definido como aquel ocurrido antes de las 37 semanas de edad gestacional, es un problema de salud mundial, siendo la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal. En Sudamérica, las tasas de parto prematuro ascienden a más del 10%, y la incidencia es del 9% en Uruguay. Además del alto riesgo de muerte neonatal, los recién nacidos prematuros tienen una incidencia mayor de retraso en el desarrollo neurológico, enfermedades respiratorias y dificultades de visión y audición. Hasta el momento, los tratamientos médicos fracasan en prolongar el tiempo de gestación en madres con amenaza de parto prematuro. En este sentido, el progreso en el entendimiento y la prevención del parto prematuro requerirá la elucidación de los mecanismos moleculares que lo desencadenan. En particular, la identificación de biomarcadores específicos de prematuridad ha probado ser desafiante. Se entiende a la etiología del parto prematuro espontáneo como compleja y multifactorial, y se plantea que los factores genéticos son componentes causales importantes de la patología. Una característica de los fenotipos complejos es que no hay un único locus que contenga los alelos que son necesarios o suficientes para manifestar la enfermedad. Por lo tanto, es necesario utilizar metodologías integradoras o masivas para descifrar la complejidad y las causas de estas enfermedades. En nuestro trabajo de investigación, proponemos analizar los patrones de expresión génica de las membranas fetales, así como detectar variantes poco frecuentes asociadas al parto prematuro severo. Las variantes genéticas que afectan la regulación génica pueden jugar un rol importante en la susceptibilidad a enfermedades complejas, considerándose la expresión génica como un determinante de la variación fenotípica. Buscamos entonces definir un patrón de expresión característico del parto prematuro severo, que permita entender los procesos moleculares involucrados en este proceso. Estudiamos el PPT severo (aquel que ocurre antes de las 33 semanas de edad gestacional) debido a que éste parece depender más que el PPT moderado de factores genéticos y constitucionales, por lo que postulamos que los cambios de expresión génica serán más marcados en las membranas corioamnióticas de estos recién nacidos. La amplitud de los datos generados por el secuenciado masivo de ARN que realizamos permite buscar en el parto prematuro marcadores asociados con loci reguladores de expresión génica, conocidos como eQTLs. Así, analizando las secuencias obtenidas buscamos relacionar variantes génicas con sus consecuencias funcionales, a nivel celular y molecular. En suma, nuestro trabajo de investigación apunta a entender mejor los mecanismos que provocan una característica de base genética compleja, como el parto pretérmino, y su evolución en la población uruguaya.

Producción bibliográfica

Artículos publicados

Arbitrados

Completo

PEREYRA, S.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Interactions between environmental factors and maternal–fetal genetic variations: strategies to elucidate risks of preterm birth. European Journal of Obstetrics and Gynecology and Reproductive Biology, v.: 202, p.: 20 - 25, 2016

Palabras clave: Parto prematuro; PCR real time; Asociación genética; factores ambientales

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 00282243 ; DOI: 10.1016/j.ejogrb.2016.04.030



Completo

GARCÍA, G.; PEREYRA, S.; GUTIERREZ, V.; OVIEDO, S.; MILLER, P.; DOMINGO, A.

Population structure of *Squatina guggenheim* (Squatiniiformes, Squatinidae) from South Western Atlantic Ocean. *Journal of Fish Biology*, v.: 86, p.: 186 - 202, 2015

Palabras clave: microsatellite; genetic population structure

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Wiley ; ISSN: 00221112 ; DOI: 10.1111/jfb.12560

<http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1111/jfb.12560/full>



Completo

COMAS, V.; MORATORIO, G.; SOÑORA, M.; GOÑI, N.; PEREYRA, S.; IFRÁN, S.; MORENO, P.; CRISTINA, J.

Phylogenetic analysis of the neuraminidase gene of pandemic H1N1 influenza A virus circulating in the South American region. *Virus Research*, v.: 197, p.: 1 - 7, 2015

Palabras clave: Influenza A; Evolucion; Neuroaminidasa

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* ScienceDirect ; ISSN: 01681702 ; DOI: 10.1016/j.virusres.2014.11.008

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0168170214004523>



Completo

CASTELLS, M.; BELLO, G.; IFRÁN, S.; PEREYRA, S.; S. BOSCHI, R. URIARTE, CRISTINA, J.; COLINA, R.

Epidemic history of major genotypes of hepatitis C virus in Uruguay. *Infection, Genetics and Evolution*, v.: 32, p.: 231 - 238, 2015

Palabras clave: Evolucion; filogenética; Historia demografica

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Elsevier ; ISSN: 15671348 ; DOI: 10.1016/j.meegid.2015.03.021

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1567134815001069>



Completo

GUTIERREZ, V.; PEREYRA, S.; RIOS, N.; GARCÍA, G.

Isolation and characterization of eight microsatellites from the South American annual fish *Austrolebias charrua*. *Conservation Genetics Resources*, v.: 6 4, p.: 991 - 993, 2014

Palabras clave: *Austrolebias charrua*; peces anuales; Microsatelites

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Springer Netherlands ; *ISSN:* 18777252 ; *DOI:* 10.1007/s12686-014-0266-9

<http://link.springer.com/article/10.1007/s12686-014-0266-9>



SCOPUS



Completo

PEREYRA, S.; VELÁZQUEZ, T.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Rapid multiplex high resolution melting method to analyze inflammatory related SNPs in preterm birth. *BMC Research Notes*, 2012

Palabras clave: Parto prematuro; pcr multiplex; SNP

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 17560500

<http://www.biomedcentral.com/1756-0500/5/69/abstract>

SCOPUS

Completo

PEREYRA, S.; GARCÍA, G.; MILLER, P.; OVIEDO, S.; DOMINGO, A.

Low genetic diversity and population structure of the Narnose shark (*Mustelus schmitti*). *Fisheries Research*, v.: 106 3, p.: 468 - 473, 2010

Palabras clave: *Mustelus schmitti*; population genetic structure; mtDNA; genetic variability

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 01657836 ; *DOI:* 10.1016/j.fishres.2010.09.022

<http://dx.doi.org/10.1016/j.fishres.2010.09.022>

The narnose smooth-hound shark *Mustelus schmitti* is a coastal species endemic to the Southwest Atlantic Ocean. As this species is an important fishery resource, there is interest in knowing its genetic population structure. In this study, we used mitochondrial cytochrome b gene sequences to examine the genetic structure of the narnose smooth-hound populations within the Río de la Plata and its Maritime Front in the SW Atlantic Ocean. We found no evidence for genetic structure in the analyzed samples. Low levels of pairwise *F_{ST}* values indicated high connectivity and suggested genetic homogeneity at this geographic range. Additionally, notably low nucleotide and haplotype diversities found in this species could indicate that *M. schmitti* experienced a population bottleneck, recent expansion or selection. The results presented here indicate that *M. schmitti* exists as a single demographic unit in the Río de la Plata and its Maritime Front. The low genetic diversity values found in the present study, together with the low resilience to exploitation of this species, raise considerable concern over the conservation status of *M. schmitti*.



SCOPUS



Completo

PEREYRA, S.; GARCÍA, G.

Patterns of genetic differentiation in the *Gymnogeophagus gymnogenys* species complex, a neotropical cichlid from South American basins. *Environmental Biology of Fishes*, v.: 83 3, p.: 245 - 257, 2008

Palabras clave: Cytochrome b; Phylogeography; *Gymnogeophagus gymnogenys*; Species complex

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Netherlands ; *ISSN:* 03781909 ; *DOI:* 10.1007/s10641-008-9329-7

<http://www.springerlink.com/content/8577062h18572706>

The neotropical cichlid genus *Gymnogeophagus* is distributed in the Río de la Plata basin and in Dos Patos and Merín coastal lagoons on the border between Uruguay and southern Brazil. A phylogeographic approach based on mitochondrial cytochrome b analysis was performed to assess the patterns and processes of differentiation in this taxon. *Gymnogeophagus gymnogenys* showed high haplotype diversity ($H = 0.992$) and corrected mtDNA genetic distances ranged from 0 to 5.3%. Our analyses yielded robust support for the existence of four monophyletic groups within G.

gymnogenys from the analyzed basins. No correlation between the aforementioned clades and geographic structure was found, since individuals belonging to different phylogenetic clades inhabit the same locality. The phylogeographic approach presented here showed that these four phylogroups (1, 2, 3 and 4) were sister groups. Our present findings would corroborate that *G. gymnogenys* could be integrated by different phylogenetic lineages, showing an explosive differentiation pattern and confirming the hypothesis that this taxon constitutes a species complex.



SCOPUS



Artículos aceptados

Capitulos de Libro

Capítulo de libro publicado

REY, G.; PEREYRA, S.; VELÁZQUEZ, T.; GRASSO, D.; ALONSO, J.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

The Effect of Inflammation on Preterm Birth, 2012

Libro: *Preterm Birth - Mother and Child*. p.: 183 - 200,

Organizadores: J. C. Morrison (Editor)

Editorial: *Intech*, Rijeka, Croatia

Palabras clave: *Parto prematuro; TLR4*

Areas del conocimiento: *Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia*

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Medio de divulgación: *Papel*; ISSN/ISBN: 9789533078281; En prensa: *Si*

<http://www.intechopen.com/articles/show/title/the-effect-of-inflammation-on-preterm-birth>

Trabajos en eventos

Resumen

PEREYRA, S.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Detección de expresión génica diferencial en membranas fetales en parto prematuro severo, 2016

Evento: *Internacional*, XVI Congreso Latinoamericano de Genética, Montevideo, 2016

Anales/Proceedings: *Journal of Basic and Applied Genetics* Arbitrado: *SI*

Editorial: *Buenos Aires*

Palabras clave: *secuenciado masivo; Expresión diferencial; Parto prematuro*

Areas del conocimiento: *Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas*

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Medio de divulgación: *Papel*; ISSN/ISBN: 18526233;

http://www.alag2016.org/admin/files/alag2016/upload/files/V.XXVIII_2016_Suppl1_19092016.pdf

Resumen

FORD, MARIANA; PEREYRA, S.; MAS DE AYALA, J.; CHAQUIRIAND, V.; CLOSE, M.L.; SAPIRO, R.

Análisis de polimorfismos de genes de la vía del receptor tipo Toll4 con significancia funcional en el Síndrome de Ovario Poliquístico, 2014

Evento: *Nacional*, XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias, Piriápolis, 2014

Anales/Proceedings: *Resúmenes de las XV Jornadas de la SUB*

Palabras clave: *PCOS; SNP; Asociación genética*

Areas del conocimiento: *Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia*

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Medio de divulgación: *CD-Rom*;

Financiación/Cooperación: *Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Beca*

Resumen

PEREYRA, S.; PÉREZ, V.; S. BOSCHI; IFRÁN, S.; M. CAPPETTA; R. URIARTE

Detección molecular de Bordetella pertussis y Bordetella parapertussis en muestras clínicas , 2013

Evento: Nacional , X Encuentro Nacional de Microbiólogos , Montevideo , 2013

Anales/Proceedings: Libro de resúmenes

Editorial: DIRAC , Montevideo

Palabras clave: Bordetella; Diagnóstico molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

IFRÁN, S.; PEREYRA, S.; S. BOSCHI; ZUBILLAGA, M.N.; M. CAPPETTA; R. URIARTE; RE CAREY, R.; CRISTINA, J.; COLINA, R.

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5' UTR , 2013

Evento: Regional , X Encuentro Nacional de Microbiólogos , Montevideo , 2013

Anales/Proceedings: Libro de resúmenes

Editorial: DIRAC , Montevideo

Palabras clave: Enterovirus; Diagnóstico molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

IFRÁN, S.; PEREYRA, S.; S. BOSCHI; ZUBILLAGA, M.N.; M. CAPPETTA; R. URIARTE; RE CAREY, R.; CRISTINA, J.; COLINA, R.

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5' UTR , 2013

Evento: Internacional , I Congreso Latinoamericano de Virología , Bogotá , 2013

Anales/Proceedings: Resúmenes del I Congreso Latinoamericano de Virología

Palabras clave: Enterovirus; Diagnóstico molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: CD-Rom;

Resumen

PEREYRA, S.; SAPIRO, R.; MAS DE AYALA, J.; CHÁVEZ, R.

TLR4 genetic variations in uruguayan women with Polycystic Ovary Syndrome (PCOS) , 2013

Evento: Internacional , OVARIAN CLUB III , Paris , 2013

Anales/Proceedings: OVARIAN CLUB III abstracts

Palabras clave: PCOS; SNP; Asociación genética

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Medio de divulgación: Internet;

<http://comtecmed.com/oc/2013/Uploads/Editor/PDF/Ch%C3%A1vez-Genaro.pdf>

Resumen

MAS DE AYALA, J.; PEREYRA, S.; ANESETTI, G.; ALCIATURI, J.; CANTÚ, L.; TOROSIÁN, L.; CHÁVEZ, R.; SAPIRO, R.

Polimorfismos de genes asociados a la respuesta inflamatoria en mujeres con patologías reproductivas , 2012

Evento: Nacional , XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias , Piriápolis , 2012

Anales/Proceedings: Resúmenes de las XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: PCOS; Asociación genética; inflamación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

PEREYRA, S.; DIAZ, A.; AROCENA, E.; CARDOZO, P.; BORBONET, D.; MAS DE AYALA, J.; ALONSO, J.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Estudio de asociación génica de SNPs en una vía inflamatoria con el parto pretérmino , 2012

Evento: Nacional , XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias , Piriápolis , 2012

Anales/Proceedings: Resúmenes de las XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Parto prematuro; SNP

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

SOÑORA, M.; COMAS, V.; MORATORIO, G.; GOÑI, N.; M. CAPPETTA; R. URIARTE; S. BOSCHI; PEREYRA, S.; CRISTINA, J.; MORENO, P.

Optimización de una RT-PCR para la caracterización molecular del Virus de Influenza A H3N2 circulante en Uruguay durante la temporada invernal 2011 , 2012

Evento: Nacional , XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias , Piriápolis , 2012

Anales/Proceedings: Resúmenes de las XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Influenza A; virosis emergentes

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

PEREYRA, S.; VELÁZQUEZ, T.; GRASSO, D.; REY, G.; ALONSO, J.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Análisis de SNPs por PCR en tiempo real multiplex , 2011

Evento: Nacional , Segundas Jornadas de Genética del Uruguay , Montevideo , 2011

Anales/Proceedings: Resúmenes de las II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Palabras clave: SNP; Parto prematuro; PCR real time

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Medio de divulgación: CD-Rom;

Financiación/Cooperación: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Resumen

REY, G.; PEREYRA, S.; VELÁZQUEZ, T.; GRASSO, D.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Role of inflammation in preterm birth , 2011

Evento: Internacional , 10th World Congress of Perinatal Medicine , Punta del Este , 2011

Anales/Proceedings: Journal of Perinatal Medicine. Abstracts 10th WCPM , 39

Editorial: De Gruyter , Berlin

Palabras clave: Parto prematuro; inflamación

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Medio de divulgación: Internet; ISSN/ISBN: 0936-174x;

Resumen

MAS DE AYALA, J.; ANESETTI, G.; ALCIATURI, J.; CANTÚ, L.; SKOWRONEK, F.; PEREYRA, S.; CHÁVEZ, R.; SAPIRO, R.

Incidencia del polimorfismo Asp299Gly del receptor TLR 4 en infertilidad femenina. , 2010

Evento: Nacional , XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias , Piriápolis , 2010

Palabras clave: TLR4; Síndrome de Ovario Poliquístico; PCR real time

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Medio de divulgación: Internet;

Financiación/Cooperación: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

<http://www.pasteur.edu.uy/sub>

Estudios recientes sugieren que la interacción entre los sistemas inmune y reproductivo tiene importantes consecuencias para la reproducción y la salud en general. Algunas de estas interacciones podrían involucrar a la familia de mediadores considerados clásicamente como inflamatorios entre los que se encuentran los receptores toll (TLRs). La presencia de integrantes de la familia de TLRs ha sido descrita en el ovario de diversas especies, incluyendo al humano a nivel de las células de la teca y la granulosa. TLRs usualmente se encuentran en células inmunes profesionales y reconocen moléculas patógenas (endotoxinas). Algunos polimorfismos genéticos de esta familia de receptores podrían explicar diferentes susceptibilidades a las enfermedades entre los individuos de una población o entre diferentes poblaciones. Los resultados de su asociación con enfermedades reproductivas en estudios de poblaciones caucásicas son inconsistentes y prácticamente desconocidos en poblaciones sudamericanas. En este trabajo estudiamos a) la incidencia de polimorfismos de TLR 4 (Asp299Gly) en pacientes que consultaron por problemas de infertilidad con respecto a un grupo de mujeres sanas y b) la capacidad de las células granuloso-luteínicas en cultivo para secretar interleukinas. Se cultivaron células de la granulosa obtenidas por aspiración de foliculo ovárico de aquellas pacientes que fueron sometidas a Fertilización in vitro (FIV) para el tratamiento de su infertilidad o de donantes de ovocitos. En el medio de cultivo se midió la presencia de interleukinas. De las células remanentes se extrajo ADN. En un grupo de mujeres que no fue sometido a FIV, el ADN se obtuvo a partir de mucosa yugal. La presencia del polimorfismo fue determinada por PCR, seguida de restricción enzimática RFLP (Restriction Fragment Length Polymorphisms). El protocolo experimental fue aprobado por el Comité de Ética de la Facultad de Medicina. En todos los casos se obtuvo el consentimiento escrito. Las mujeres estudiadas se ubicaron en un grupo etario de 25 a 45 años (n=100). Las patologías reproductivas estudiadas incluyeron: poliquistosis ovárica, endometriosis e hiperinsulinismo. Se comprobó la presencia de interleukina 1b y 6 en el medio a las 48 hrs de realizado el cultivo celular. Aproximadamente el 10% de las mujeres de ambos grupos (sanas o con patología) presentó incidencia del polimorfismo. No se detectaron diferencias significativas de asociación para ninguno de los grupos estudiados en particular. Consideramos que el tamaño de la población estudiada es bajo y que se requiere mayor número de casos en cada una de las patologías estudiadas. Además se podrá analizar si existen diferencias en el patrón de secreción de interleukinas de acuerdo a la patología de las pacientes.

Resumen

PEREYRA, S.; VELÁZQUEZ, T.; GRASSO, D.; REY, G.; ALONSO, J.; BERTONI, B.; SAPIRO, R.

Diseño de una PCR en tiempo real dúplex para detectar polimorfismos en el parto prematuro. , 2010

Evento: Nacional , XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias , Piriápolis , 2010

Palabras clave: SNP; PCR real time; Parto prematuro

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Medio de divulgación: Internet;

Financiación/Cooperación: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Remuneración

<http://www.pasteur.edu.uy/sub>

El parto pretérmino (PPT), definido como aquel que se produce antes de las 37 semanas de edad gestacional, es la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal a nivel mundial. En Sudamérica, más del 10% de los recién nacidos son prematuros, y la incidencia es entre 8% y 10% en Uruguay. Existen numerosos factores ambientales asociados al parto prematuro (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico). A su vez, existen diferencias étnicas y predisposición en algunas familias que permiten postular la presencia de factores genéticos que predisponen al PPT. Recientemente se ha encontrado asociación entre la incidencia de parto prematuro y varios polimorfismos de nucleótido simple (SNP), principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. Previamente utilizando PCR-RFLP (Restriction Fragment Length Polymorphism), nuestro grupo detectó una asociación entre la presencia de la variante Asp299Gly del Receptor de tipo Toll 4 (TLR4) y la prematuridad severa (<33 semanas). Por otro lado, la técnica de PCR a tiempo real, seguida de un análisis de desnaturalización simple y de alta resolución (HRM), puede identificar cambios hasta en un único nucleótido. En este estudio se diseñó un experimento de PCR en tiempo real para amplificar dos SNPs simultáneamente: TRL4 (rs4986790) y IL-1β (rs16944). Se analizaron muestras de cordón umbilical y de sangre de recién nacidos prematuros y a término obtenidas del Centro Hospitalario Pereira Rossell. Se realizó la técnica PCR en Tiempo Real con el kit de PCR Type-it® HRMTM (QIAGEN) y las lecturas se realizaron en el Rotor-Gene 6000 (QIAGEN). Se analizaron 100 muestras lográndose obtener simultáneamente los dos amplicones. La etapa crítica fue el ajuste de las concentraciones de oligonucleótidos utilizadas para cada SNP. Los perfiles obtenidos por el análisis HRM permitieron asignar genotipos para cada muestra, siendo esta asignación consistente con la determinada

por métodos alternativos (PCR-RFLP y secuenciación, para TLR4 e IL-1β respectivamente). El análisis de HRM permitiría desarrollar proyectos de mediana escala ya que se optimizan los tiempos de análisis, el uso de las muestras y se reducen los costos. La técnica mostró tener una alta sensibilidad y reproducibilidad, logrando así que la misma sea robusta para genotipar de manera simultánea estos dos marcadores genéticos.

Resumen

GARCÍA, G.; PEREYRA, S.; RIOS, N.; OVIEDO, S.; ROVERE, G.; LEMA, P.

Tecnologías genómicas optimizando la caracterización genética del pejerrey (*Odontesthes spp.*) para su cultivo en emprendimientos productivos de Uruguay , 2010

Evento: Nacional , 3er. Congreso Uruguayo de Producción Animal , Montevideo , 2010

Anales/Proceedings: Agrocienza , 14 , 224 , 224Arbitrado: SI

Editorial: Facultad de Agronomía , Montevideo

Palabras clave: *Odontesthes sp.*; sistemática; Acuicultura

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

MAS DE AYALA, J.; ANESETTI, G.; PEREYRA, S.; VELÁZQUEZ, T.; BERTONI, B.; ALCIATURI, J.; CANTÚ, L.; CHÁVEZ, R.; SAPIRO, R.

Polimorfismos genéticos asociados a Síndrome de Ovario Poliquístico , 2010

Evento: Internacional , 1er. Congreso Latinoamericano de Endocrinología Ginecológica , Montevideo , 2010

Anales/Proceedings: Resúmenes del 1er Congreso Latinoamericano de Endocrinología GinecológicaArbitrado: SI

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico; SNP; infertilidad

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Medio de divulgación: Papel;

Financiación/Cooperación: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Resumen

RIOS, N.; PEREYRA, S.; GARCÍA, G.

Procesos de diferenciación en *Gymnogeophagus cf. gymnogenys* en base a secuencias de ADN mitocondrial , 2010

Evento: Nacional , X Jornadas de Zoología del Uruguay , Montevideo , 2010

Anales/Proceedings: Resúmenes de las X Jornadas de Zoología del Uruguay

Palabras clave: Diferenciación genética; ADN mitocondrial

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel;

<http://cuz.fcien.edu.uy/>

Resumen

OVIEDO, S.; PEREYRA, S.; GARCÍA, G.

Macro and micro geographic scale structuring in a marine-estuarine fish from Southwestern Atlantic Ocean. , 2009

Evento: Internacional , 150 years of Darwin's Evolutionary theory: a South American Celebration , Punta del Este , 2009

Anales/Proceedings: 150 years of Darwin's Evolutionary theory: a South American Celebration. Abstracts.Arbitrado: SI

Palabras clave: *Odontesthes*; Cytochrome c oxidase subunit I; systematics; Genetic diversity

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Medio de divulgación: Internet;

Financiación/Cooperación: DINACYT/DICYT/CONICYT / Apoyo financiero

<http://darwin200.edu.uy/files/Abstracts.pdf>

Odontesthes is a diverse and widespread genus of silversides distributed in marine coastal waters and temperate freshwater drainages of South America. It is characterized by an overall uniformity in morphology and similar life history strategies displaying also a high environmental plasticity. Despite being an important fishery and aquaculture resource in Uruguay our knowledge about its systematic and genetic structure is poor. In this preliminary work, phylogenetic analyses based on mitochondrial cytochrome c oxidase subunit I (COI) showed that all samples from the Río de la Plata and coastal lagoons clustered into a single well-supported monophyletic clade with *O. argentinensis* sequences retrieved

from GenBank. Under Phylogenetic and Biological Species Concepts *Odontesthes* spp. analyzed in this study represent a single management stock. The basal polytomy detected in phylogenetic trees, negative and significant value of Tajima's test and star-like haplotype network, could suggest that *O. argentinensis* suffered a past recent demographic expansion process. AMOVA and pairwise *F_{st}* analyses reveal no genetic structure at microgeographic scale including different ontogenetic stages in Rocha Lagoon. Same results were evident at macrogeographic scale including Rio de la Plata and remaining collecting sites. High values of haplotype and nucleotide diversity found for COI were similar to those reported previously for mtDNA D-Loop control region in *O. argentinensis* populations, validating the efficacy of COI marker for this type of approaches.

Resumen

PEREYRA, S.; OVIEDO, S.; GARCÍA, G.

Low diversity and genetic structure of the narrownose shark (*Mustelus schmitti*), 2009

Evento: Internacional, 150 years of Darwin's Evolutionary theory: a South American Celebration, Punta del Este, 2009

Anales/Proceedings: 150 years of Darwin's Evolutionary theory: a South American Celebration. Abstracts. Arbitrado: SI

Palabras clave: *Mustelus schmitti*; ADN mitocondrial; Estructura genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Internet;

Financiación/Cooperación: DINACYT/DICYT/CONICYT / Apoyo financiero

<http://darwin200.edu.uy/files/Abstracts.pdf>

The narrownose smooth-hound shark, *Mustelus schmitti* (Elasmobranchii, Triakidae) is a coastal species, endemic to the Southwest Atlantic Ocean. This species is an important commercial and recreational resource all over its geographic distribution, captured by industrial trawling fleet in coastal and offshore waters. Due to intensive fishing its abundance has decreased notoriously in the last decade and thus it is currently characterized as endangered. In this study, we used mitochondrial cytochrome b gene sequences to examine the genetic structure of the narrownose smooth-hound populations within the Uruguayan Atlantic coast. Our goals were to determine the extent of mtDNA differentiation for *M. schmitti* in the study area and to assess the genetic structure and stock differentiation in the Rio de la Plata and Maritime Front. A total of 99 individuals from bycatch and strandings in commercial cruisers and artisanal fisheries from Uruguay were sequenced. An additional cytochrome b sequence from Mar del Plata was included. Nucleotide and haplotype diversity were notably low ($\pi = 0.0015$; $h = 0.226$). Both Tajima's D (-2.33 ; $p < 0.01$) and Fu's F_s (-13.28 ; $p < 0.01$) showed negative and significant values. AMOVA analyses showed no genetic structure in Uruguayan samples. Pairwise indirect estimates of gene flow among Uruguayan samples revealed a greater value than one migrant per generation while gene flow between the former ones and Mar del Plata locality revealed genetic isolation. The low nucleotide and haplotype diversity found in this species are indicative of a severe population bottleneck. Minimum spanning network was characterized by a star-like pattern with haplotypes radiating out from one central and more frequent haplotype, which is a typical signature of a past recent population expansion. This conclusion is supported by negative and significant neutrality test statistics and significant mismatch statistics. Alternatively, this scenario may also be caused by selection. Our results indicate that *Mustelus schmitti* comprises a single demographic unit in the Rio de la Plata and its Maritime front. Low genetic diversity found should be considered for the development of management plans for this species, as it may compromise its evolutionary potential.

Resumen expandido

GARCÍA, G.; PEREYRA, S.; OVIEDO, S.; MILLER, P.; DOMINGO, A.

Estructura genética del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo, 2009

Evento: Internacional, VII Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe, Pucon, Chile, 2009

Anales/Proceedings: Resúmenes del VII Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe

Palabras clave: sistemática; *Squatina* sp.; ADN mitocondrial

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología / Pesquerías

Medio de divulgación: Papel;

Financiación/Cooperación: DINACYT/DICYT/CONICYT / Apoyo financiero

En el Atlántico Sud-Occidental el género *Squatina* está representado por tres especies de difícil discriminación: *S. argentina*, *S. occulta* y *S. guggenheim*. El presente trabajo se propone identificar mediante secuencias de citocromo b mitocondrial la presencia de estas especies y sus posibles stocks en el Río de la Plata y su Frente Marítimo. Los análisis filogenéticos revelan la existencia de un solo taxón *S. guggenheim* en las muestras estudiadas. Los análisis poblacionales muestran la presencia de un único stock en esta especie. El valor bajo de diversidad haplotípica y relativamente alto de diversidad nucleotídica sugiere la existencia de cuello de botella en una población ancestral en un pasado más o menos reciente.

Resumen

GARCÍA, G.; PEREYRA, S.; OVIEDO, S.; GUTIERREZ, V.; VERGARA, J.

Identificación de stock y caracterización del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su frente marítimo , 2008

Evento: Nacional , Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética , Montevideo , 2008

Anales/Proceedings: Resúmenes

Editorial: -- , --

Palabras clave: Elasmobranchios; Genética de poblaciones; ecología molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Medio de divulgación: CD-Rom; *ISSN/ISBN:* --;

Resumen

PEREYRA, S.; OVIEDO, S.; GUTIERREZ, V.; VERGARA, J.; GARCÍA, G.

Caracterización genética de *Mustelus* sp. capturados por las pesquerías uruguayas , 2008

Evento: Nacional , Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética , Montevideo , 2008

Anales/Proceedings: Resúmenes

Editorial: -- , --

Palabras clave: Elasmobranchios; ecología molecular; Conservación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Sistemática

Medio de divulgación: CD-Rom; *ISSN/ISBN:* --;

Resumen

PEREYRA, S.; GARCÍA, G.

Pattern of genetic differentiation in the Neotropical cichlid genus *Gymnogeophagus* in South American basins , 2006

Evento: Internacional , I International Congress of Fish Genetics , Sao Carlos, SP. Brasil. , 2006

Anales/Proceedings: Abstracts , 256 , 256

Editorial: -- , --

Palabras clave: Cichlidae; Especiación; Genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: CD-Rom; *ISSN/ISBN:* --;

Resumen

PEREYRA, S.; VERGARA, J.; GARCÍA, G.

Identificación y relaciones filogenéticas preliminares en especies de condriictios del Río de la Plata y su Frente Marítimo , 2006

Evento: Internacional , V Reunião da Sociedade Brasileira para o Estudo de Elasmobranchios , Itajai, SC. Brasil. , 2006

Anales/Proceedings: Livro de Resúmenes , 71 , 72

Editorial: -- , --

Palabras clave: Elasmobranchios; sistemática; ecología molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Medio de divulgación: Papel; *ISSN/ISBN:* --;

Resumen

PEREYRA, S.; GARCÍA, G.

¿Una nueva especie de *Gymnogeophagus* en Uruguay? , 2005

Evento: Nacional , VIII Jornadas de Zoología del Uruguay , Montevideo , 2005

Anales/Proceedings: Actas de las VIII Jornadas de Zoología del Uruguay , 1 , 90 , 90

Editorial: Mim. Pesce SRL , Montevideo

Palabras clave: Cichlidae; Especiación; Genética de poblaciones

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: Papel; *ISSN/ISBN:* 0255-4402;

Resumen

PEREYRA, S.; GARCÍA, G.

Diferenciación genética en poblaciones de *Gymnogeophagus gymnogenys* (Pisces, Cichlidae) de Uruguay , 2005

Evento: Nacional , XI Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias , Minas , 2005

Anales/Proceedings: Actas de Fisiología , 10 , 188 , 188

Editorial: Oficina del Libro FEFMUR , Montevideo

Palabras clave: Genética de poblaciones; Especiación

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Medio de divulgación: Papel; *ISSN/ISBN:* 0074-31-186-1;

Resumen

FALLABRINO, A.; ESTRADES, A.; MILLER, P.; LÓPEZ-MENDILAHARSU, M.; PEREYRA, S.; FEIJOO, M.

Registros y problemáticas de las tortugas marinas en el área marino-costera de la Laguna de Rocha , 2004

Evento: Local , Taller: Avances científico-técnicos para el manejo de Área protegida Laguna de Rocha , Montevideo , 2004

Anales/Proceedings: Libro de Resúmenes , 8 , 9

Palabras clave: Tortugas marinas; Conservación

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología

Medio de divulgación: Papel;

Producción técnica

Trabajos Técnicos

Informe o Pericia técnica

GARCÍA, G.; PEREYRA, S.

Relevamiento de los Recursos Genéticos animales para el Uruguay , Proyecto Fortalecimiento del Proceso de Implementación del Sistema Nacional de Areas Protegidas de Uruguay (DINAMA/PNUD/GEF URU/05/001) , 2006 , 15 , 3

Institución financiadora: Sistema Nacional de Areas Protegidas de Uruguay (DINAMA/PNUD/GEF URU/05/001)

Palabras clave: Conservación; Recursos genéticos animales

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Medio de divulgación: CD-Rom; *Disponibilidad:* Restricta; *Ciudad:* Montevideo/Uruguay

Evaluaciones

Evaluación de Publicaciones

2016

Nombre: Archives of Medical Research,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2015

Nombre: Journal of Clinical Laboratory Analysis,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2013 / 2013

Nombre: African Journal of Biotechnology,

Cantidad: Menos de 5

Actuación como revisor de artículos para su publicación en la revista mencionada.

Evaluación de Publicaciones

2012 / 2012

Nombre: BioSystems,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Convocatorias Concursables

2009 / 2009

Nombre: Llamado a asistencia a Cursos en el exterior para estudiantes de PEDECIBA,

Cantidad: Menos de 5

PEDECIBA, Udelar , Uruguay

Evaluación de Convocatorias Concursables

2009 / 2009

Nombre: Llamado a asistencia a Pasantías locales y en el exterior para estudiantes de PEDECIBA,

Cantidad: Menos de 5

PEDECIBA, Udelar , Uruguay

Evaluación de Convocatorias Concursables

2009 / 2009

Nombre: Llamado a asistencia a Congresos internacionales para estudiantes de PEDECIBA,

Cantidad: Menos de 5

PEDECIBA, Udelar , Uruguay

Formación de RRHH

Tutorías concluidas

Grado

Tesis/Monografía de grado

Procesos de diferenciación en *Gymnogeophagus cf. gymnogenys* en base a secuencias de ADN mitocondrial , 2010

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Nestor Rios

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Licenciatura en Ciencias Biológicas

Palabras clave: *Gymnogeophagus sp.*; sistemática; Genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

País/Idioma: Uruguay/Español

Otros datos relevantes

Premios y títulos

2005 Premio "Dámaso Antonio Larrañaga" a la mejor presentación de estudiantes. Mención por la presentación del trabajo "¿Una nueva especie de *Gymnogeophagus* en Uruguay?" (Nacional) Sociedad Zoológica del Uruguay

2007 Beca de Maestría (Nacional) PEDECIBA - ANII

2007 Beca-crédito de postgrado (Nacional) Proyecto de Desarrollo Tecnológico (PDT). MEC.

Beca obtenida por méritos para financiar la realización de la estadía de investigación en la University of Nebraska-Lincoln, en el marco de la realización de mi tesis de la Maestría en Ciencias Biológicas.

2011 Premio Prof. Miguel Margulies (Internacional) Fundación Miguel Margulies

Premio otorgado por la Fundación Profesor Miguel Margulies (Argentina) otorgado al mejor trabajo presentado al concurso realizado durante el 10mo Congreso Mundial de Medicina Perinatal (internacional). El premio reconoce el trabajo 'Role of inflammation in preterm birth' presentado en el congreso. El trabajo fue publicado por Clinicas Perinatologicas Argentinas en setiembre de 2011.

2011 Mención en la "Semana académica 2011 del Hospital de Clínicas" (Nacional) Hospital de Clínicas

Mención en la "Semana académica 2011 del Hospital de Clínicas" al trabajo presentado en forma de poster: "Asociaciones Genético-Inflamatorias en el Síndrome de Ovario Poliquístico", por Mas de Ayala J, Pereyra S, Anesetti G, Alciaturi J, Cantú L, Torosian L, Close ML, Chávez R, Sapiro R.

2017 Beca de finalización de Doctorado (Nacional) Comisión Académica de Postgrados, UdelAR

Seleccionada entre los postulantes para otorgarse una beca de apoyo para finalización de doctorado. No asumida por haber asumido régimen de Dedicación Total en UdelAR.

Presentaciones en eventos

Congreso

Detección de expresión génica diferencial en membranas fetales en parto prematuro severo , 2016

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 40

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XVI Congreso Latinoamericano de Genética;

Palabras clave: secuenciado masivo; Expresión diferencial; Parto prematuro

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Congreso

Análisis de polimorfismos de genes de la vía del receptor tipo Toll4 con significancia funcional en el Síndrome de Ovario Poliquístico , 2014

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 60

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: SNPs; Asociación genética; Síndrome de Ovario Poliquístico

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Congreso

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5' UTR , 2013

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Colombia; *Nombre del evento:* I Congreso Latinoamericano de Virología; *Nombre de la institución promotora:* Pontificia Universidad Javeriana Bogotá

Palabras clave: Enterovirus; Diagnóstico molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Congreso

Optimización de RT-PCR para la caracterización molecular del virus de influenza circulante en Uruguay durante la temporada invernal 2011 , 2012

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: virosis emergentes; Influenza A

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Congreso

Polimorfismos de genes asociados a la respuesta inflamatoria en mujeres con patologías reproductivas , 2012

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 10

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: PCOS; SNP; inflamación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Congreso

Estudio de asociación génica de SNPs en una vía inflamatoria con el parto pretérmino , 2012

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 10

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Parto prematuro; SNP; inflamación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Congreso

Análisis de SNPs por PCR en tiempo real multiplex , 2011

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 20

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Segundas Jornadas de Genética del Uruguay; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Genética

Palabras clave: SNP; PCR real time; Parto prematuro

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Congreso

Incidencia del polimorfismo Asp299Gly del receptor TLR 4 en infertilidad femenina. , 2010

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: SNP; infertilidad; Genética humana

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Congreso

Diseño de una PCR en tiempo real dúplex para detectar polimorfismos en el parto prematuro , 2010

Tipo de participación: Expositor oral, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Parto prematuro; PCR real time; SNP

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Congreso

Polimorfismos genéticos asociados a Síndrome de Ovario Poliquístico , 2010

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 1er. Congreso Latinoamericano de Endocrinología Ginecológica;

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico; SNP; infertilidad

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Congreso

Procesos de diferenciación en *Gymnogeophagus* cf. *gymnogenys* en base a secuencias de ADN mitocondrial , 2010

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 10

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* X Jornadas de Zoología del Uruguay; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Zoológica del Uruguay

Palabras clave: Diferenciación genética; Evolución

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Congreso

Tecnologías genómicas optimizando la caracterización genética del pejerrey (*Odontesthes* spp.) para su cultivo en emprendimientos productivos de Uruguay , 2010

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 10

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* III Congreso de la Asociación Uruguaya de Producción Animal; *Nombre de la institución promotora:* Asociación Uruguaya de Producción Animal (AUPA) de Uruguay; Facultad de Agronomía, Facultad de Veterinaria, Facultad de Ciencias, Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria

Palabras clave: Genética de poblaciones; Recursos genéticos animales; sistemática

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Congreso

Identificación de stock y caracterización del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su frente marítimo , 2008

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Primeras Jornadas de Genética del Uruguay; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Genética

Palabras clave: Elasmobranchios; Genética de poblaciones; ecología molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Congreso

Caracterización genética de *Mustelus* sp. capturados por las pesquerías uruguayas , 2008

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Primeras Jornadas de Genética del Uruguay; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Genética

Palabras clave: Elasmobranchios; ecología molecular; Conservación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Sistemática

Congreso

Pattern of genetic differentiation in the Neotropical cichlid genus *Gymnogeophagus* in South American basins , 2006

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Brasil; *Nombre del evento:* I International Congress of Fish Genetics; *Nombre de la institución promotora:* Universidade Federal de Sao Carlos

Palabras clave: Cichlidae; Especiación; Genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Sistema Nacional de Investigadores

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética de

Poblaciones

Congreso

Identificación y relaciones filogenéticas preliminares en especies de condrictios del Río de la Plata y su Frente Marítimo , 2006

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Brasil; *Nombre del evento:* V Reuniao da sociedade brasileira para o estudo de elasmobranchios; *Nombre de la institución promotora:* Universidade do vale do Itajai

Palabras clave: Elasmobranchios; sistemática; ecología molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Congreso

¿Una nueva especie de *Gymnogeophagus* en Uruguay? , 2005

Tipo de participación: Expositor oral, *Carga horaria:* 1

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* VIII Jornadas de Zoología del Uruguay; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Zoológica del Uruguay

Palabras clave: Especiación; Genética de poblaciones

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogeografía

Congreso

Diferenciación genética en poblaciones de *Gymnogeophagus gymnoyensis* (Pisces, Cichlidae) de Uruguay , 2005

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XI Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Genética de poblaciones; Especiación

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Simposio

Macro and micro geographic scale structuring in a marine-estuarine fish from Southwestern Atlantic Ocean , 2009

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 150 years of Darwin s Evolutionary Theory: A South American celebration.;

Palabras clave: Genética de poblaciones; *Odontesthes* sp.

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología

Simposio

Low diversity and genetic structure of the narrownose shark (*Mustelus schmitti*) , 2009

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 30

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 150 years of Darwin s Evolutionary Theory: A South American celebration.;

Palabras clave: *Mustelus schmitti*; ADN mitocondrial; Estructura genética de poblaciones

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Simposio

Estructura genética del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo. , 2009

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Chile; *Nombre del evento:* VII Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe; *Nombre de la institución promotora:* INIA Chile

Palabras clave: *Squatina* sp.; sistemática

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Taller

Registros y problemáticas de las tortugas marinas en el área marino-costera de la Laguna de Rocha , 2004

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 20

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Avances científico-técnicos para el manejo del área protegida Laguna Rocha; *Nombre de la institución promotora:* Facultad de Ciencias - UdelaR

Palabras clave: Conservación; Tortugas marinas

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología

Encuentro

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5 UTR , 2013

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 8

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* X Encuentro Nacional de Microbiólogos; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Microbiología

Palabras clave: Enterovirus; Diagnóstico molecular

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Encuentro

Detección molecular de *Bordetella pertussis* y *Bordetella parapertussis* en muestras clínicas , 2013

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 8

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* X Encuentro Nacional de Microbiólogos; *Nombre de la institución promotora:* Sociedad Uruguaya de Microbiología

Palabras clave: *Bordetella*; Diagnóstico molecular

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Encuentro

Aporte de la biología molecular al diagnóstico de infecciones microbianas y virales , 2013

Tipo de participación: Expositor oral, *Carga horaria:* 10

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Paciente Oncológico en medicina intensiva. Encuentro entre Intensivistas y Oncólogos.; *Nombre de la institución promotora:* Asociación Española.

Palabras clave: diagnóstico clínico; biología molecular

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de

ADN, proteínas y enzimas

Encuentro

Asociaciones genético-inflamatorias en el Síndrome de Ovario Poliquístico , 2011

Tipo de participación: Poster, Carga horaria: 10

Referencias adicionales: Uruguay; Nombre del evento: Semana Académica del Hospital de Clínicas; Nombre de la institución promotora: Hospital de Clínicas

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico; SNP; Asociación genética

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Indicadores de producción

<i>Producción bibliográfica</i>	35
<i>Artículos publicados en revistas científicas</i>	8
Completo (Arbitrada)	8
<i>Artículos aceptados para publicación en revistas científicas</i>	0
<i>Trabajos en eventos</i>	26
Resumen (Arbitrada)	5
Resumen (No Arbitrada)	20
Resumen expandido (No Arbitrada)	1
<i>Libros y capítulos de libros publicados</i>	1
Capítulo de libro publicado	1
<i>Textos en periódicos</i>	0
<i>Documentos de trabajo</i>	0
<i>Producción técnica</i>	1
<i>Productos tecnológicos</i>	0
<i>Procesos o técnicas</i>	0
<i>Trabajos técnicos</i>	1
<i>Otros tipos</i>	0
<i>Evaluaciones</i>	7
Evaluación de Publicaciones	4
Evaluación de Convocatorias Concursables	3
<i>Formación de RRHH</i>	1
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas</i>	1
Tesis/Monografía de grado	1
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha</i>	0

Sistema Nacional de Investigadores