



ANALÍA LIMA RAIMONDO
Investigadora Adjunta Senior

alima@pasteur.edu.uy
<http://www.pasteur.edu.uy/ubypa>
Mataojo 2020
25220910

SNI

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud
Categorización actual: Nivel I (Activo)

Fecha de publicación: 21/03/2024
Última actualización: 21/03/2024

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

Dirección: Mataojo 2020 / 11400

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (598) 25220910 / 173

Correo electrónico/Sitio Web: alima@pasteur.edu.uy <http://www.pasteur.edu.uy/ubypa>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Pro.In.Bio (2011 - 2018)

Institut Pasteur de Montevideo - Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Nuevos roles de la quinasa en serinas y treoninas PknG en el metabolismo y patogénesis de Mycobacterium tuberculosis

Tutor/es: Carlos Batthyány, Rosario Durán, María Noel Álvarez

Obtención del título: 2018

Palabras Clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr-quinasas Adaptación a condiciones de estrés PknG

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Investigación básica en aspecto moleculares de bacterias patógenas humanas

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Investigación básicas sobre aspectos moleculares de bacterias patógenas humanas

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2005 - 2009)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Caracterización bioquímica y funcional de una Ser/Thr quinasa de Listeria monocytogenes

Tutor/es: Carlos Cerveñansky

Obtención del título: 2009

Palabras Clave: quinasa de proteínas en serina y treonina Listeria monocytogenes modificaciones post-traduccionales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

GRADO

Licenciatura en Bioquímica (1996 - 2004)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay
Título de la disertación/tesis/defensa: Mecanismos de captación de hierro en bacterias uropatógenas.
Tutor/es: Pablo Zunino
Obtención del título: 2004
Palabras Clave: Proteus mirabilis proteínas de membrana externa Sistemas de captación de hierro
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

2020 Skyline Online - SRM-PRM Session Topics (10/2020 - 10/2020)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / McCoss Lab Software / McCoss Lab Software , Estados Unidos
20 horas
Palabras Clave: Targeted-proteomics free softwares
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Proteómica

Workshops on Proteomics: Interpretación funcional de datos de proteómica utilizando MaxQuant y otras herramientas de acceso libre. (10/2019 - 10/2019)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Sociedad Mexicana de Proteómica , México
16 horas
Palabras Clave: Proteómica softwares de uso libre
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Proteómica

Sao Paulo School of Advance Science on Mass Spectrometry-based Proteomics (01/2017 - 01/2017)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Brazilian Biosciences National Laboratory , Brasil
80 horas
Palabras Clave: proteomics mass spectrometry
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

2nd International Mass Spectrometry School (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Sociedad Brasileira de Espectrometria de Massas , Brasil
Palabras Clave: Espectrometría de masa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Functional analysis of microbial genomes (EMBO) (01/2006)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay

Bases para el estudio de la genómica funcional a través de la espectrometría de masa (CABBIO) (01/2006)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de Buenos Aires , Argentina

Manejo y Uso de Animales de Laboratorio (01/2001)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Química , Uruguay

Cultivos Celulares (01/1999)

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Desarrollo de Métodos en HPLC (2004)

Tipo: Seminario

Institución organizadora: Asociación de Química y Farmacia del Uruguay, Uruguay

Idiomas

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Francés

Entiende bien / Habla bien / Lee bien / Escribe regular

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Bioquímica y Biología Molecular /Proteómica

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Biología Celular, Microbiología

Actuación profesional

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (09/2006 - a la fecha) Trabajo relevante

Asistente Técnico 40 horas semanales / Dedicación total

En la Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Cuantificación absoluta de proteínas de *Corynebacterium glutamicum* obtenidas en distintas fase del crecimiento. (06/2021 - a la fecha)

Inicialmente los investigadores en proteómica se dedicaban a generar catálogos de proteínas de distintos organismos. Desde ya hace unos años, los estudios proteómicos típicos cobraron más relevancia al implicar la comparación de dos o más situaciones biológicas (cepa patógena vs no-patógena, líneas celulares sensibles vs resistentes a drogas, etc.) mediante cuantificaciones relativas de las proteínas detectadas, brindando información de gran interés para comprender las bases moleculares inherentes a los procesos biológicos estudiados. Más recientemente se ha comenzado a implementar estudios de cuantificación absoluta de proteínas por espectrometría de masa (ya sea en abordajes comparativos o no) con el fin de modelar y comprender, de manera lo más exacta posible, los procesos biológicos complejos. Por ejemplo, este tipo de aproximación permite explicar cómo los flujos metabólicos intracelulares son regulados y también obtener información sobre la estequiometría de complejos macromoleculares (entre otras aplicaciones). En este proyecto, nos propusimos determinar la cantidad absoluta de las proteínas (expresadas en

copias por célula, o en molaridad) en *Corynebacterium glutamicum*. Esta bacteria presenta la ventaja de ser un organismo de gran importancia industrial y por este motivo varias herramientas moleculares para su estudio ya se encuentran desarrolladas. Pero de manera más importante, representa un modelo para estudiar varios patógenos de enorme relevancia en la salud humana: *Mycobacterium tuberculosis* (agente etiológico de la tuberculosis), *Mycobacterium leprae* (agente etiológico de la lepra), *Corynebacterium diphtheriae* (agente etiológico de la difteria). Nos proponemos abordar este estudio a partir de proteínas de *C. glutamicum* obtenidas en fase media exponencial y estacionaria del crecimiento. Esto brindará información sobre numerosos procesos biológicos diferenciales, pero es de particular interés para nosotros, el efecto en proteínas involucradas en la división celular de *Corynebacteriales*: línea principal de investigación de la UByPA. Sin embargo, más allá de la aplicación del proyecto en nuestra línea particular de interés, el desarrollo tecnológico generado quedará disponible para distintas aplicaciones de interés para diferentes investigadores de la comunidad científica.

Fundamental

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas, Coordinador o Responsable

Equipo: LIMA, A., DURÁN, R., Rodríguez, A., PAZOS OBREGÓN F., Wehenkel, A

Palabras clave: Cuantificación absoluta de proteínas *Corynebacteriales* Espectrometría de mas Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica de bacterias

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica de bacterias

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Proteómica de bacterias patógenas

Sistemas de fosforilación mediados por quinasas de proteínas en serina y treonina en bacterias gram positivas y corynebacteriales (09/2006 - a la fecha)

El estudio de la transducción de señales mediada por fosforilación en bacterias es una de las principales líneas de investigación del laboratorio. Desde mi incorporación en el Institut Pasteur de Montevideo he trabajado en esta área, ya sea desde trabajos de investigación propios, que se centraron en el estudio de una Ser/Thr-quinasa de *Listeria monocytogenes* (en el contexto de mi tesis de maestría y de un proyecto FCE de iniciación) y en el efecto de una Ser/Thr-quinasa de *M. tuberculosis* en el metabolismo de la bacteria y en el hospedero (temática de mi tesis de doctorado). También he participado como colaboradora en los proyectos de investigación de integrantes del equipo de trabajo, centrados en otros aspectos del mismo tema que tratan sobre la identificación de proteínas que interaccionan con una Ser/Thr-quinasa de *M. tuberculosis* con el objetivo de elucidar la red de señalización en la que participa, y en la elucidación de las redes de señalización mediadas por proteínas con dominios FHA (dominios que reconocen fosfoproteínas) de *M. tuberculosis*.

Fundamental

40 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas, Integrante del equipo

Equipo: LIMA, A.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Regulación de la división celular por fosforilación en *Corynebacteriales* (10/2016 - a la fecha)

La división celular es un proceso de vital importancia para todos los organismos vivos. En bacterias modelo, como *Escherichia coli* y *Bacillus subtilis*, este proceso se ha estudiado extensamente y ha comenzado a comprenderse en detalle. Sin embargo, para el orden de los *Corynebacteriales*, que incluye importantes patógenos humanos como *Mycobacterium tuberculosis*, *Mycobacterium leprae* y *Corynebacterium diphtheriae*, el estado actual del conocimiento de este proceso es aún muy fragmentario. Sin embargo las evidencias existentes indican claramente que la división celular es diferente en *Corynebacteriales*, y que está regulada por fosforilación de proteínas a través de Ser/Thr-quinasas. En particular se ha demostrado que dos de estas quinasas, PknA y PknB, están involucradas en el control de la división celular. No obstante, aún se desconocen los mecanismos moleculares subyacentes a la regulación por fosforilación de este proceso en estas bacterias. Por lo tanto, en la presente propuesta nos planteamos identificar los sustratos fisiológicos de PknA y PknB de *Corynebacterium glutamicum* (bacteria representante del orden de los *Corynebacteriales*), así como las vías de señalización celular en las que participan. También nos proponemos evaluar el papel de la fosforilación de los sustratos identificados en el proceso de división celular. Esperamos que los resultados obtenidos contribuyan de manera significativa a la comprensión de la regulación

por fosforilación de la división celular en Corynebacteriales. Esta información además permitirá detectar vías importantes y nuevas moléculas de posible interés como blanco para el desarrollo de estrategias terapéuticas enfocadas a los microorganismos patógenos miembros de este orden.

Fundamental

20 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas , Coordinador o Responsable

Equipo: R. DURÁN , P. ALZARI , PORTELA, M. , OLIVERA, F.

Palabras clave: Fosforilación de proteínas Fosfoproteómica diferencial Corynebacterium glutamicum División Celular

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica

Desarrollo de estrategias para la detección de proteínas fosforiladas en Corynebacterium glutamicum (02/2020 - a la fecha)

La fosforilación de proteínas juega un rol importante en la regulación de diversos procesos biológicos. Desde hace mucho tiempo se pensó que la fosforilación en bacterias estaba mediada fundamentalmente por la quinasas de His y Asp. Sin embargo, con el surgimiento de cientos de genomas secuenciados , se hizo evidente que la fosforilación en Ser, Thr y Tyr (típica de eucariotas) también juega un rol importante en bacterias (regulación del metabolismo, división celular, patogenicidad). La identificación de péptidos fosforilados por espectrometría de masa representa una serie de desafíos tecnológicos, ya que estos péptidos no suelen ser bien detectados. Por lo tanto, en la presente línea de investigación, se propone el desarrollo de distintas metodologías para mejorar la identificación de estos péptidos: métodos de enriquecimiento, de fraccionamiento, optimización de condiciones cromatográficas en el espectrómetro de masa, etc. El proyecto se lleva en Corynebacterium, bacteria de importancia industrial y médica (varias especies de este género provocan enfermedades humanas relevantes, como la tuberculosis, difteria, lepra) ya que presenta las 4 Ser/Thr quinasas conservadas en todo el orden. Además en el laboratorio se estudian distintos aspectos relacionados a la división celular de esta bacteria, que se conoce que está regulada por fosforilación. Por este motivo, esta línea de investigación, además de tener una relevancia tecnológica que puede ser aplicada a otras bacterias, contribuye a la líneas de investigación existentes en el laboratorio

Fundamental

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas , Coordinador o Responsable

Equipo: LIMA, A. , DURÁN, R

Palabras clave: Ser/Thr-quinasa fosfoproteómica espectrometría de masa Corynebacterium

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica de bacterias

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica de bacterias

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / fosfoproteómica de bacterias patógenas

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Descifrando la arquitectura molecular del elongasoma y divisoma de Corynebacterineae mediante marcado por proximidad en la célula viva (03/2020 - a la fecha)

La elongación y la división celular bacteriana son procesos dirigidos por dos complejos multiproteicos denominados elongasoma y divisoma respectivamente. El conocimiento actual acerca de la arquitectura de estos complejos proviene mayoritariamente del estudio de organismos modelo, para los que se han identificado muchos de sus componentes. Sin embargo, para el suborden Corynebacterineae la información disponible es muy fragmentaria y pone de manifiesto diferencias importantes con las bacterias modelo. Muchas de las proteínas claves del elongasoma y divisoma de E. coli y B. subtilis no presentan homólogos reconocibles en Corynebacterineae. Además, existen fuertes evidencias de que estas bacterias utilizan la fosforilación de proteínas como un mecanismo para regular el ensamblado del divisoma y elongasoma. Para contribuir a elucidar la arquitectura molecular de estos complejos nos planteamos explorar el entorno proteómico de componentes del divisoma y/o elongasoma de Corynebacterineae con alta resolución espacial. Para ello utilizaremos una aproximación de marcado por proximidad en la célula viva y en distintos contextos celulares, centrándonos en dos componentes claves para el

ensamblado de estos complejos que son regulados por fosforilación. Finalmente validaremos la relevancia de interacciones seleccionadas en la estructura y función del divisoma y elongasoma utilizando espectroscopía de correlación cruzada de fluorescencia. La ejecución de este proyecto nos permitirá una mejor comprensión de la organización y regulación de las unidades funcionales en la elongación y división celular en Corynebacterineae, un grupo de bacterias que incluye importantes patógenos humanos, como Mycobacterium tuberculosis, Mycobacterium leprae y Corynebacterium diphtheriae.

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: DURÁN, R (Responsable) , LIMA, A. , Leyva A. , Rodríguez, A. , Alzari, PM. , Martínez, M. , Wehenkel, A. , MALACRIDA L. , Magdalena Portela , KAMAID, A

Palabras clave: elongasoma/divisoma Corynebacterineae espectrometría de masa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica bacteriana

Determinación de Serogrupos circulantes de Dichelobacter nodosus en brotes de Foot-rot y diagnóstico de otros patógenos actuantes de afecciones podales en ovinos de Uruguay (09/2020 - a la fecha)

Las afecciones podales representan uno de los problemas más importantes de salud de los ovinos de nuestras majadas, en general se diagnostican clínicamente en el campo y existen pocas herramientas disponibles para su diagnóstico para-clínico. El Foot-rot (Pietín), causado por Dichelobacter nodosus, es la principal afección y genera grandes pérdidas económicas agravadas además por complicaciones secundarias por miasis. Otros patógenos circulantes pueden causar patologías similares por lo que es necesario tener buenas herramientas para el diagnóstico diferencial. El control del foot-rot se basa en la combinación de herramientas como diferentes formas de tratamiento, inmunización, eliminación de animales crónicamente afectados entre otras. En Uruguay se utiliza principalmente el Plan de Control y Erradicación promovido por SUL, basado en eliminación de animales portadores y lesiones avanzadas que no responden al tratamiento. Existen diez serogrupos de D.nodosus diagnosticados a nivel mundial y seis se han detectado en Uruguay. Estos serogrupos dependen de las fimbrias que expresan las bacterias y el éxito de los programas de inmunización dependen de cuáles serogrupos circulan en un establecimiento. Por tanto, es indispensable diagnosticar los serogrupos circulantes en Uruguay para poder desarrollar vacunas eficientes En esta propuesta se plantea aislar y caracterizar D. nodosus circulantes en 100 majadas de Uruguay y detectar patógenos que estén asociados en otras patologías podales. La caracterización bacteriana incluirá la determinación de serotipo, virulencia y perfiles de proteínas con el fin de generar la base para el diseño de nuevas estrategias de control.

10 horas semanales

Instituto de Investigaciones Aropecuarias - INIA , Departamento de Salud Animal

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: FRAGA M (Responsable) , FIERRO, S. (Responsable) , LIMA, A. , OLIVERA-MUZANTE, J. , sofía salada , Fernández, SM. , Silveira, C.S. , Scaglione F. , BENAVIDES, U. , Santiago-Neto, W. , Dhungyel, O.

Palabras clave: Dichelobacter nodosus Ovinos Control

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Molecular mechanisms of phospho-dependent regulation and assembly of the bacterial divisome (06/2018 - a la fecha)

Bacterial cell division is a temporally and spatially regulated process coordinated by a multi-protein

complex called the divisome. The assembly of the divisome is initiated and organized by a highly conserved bacterial protein, the bacterial tubulin homologue FtsZ, which polymerizes to form a dynamic ring structure (Z-ring) that marks the site of cell division. Following ring assembly, FtsZ recruits structural and accessory proteins in an ordered manner to build the functional cell division machinery. The precise molecular mechanisms of how the assembly and regulation of the cell division machinery is achieved remains elusive, even in extensively studied model organisms such as *Escherichia coli*, *Bacillus subtilis* or *Caulobacter crescentus*. Despite more than two decades of research, only partial answers are available for important questions regarding the mechanisms of FtsZ function, such as the architecture of the Z-ring in vivo, the actual origin of the constrictive force, or yet the relationship between Z-ring assembly and peptidoglycan remodeling. Furthermore, while genetic and biochemical techniques in bacterial model systems have identified many interactions amongst cell division proteins, the overall structure and dynamics of the divisome as a (large) multi-protein complex are still largely unknown. The recent expansion of our knowledge in and beyond well-studied model organisms illustrates the enormous diversity of cell division mechanisms in bacterial species and the picture that emerges points towards species-specific mechanisms that have evolved in order to achieve and maintain their respective cell shape and to pass it to their progeny. Substantial evidence has been accumulated showing that protein phosphorylation of cell division proteins by eukaryotic-like Ser/Thr protein-kinases plays crucial signaling roles in at least two large bacterial phyla: Firmicutes and Actinobacteria. The major objective of this proposal is to investigate phospho-dependent protein-protein interactions governing divisome assembly and regulation in Streptococcaceae (Firmicutes) and the Corynebacteriales (Actinobacteria), which include major human pathogens such as *Streptococcus pneumoniae*, *Mycobacterium tuberculosis* and *Corynebacterium diphtheriae*. We will use an integrative approach going from bacterial genetics via structural biochemistry and proteomics to cryo-electron microscopy and live cell imaging. Our central working hypothesis, supported by a number of published studies, is that Ser/Thr phosphorylation plays a crucial role in the spatio-temporal regulation and quaternary organization of the cell division machinery. For our studies we have chosen *Streptococcus pneumoniae* and *Corynebacterium glutamicum* as primary model organisms, because (i) many genetic tools are available for the analysis of gene functions, (ii) protein-phosphorylation is crucial for proper cell division (iii) both genomes encode for a limited number of Ser/Thr protein kinases (STKPs), namely in *S. pneumoniae* and in *C. glutamicum*, and a single protein phosphatase, and (iv) all individual kinase and phosphatase gene knockouts are viable, providing important research tools for phosphorylation studies.

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas
Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Agence National de la Recherche, Francia, Apoyo financiero

Equipo: Alzari, PM (Responsable), Wehenkel, A., Bellinzoni, M., Martínez, M., BEN ASSAYA, M., GUBELLINI, F., BETTON, JM., SOGUES, A., GRANGEASSE, C., GUEGUEN-CHAIGNON, V., RAVAUD, S., DUCRET, A., BAYAN, N., HOUSSIN, C., DE SOUSA D'AURIA, C., DIETRICH, C., DURÁN, R., LIMA, A., Magdalena Portela, Rossello, J., Leyva A.

Palabras clave: Bacterial cell division and morphogenesis; protein phosphorylation; integrated structural biology phospho-proteomics tubulin-like FtsZ *Streptococcus pneumoniae*

Corynebacterium glutamicum *Mycobacterium tuberculosis*

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas /

Redes de señalización mediadas por dominios FHA en micobacterias y su rol en la adaptación al ambiente del hospedero, Coordinador o Responsable (09/2015 - 09/2018)

La capacidad de *Mycobacterium tuberculosis* de inhibir la maduración fagolisosomal y adaptarse al ambiente intracelular del hospedero es un elemento crucial en su patogenicidad. Entre los mecanismos que median estos procesos, la modulación de vías de señalización por Ser/Thr quinasas tiene un rol preponderante. Experimentos in vitro han demostrado que todas las proteínas con dominios FHA codificadas por el genoma de *M. tuberculosis* son sustrato de estas quinasas. Estos dominios reconocen específicamente residuos de fosfo-Thr y participan en el ensamblaje de complejos de señalización en vías de transducción de señales dependientes de fosforilación. Si bien se ha postulado la existencia de redes de señalización basadas en quinasas de proteínas y módulos FHA en micobacterias; se desconoce mayormente la arquitectura de las mismas, las interacciones

de proteínas que las sustentan y los procesos que controlan. En esta propuesta planteamos elucidar algunas de las redes de señalización mediadas por dominios FHA en micobacterias. Para ello caracterizaremos a nivel molecular los complejos de señalización formados in vivo por proteínas con dominio FHA y su dinámica en respuesta al entorno fagosomal. Nos centraremos en dos proteínas: GarA y PhaA, ambas sustratos de una Ser/Thr quinasa esencial para la sobrevivencia de los bacilos en el macrófago infectado. La estrategia propuesta combina la purificación específica de proteínas con el entrecruzado in vivo para obtener una instantánea de las interacciones proteína-proteína en la bacteria. Esto nos permitirá una aproximación a los procesos controlados por estas redes de señalización y su relevancia para la supervivencia en el hospedero.

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: LISA, M.N. , VILLARINO, A. , GIL, M , ÁLVAREZ, M.N. , RIVERA, B , DURÁN, R (Responsable) , P. ALZARI , PIURI, M.

Palabras clave: Proteómica vías de señalización Tuberculosis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Estructura y función del antígeno B del parásito *Echinococcus granulosus* (01/2010 - 04/2012)

El avance en la caracterización bioquímica del antígeno B de *Echinococcus granulosus* (EgAgB) sugiere que esta lipoproteína tendría una estructura similar a la de las lipoproteínas plasmáticas, donde las subunidades proteicas y los fosfolípidos, especialmente fosfatidilcolina, forman una capa externa de naturaleza anfipática, capaz de establecer interacciones con el agua de la solución y con los lípidos más hidrofóbicos contenidos en el interior de la misma. Nuestra hipótesis es que además de la similitud estructural, el EgAgB también se asemeja funcionalmente a las lipoproteínas de mamíferos; pensamos que esta partícula altamente organizada está involucrada en la adquisición de lípidos propios y de lípidos esenciales que no son sintetizados por el parásito y son tomados del hospedero, de forma de transportar estas moléculas muy hidrofóbicas a través del medio acuoso, y transferirlas a los diferentes tejidos del parásito. Esto implica la interacción del EgAgB con moléculas blanco del hospedero (en solución o sobre la superficie de células) y del parásito, que colaboren en el mecanismo de transporte y/o en el metabolismo de los lípidos. Pero, además de este papel en el metabolismo lipídico, las interacciones moleculares que establece el EgAgB con células del hospedero tendrían consecuencias relevantes para la adaptación del parásito a las defensas del hospedero, imprimiéndole a las células un fenotipo que contribuye al apagado de la inflamación; esto podría implicar la utilización por el EgAgB de receptores evolutivamente desarrollados para la interacción con lipoproteínas plasmáticas nativas y cuyas señales por ende no son de tipo inflamatorio. En esta propuesta intentaremos profundizar en algunos puntos que contribuirán a la comprensión general de la estructura y función del EgAgB, pero que dejan sin abordar muchas de las preguntas que son posibles de formular dentro de la hipótesis planteada. Globalmente el proyecto apuntará a avanzar en la caracterización estructural y funcional del EgAgB. A nivel estructural se plantea identificar las variantes de la EgAgB8 y los lípidos que están fisiológicamente unidos a la proteína secretada por el metacestodo, se buscará determinar el tamaño y forma de la partícula lipoproteica por microscopía electrónica. A nivel funcional, se plantean diferentes aproximaciones experimentales para buscar evidencias de su papel en el metabolismo lipídico, incluyendo el análisis de su capacidad de transferir lípidos a membranas y la exploración de algunas moléculas concretas como posibles receptores en los monocitos/macrófagos.

5 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: BATTHYÁNY, C. , FERREIRA, A. (Responsable) , FERNÁNDEZ, C. , CÓRSICO, B. , SILVA, V. , MARTÍNEZ, M.

Palabras clave: *Echinococcus granulosus* Antígeno B

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Caracterización funcional del dominio catalítico de una quinasa de proteínas en serina y treonina de *Listeria monocytogenes*: identificación de sustratos endógenos mediante aproximaciones

fosfoproteómicas. (02/2009 - 04/2011)

La fosforilación de proteínas constituye un mecanismo universal para la regulación de, actividades enzimáticas e interacciones entre proteínas. Los sistemas de fosforilación proteica mediados por Ser/Thrquininas, y Tyr-quininas se encuentran ampliamente distribuidos en organismos eucariotas. Sin embargo, más, recientemente se ha demostrado que sistemas enzimáticos homólogos también están presentes en procariotas,, involucrados principalmente en la regulación del desarrollo, respuesta al estrés y patogenicidad. Las Ser/Thr-, quininas se encuentran reguladas por la autofosforilación de residuos específicos y la selectividad de estas enzimas, está determinada por el reconocimiento de residuos próximos al sitio de fosforilación así como de sitios de anclaje, alejados del sitio activo., *Listeria monocytogenes* es un patógeno oportunista agente causal de la listeriosis, enfermedad esporádica pero muy, seria transmitida por alimentos. Esta bacteria Gram positiva presenta un ciclo infeccioso relativamente complejo con, diferentes etapas intracelulares. El análisis del genoma de *L. monocytogenes* revela la presencia de dos Ser/Thrquininas, (lmo0618 y lmo1820) y una Ser/Thr-fosfatasa (lmo1821). Hasta el momento existen pocas evidencias de los, procesos fisiológicos regulados por estas enzimas, sus propiedades bioquímicas y sus mecanismos de regulación., El objetivo de la presente propuesta es la caracterización funcional de la Ser/Thr-quinasa de *L. monocytogenes*., lmo1820, incluyendo la elucidación del papel que cumple la fosforilación del bucle de activación en la actividad, enzimática y la identificación de su(s) sustrato(s) endógeno(s). Esto permitirá avanzar en la identificación de procesos, biológicos controlados por Ser/Thr-quininas en *L. monocytogenes* y caracterizar las bases moleculares de la, interacción entre Ser/Thr-quininas y sus sustratos.

30 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Equipo: C. CERVENANSKY

Palabras clave: quininas de proteínas en serina y treonina *Listeria monocytogenes* fosfoproteoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

DOCENCIA

ICGEB Courses (10/2018 - 10/2018)

Doctorado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Proteome analysis by mass spectrometry, 60 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

UNU-BIOLAC (12/2016 - 12/2016)

Doctorado

Organizador/Coordinador

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica, Bioinformática

UNU-BIOLAC (09/2014 - 09/2014)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Análisis Proteómico por Espectrometría de Masa, 60 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

(07/2013 - 08/2013)

Doctorado

Invitado

Asignaturas:

Sistemas de expresión para la producción de proteínas: desde el vector al primer escalado, 40 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

(11/2012 - 12/2012)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Mass Spectrometry in Protein Science, 40 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

(11/2010 - 11/2010)

Especialización

Invitado

Asignaturas:

Virología Molecular, 2 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología

EMBO (03/2010 - 03/2010)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Mass Spectrometry in Protein Analysis and Characterization, 40 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

EXTENSIÓN

Integrante de la banda de música y divulgación de temas científicos: "No te preocupes (en realidad hacemos ciencia)" (09/2020 - a la fecha)

Institut Pasteur de Montevideo 5 horas

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas (07/2011 - 09/2011)

Entrenamiento en electroforesis bi-dimensional y espectrometría de masa MALDI-TOF
20 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

Servicio de Asesoría Técnica a Conaprole (09/2019 - 05/2022)

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas
5 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

PASANTÍAS

(09/2011 - 12/2011)

Institut Pasteur de Montevideo, Unité de Parasitologie moléculaire et Signalisation
40 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

(04/2008 - 06/2008)

Instituto de Biología Molecular y Celular de Rosario, Argentina, Laboratorio de Microbiología
40 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Puesta a punto y puesta en marcha del sistema de diagnóstico de COVID-19 por RT-PCR en Uruguay (03/2020 - 06/2020)

Institut Pasteur de Montevideo 30 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas / Diagnóstico

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - MINISTERIO DE EDUCACIÓN Y CULTURA - URUGUAY

Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (10/2003 - 10/2005)

Beca de Iniciación a la Investigación 20 horas semanales

En la Unidad de Bioquímica Analítica

Otro (05/2000 - 05/2003)

Ayudante honorario 20 horas semanales

En el laboratorio de Microbiología

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Caracterización de proteínas involucradas en la adquisición de hierro en *Proteus mirabilis* (06/2000 - 04/2003)

25 horas semanales

Laboratorio de Microbiología, Integrante del equipo

Equipo:

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Caracterización de una proteína de membrana externa de *Proteus mirabilis* involucrada en la captación de hierro de hemoproteínas y evaluación de su papel en la virulencia (07/2002 - 07/2003)

25 horas semanales

Laboratorio de Microbiología

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo:

The role of 66kDa iron regulated outer membrane protein in uropathogenic *Proteus mirabilis* (05/2000 - 05/2003)

20 horas semanales

Laboratorio de Microbiología

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo:

DOCENCIA

Programa de posgrados - Facultad de Veterinaria (06/2010 - 08/2010)

Doctorado

Asignaturas:

Identificación y caracterización de bacterias de interés veterinario, 5 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Programa de posgrados - Facultad de Veterinaria (06/2009 - 07/2009)

Doctorado

Asignaturas:

Identificación y caracterización de bacterias de interés veterinario, 3 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Programa de posgrados - Facultad de Veterinaria (05/2008 - 07/2008)

Doctorado

Asignaturas:

Aproximaciones clásicas y moleculares para el diagnóstico y tipificación de bacterias de interés veterinario, 3 horas, Teórico-Práctico

PASANTÍAS

(04/2006 - 07/2006)

Instituto de Biología Molecular y Celular de Rosario, Argentina, Laboratorio de Microbiología
40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas

Carga horaria de investigación: 60 horas

Carga horaria de formación RRHH: Sin horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: Sin horas

Producción científica/tecnológica

Desde mi incorporación a la Unidad de Bioquímica y Proteómica Analíticas, mi trabajo de investigación y del grupo de trabajo al que pertenezco se ha centrado fundamentalmente en el estudio de vías de señalización mediadas por fosforilación de proteínas en bacterias patógenas. Inicialmente, desarrollé actividades de investigación en el contexto de mi tesis de Maestría (PEDECIBA Biología) y del proyecto FCE titulado "Caracterización funcional del dominio catalítico de una quinasa de proteínas en serina y treonina de *Listeria monocytogenes*: identificación de sustratos endógenos mediante aproximaciones fosfoproteómicas" del cual fui responsable y que culminó con la presentación del trabajo en varios congresos nacionales, regionales e internacionales y en la publicación del mismo en una revista arbitrada internacional.

Por otro lado, he finalizado mi formación de doctorado en el marco del ProInBio (Escuela de Graduado, Facultad de Medicina), la cual defendí recientemente obteniendo la máxima calificación. En este marco, se logró describir sustratos *in vitro* y fisiológicos de una Ser/Thr-quinasa de *Mycobacterium tuberculosis*, así como describir las vías de señalización en las que participan. Concretamente en el contexto de mi tesis de doctorado, he llevado a cabo estudios de proteómica cuantitativa y diferencial usando dos estrategias complementarias: electroforesis bidimensional de fluorescencia diferencial (DIGE) y shot-gun usando una aproximación tipo GeLC-MS/MS. Se realizaron experimentos comparativos usando una mutante de *M. tuberculosis* knock out en *pknG*, en comparación con la cepa salvaje. Esto permitió validar un sustrato *in vivo* de PknG de *M. tuberculosis*, y se identificaron otros potenciales sustratos. Asimismo, se detectaron varias proteínas, ausentes o subrepresentadas en la cepa mutante, que participarían en la adaptación de la

bacteria a condiciones de hipoxia y a otros tipos de condiciones de estrés encontrados en el hospedero. Esto permitió postular que PknG forma parte de una red de señalización, aún no caracterizada, que participaría en la sobrevivencia de la bacteria en el hospedero y en el establecimiento de una infección persistente.

Actualmente, estoy coordinando dos proyectos técnicos/científicos, que tendrán su aplicación en la comprensión de la división celular en Corynebacteriales: "Fosfoproteómica de *Corynebacterium glutamicum* WT y mutantes en las Ser/Thr-quinasas" y "Cuantificación absoluta de proteínas de *C. glutamicum* en distintas fases del crecimiento".

Asimismo, me he desempeñado como asistente técnico en nuestra unidad participando de forma activa en el uso y asesoramiento sobre diversas estrategias proteómicas y sobre el uso de los distintos tipos de espectrómetros de masa disponibles en la unidad. También soy responsable del laboratorio de electroforesis bidimensional de fluorescencia diferencial (DIGE). En este marco, he brindado servicios tecnológicos y colaborado con la comunidad científica local y regional, en proyectos que involucraron el estudio de modificaciones postraduccionales y aproximaciones de proteómica comparativa cuantitativa. Esto me ha permitido trabajar en colaboración para abordar diversas preguntas biológicas lo que se ha plasmado en varias de publicaciones científicas de las cuales soy co-autora.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Soluble SARS-CoV-2 RBD and human ACE2 peptidase domain produced in *Drosophila* S2 cells show functions evoking virus?cell interface (Completo, 2023)

F. CARRIÓN, RAMMAURO, F., OLIVERO N, FLÓ, M., Magdalena Portela, LIMA, A., DURÁN, R, PRITSCH, O., BIANCHI, S

Protein Science, v.: 32 8, 2023

Palabras clave: ACE2 binding *Drosophila* microheterogeneity neutralization RBD S2 cells SARS-CoV-2 virus?cell interface

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Disquetes

ISSN: 09618368

E-ISSN: 1469896X

DOI: <https://doi.org/10.1002/pro.4721>

<https://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1002/pro.4721>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Cardiolipin interactions with cytochrome c increase tyrosine nitration yields and site-specificity (Completo, 2021)

DEMICHELI, V, TOMASINA, FLORENCIA, S Sastre, ZEIDA, A., TÓRTORA, V., LIMA, A., BATTYANY, C., RADI, R

Archives of Biochemistry and Biophysics, v.: 703 p.:10882 2021

Palabras clave: Cardiolipin Cytochrome c Peroxynitrite Tyrosine nitration

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación:

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0003986121000746?via%3Dihub>

ISSN: 00039861

E-ISSN: 10960384

DOI: [10.1016/j.abb.2021.108824](https://doi.org/10.1016/j.abb.2021.108824)

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0003986121000746?via%3Dihub>

Scopus®

Multitarget neuroprotection by quercetin: Changes in gene expression in two perinatal asphyxia models (Completo, 2021)

V. CARDOZO, VAAMONDE, L., PARODI-TALICE, A., ZULUAGA MJ, AGRATI, D., Magdalena Portela, LIMA, A., BLASINA, F., DAJAS, F., BEDÓ, G.

Neurochemistry International, v.: 147 p.:10506 2021

Palabras clave: Neuroprotection perinatal asphyxia proteomics quercetin

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación:

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0197018621001108?via%3Dihub>

ISSN: 01970186

E-ISSN: 1872-9754

DOI: [10.1016/j.neuint.2021.105064](https://doi.org/10.1016/j.neuint.2021.105064).

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0197018621001108?via%3Dihub>

Scopus[®]

Embryonic developmental arrest in the annual killifish *Austrolebias charrua*: A proteomic approach to diapause III (Completo, 2021)

CHALAR C , CLIVIO, G. , MONTAGNE J , LIMA, A. , PAPA, NG , BEROIS, N. , AREZO, M.J.

PLoS ONE, v.: 16 6 , p.:251 2021

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: <https://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0251820>

E-ISSN: 19326203

DOI: [10.1371/journal.pone.0251820](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0251820).

<https://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0251820>

Scopus[®]

Proteome remodeling in the *Mycobacterium tuberculosis* PknG knockout: Molecular evidence for the role of this kinase in cell envelope biogenesis and hypoxia response (Completo, 2021) Trabajo relevante

LIMA, A. , Leyva A. , B.RIVERA , Magdalena Portela , Gil, M. , CASCIOFERRO, A. , María-Natalia Lisa , WEHENKEL, A. , BELLINZONI, M. , CARVALHO, P.C. , BATTHYANY, C. , ALVAREZ MN , BROSCHE, R. , ALZARI, P.M. , DURÁN, R

Journal of Proteomics, v.: 244 p.:10427 2021

Palabras clave: Hrp-1 Hypoxia Mas Msl3 *Mycobacterium tuberculosis* PknG Serine/Threonine protein kinase

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 18743919

DOI: [10.1016/j.jprot.2021.104276](https://doi.org/10.1016/j.jprot.2021.104276).

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S1874391921001755?via%3Dihub>

Scopus[®]

Quantitative proteomic dataset from oro- and naso-pharyngeal swabs used for COVID-19 diagnosis: Detection of viral proteins and host's biological processes altered by the infection (Completo, 2020) Trabajo relevante

B.RIVERA , Leyva A. , Magdalena Portela , MORATORIO, G. , MORENO P , DURÁN, R , LIMA, A.

Data in Brief, v.: 32 2020

Palabras clave: SARS-CoV-2 COVID-19 Quantitative Proteomics Shotgun proteomics nucleoprotein

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 23523409

www.elsevier.com/locate/dib

Scopus[®]

High Throughput Approaches to Unravel the Mechanism of Action of a New Vanadium-Based Compound against *Trypanosoma cruzi* (Completo, 2020)

MOSQUILLO, M.a. , SMIRCICH, P. , LIMA, A. , GHERKE, S.A , SCALESE, G. , MACHADO, I. , GAMBINO, D. , GARAT, B. , PÉREZ-DÍAZ, L

Bioinorganic Chemistry and Applications, v.: 2020 4, p.:1 - 10, 2020

Palabras clave: Trypanosoma cruzi Vanadium-Based Compound Proteomics Transcriptomics
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: <https://www.hindawi.com/journals/bca/2020/1634270/>
ISSN: 15653633
E-ISSN: 1687479X
DOI: <https://doi.org/10.1155/2020/1634270>
<https://www.hindawi.com/journals/bca/2020/1634270/>

Scopus[®]

Comparative high-throughput analysis of the Trypanosoma cruzi response to organometallic compounds. (Completo, 2020)

MOSQUILLO, M.F., SMIRCICH, P., CIGANDA M, LIMA, A., GAMBINO, D., GARAT, B.
Metallomics, 2020
Palabras clave: organometallic compound Trypanosoma cruzi transcriptomics proteomics palladium platinum
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: <https://pubs.rsc.org/en/content/articlelanding/2020/MT/D0MT00030B#!divAbstract>
ISSN: 17565901
E-ISSN: 1756591X
DOI: [doi: 10.1039/d0mt00030b](https://doi.org/10.1039/d0mt00030b).
<https://pubs.rsc.org/en/content/articlelanding/2020/MT/D0MT00030B#!divAbstract>

Scopus[®]

A Phenotypic Characterization of Two Isolates of a Multidrug-Resistant Outbreak Strain of Mycobacterium tuberculosis with Opposite Epidemiological Fitness (Completo, 2020)

BEI, J., BIGI, M.M., LIMA, A., ZHANG, Q., BLANCO, F.C., LÓPEZ, B., YU, T., WANG, Z., DAI, Z., CHEN, Z., CATALDI, A.A., SASIAIN, M.C., RITACCO, V., DE LA BARRERA, S., SORIA, M.A., DURÁN, R., BIGI, F.
BioMed Research International, v.: 2020 p.:4741 2020
Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis multidrug-resistant TB Epidemiological Fitness
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: <https://www.hindawi.com/journals/bmri/2020/4741237/>
E-ISSN: 23146141
DOI: [10.1155/2020/4741237](https://doi.org/10.1155/2020/4741237)
<https://www.hindawi.com/journals/bmri/2020/4741237/>

Scopus[®]

Early events following phosphorus restriction involve changes in proteome and affects nitric oxide metabolism in soybean leaves (Completo, 2019)

Ramos-Artuso, F., Galatro, A., LIMA, A., BATTHYANY, C., Simontacchi, M
Environmental and Experimental Botany, v.: 192 2019
Palabras clave: Glycine max Nitric oxide Nitrate reductase Phosphorus Proteome Protein nitration
Áreas de conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias de las Plantas, Botánica /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00988472
DOI: <https://doi.org/10.1016/j.envexpbot.2019.01.002>
<https://www.journals.elsevier.com/environmental-and-experimental-botany>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

New substrates and interactors of the mycobacterial Serine/Threonine protein kinase PknG identified by a tailored interactomic approach (Completo, 2019) Trabajo relevante

LIMA, A., Gil, M., Rivera, B., Rossello, J., Urdániz, E., Cascioferro, A., Carrión, F., Wehenkel, A., Bellinzoni, M., Batthyány, C., Pritsch, O., Denicola, A., ALVAREZ MN, Carvalho, PC, Lisa, MN, Brosch, R., Piuri, M., Alzari, PM, Durán, R.
Journal of Proteomics, v.: 192 p.:321 - 333, 2019
Palabras clave: PknG Serine/Threonine protein kinase glutamine synthetase FhaA Affinity purification-mass spectrometry Mycobacterium tuberculosis
Áreas de conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 18743919

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.jprot.2018.09.013>

<https://www.journals.elsevier.com/journal-of-proteomics/>

Anaía Lima y Magdalena Gil, contribuyeron de igual manera a este trabajo y por lo tanto son co-primera autoras del mismo.

Characterisation of Antigen B protein species present in the hydatid cyst fluid of *Echinococcus canadensis* G7 genotype (Completo, 2017)

FOLLE, AM, KITANO, ES, LIMA, A., GIL, M., CUCHER, M., MOURGLIA-ETTLIN, G., IWAI, LK., ROSENZVIT, M., BATTHYÁNY, C., FERREIRA, AM.

PLoS Neglected Tropical Diseases, 2017

Palabras clave: *Echinococcus granulosus* Antigen B *Echinococcus canadensis*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19352735

DOI: [10.1371/journal.pntd.0005250](https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0005250)

<http://journals.plos.org/plosntds/article?id=10.1371/journal.pntd.0005250>

WEB OF SCIENCE™

The EAL-domain protein FcsR regulates flagella, chemotaxis and type III secretion system in *Pseudomonas aeruginosa* by a phosphodiesterase independent mechanism (Completo, 2017)

ROSSELLO, J., LIMA, A., GIL, M., RODRÍGUEZ DUARTE, J., CORREA, A., CARVALHO, C., KIERBEL, A., R. DURÁN

Scientific Reports, v.: 31 7 1, 2017

Palabras clave: *Pseudomonas aeruginosa* c-di-GMP phosphodiesterase flagella chemotaxis secretion systems

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20452322

DOI: [10.1038/s41598-017-09926-3](https://doi.org/10.1038/s41598-017-09926-3)

<https://www.nature.com/articles/s41598-017-09926-3>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Mechanism of the Reaction of Human Manganese Superoxide Dismutase with Peroxynitrite: Nitration of Critical Tyrosine 34. (Completo, 2016)

DEMICHELI, V., MORENO, D. M., JARA, G. E., LIMA, A., CARBALLAL, S., RÍOS, N., BATTHYÁNY, C., FERRER-SUETA, G., QUIJANO, C., ESTRIN, D. A., MARTI, M.A., RADI, R.

Biochemistry, v.: 55 24, p.:3403 - 3417, 2016

Palabras clave: Peroxynitrite MnSOD nitration free radicals kinetics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00062960

E-ISSN: 15204995

DOI: [10.1021/acs.biochem.6b00045](https://doi.org/10.1021/acs.biochem.6b00045)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Tyrosine-Nitrated Proteins: Proteomic and Bioanalytical Aspects (Completo, 2016)

BATTHYÁNY, C., BARTESAGHI, S., MASTROGIOVANNI, M., LIMA, A., DEMICHELI, V., RADI, R. Antioxidants and Redox Signaling, 2016

Palabras clave: free radicals Post-translational protein modification proteomics biomarkers

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15230864

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A constant area monolayer method to assess optimal lipid packing for lipolysis tested with several secreted phospholipase A2 (Completo, 2015)

YUNES, P., PORTELA, M.M., LIMA, A., R. DURÁN, LOMONTE, B., FIDELIO, G. D.

Biochimica et Biophysica Acta, v.: 1848 p.:2216 - 2224, 2015

Palabras clave: phospholipase A2 lipolysis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00063002

WEB OF SCIENCE™

Structural and molecular basis of the peroxynitrite-mediated nitration and inactivation of Trypanosoma cruzi Fe-superoxide dismutase A and B: Disparate susceptibilities due to the repair of Tyr35 radical by Cys83 in Fe-SODB through intramolecular electron transfer (Completo, 2014)

MARTÍNES, A. , PELUFFO, G. , PETRUK, A.A. , HUGO, M. , PIÑEYRO, D. , DEMICHELI, V. , MORENO, D. , LIMA, A. , BATTHYÁNY, C. , R. DURÁN , ROBELLO, C. , MARTI, M.A. , LARRIEUX, N. , BUSCHIAZZO, A. , TRUJILLO, M. , RADI, R. , PIACENZA, L.

Journal of Biological Chemistry, 2014

Palabras clave: Superoxide dismutase (SOD) Peroxynitrite Trypanosome Electron transfer Protein structure

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00219258

E-ISSN: 1083351X

<http://www.jbc.org/content/early/2014/03/10/jbc.M113.545590.long>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Characterisation of the native lipid moiety of Echinococcus granulosus antigen B (Completo, 2012) Trabajo relevante

OBAL, G. , RAMOS, A. L. , SILVA, V. , LIMA, A. , BATTHYÁNY, C. , BESSIO, M. I. , FERREIRA, F. , SALINAS, G. , FERREIRA, A.

PLoS Neglected Tropical Diseases, v.: 6 5, 2012

Palabras clave: Echinococcus granulosus Antigen B

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19352735

DOI: [10.1371/journal.pntd.0001642](https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0001642)

<http://www.plosntds.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.pntd.0001642>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Proteomic analysis of Proteus mirabilis outer membrane proteins reveals differential expression in vivo versus in vitro conditions (Completo, 2011)

D ALESSANDRO, B. , LERY, L. , VON KRUGER, W.M.A. , LIMA, A. , C. PICCINI , P. ZUNINO
FEMS Immunology & Medical Microbiology, 2011

Palabras clave: Proteus mirabilis urinary tract infection outer membrane proteins in vivo in vitro

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 09288244

E-ISSN: 1574695X

DOI: [10.1111/j.1574-695X.2011.00839.x](https://doi.org/10.1111/j.1574-695X.2011.00839.x)

<http://www.fems-microbiology.org/website/nl/page23.asp>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Serine/threonine protein kinase PrkA of the human pathogen Listeria monocytogenes: Biochemical characterization and identification of interacting partners through proteomic approaches (Completo, 2011) Trabajo relevante

LIMA, A. , R. DURÁN , SCHUJMAN, G.E. , M. MARCHISSIO , PORTELA, M.M. , OBAL, G. , PRITSCH, O. , D. DE MENDOZA , C. CERVENANSKY

Journal of Proteomics, 2011

Palabras clave: Listeria monocytogenes Ser/Thr protein kinase phosphopeptide identification phosphoresidue identification interactome

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 18743919
DOI: [10.1016/j.jprot.2011.03.005](https://doi.org/10.1016/j.jprot.2011.03.005)
http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/713351/description#description
Scopus® WEB OF SCIENCE™

An antibody-based affinity chromatography tool to assess Cu, Zn superoxide dismutase (SOD) G93A structural complexity in vivo. (Completo, 2010)

PALACIOS, F. , COTA, G. , HORJALES, S. , LIMA, A. , BATTISTONI, J. , SOTELO, S. , MARÍN, M.
Biotechnology Journal, v.: 5 3 , p.:328 - 334, 2010
Palabras clave: in vivo protein foldingCu,Zn superoxide dismutaseHuman SODG93A Post-translational modifications
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
ISSN: 18606768
E-ISSN: 18607314
Scopus® WEB OF SCIENCE™

An iron-regulated outer membrane protein of *Proteus mirabilis* is a haem receptor that plays an important role in the urinary tract infection and in in vivo growth (Completo, 2007)

LIMA, A. , ZUNINO P. , DALESSANDRO B. , PICCINI C.
Journal of Medical Microbiology, v.: 56 p.:1600 - 1607, 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00222615
E-ISSN: 14735644
Scopus® WEB OF SCIENCE™

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Vías de señalización reguladas por la Ser/Thr-quinasa PknG en bacterias miembros del orden de los Corynebacteriales (2019)

LIMA, A. , Gil, M. , Wehenkel, A , Alzari, PM. , DURÁN, R
Publicado
Completo
Evento: Local
Descripción: <http://biociencias2019.uy/>
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Año del evento: 2019
Publicación arbitrada
Palabras clave: PknG Ser/Thr-quinasa Corynebacteriales Proteómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica de bacterias
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica de bacterias
Medio de divulgación: Internet

Whole proteome analysis of *DpknG Mycobacterium tuberculosis* reveals a role of PknG in bacterial adaptation to host environment (2019)

LIMA, A. , Leyva A. , Gil, M. , Wehenkel, A. , Alzari, P , DURÁN, R
Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: 8th Symposium of the Mexican Proteomic Society, 3rd PanAmerican-Huma Proteome Organization (Pan-HUPO) Meeting, 2nd Ibero-American Symposium on Mass Spectrometry
Ciudad: Acapulco
Año del evento: 2019
Publicación arbitrada
Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis PknG Proteomic
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet

Proteomics insights into the role of PknG in mycobacterial physiology and pathogenesis (2019)

LIMA, A., Gil, M., B.RIVERA, Rossello, J., Wehenkel A., María-Natalia Lisa, Alzari, PM., DURÁN, R
Publicado

Resumen expandido

Evento: Internacional

Descripción: 13th International Symposium on Mass Spectrometry in the Health and Life Science

Ciudad: San Francisco, Estados Unidos

Año del evento: 2019

Publicación arbitrada

Palabras clave: Ser/Thr-kinase Mycobacterium tuberculosis proteomics physiology pathogenesis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica
Bacteriana

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud /

Medio de divulgación: Internet

DOI: [https://doi.org/10.1016/S1535-9476\(20\)32752-3](https://doi.org/10.1016/S1535-9476(20)32752-3)

[https://www.mcponline.org/article/S1535-9476\(20\)32752-3/fulltext#articleInformation](https://www.mcponline.org/article/S1535-9476(20)32752-3/fulltext#articleInformation)

New substrates and interactors of the mycobacterial Serine/Threonine protein kinase PknG identified by a tailored interactomic approach (2018)

LIMA, A., Gil, M., B.RIVERA, Rossello, J., Wehenkel, A., Lisa, M., Alzari, P., DURÁN, R
Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: 3rd International Conference on Post-Translational Modifications in Bacteria

Ciudad: Tübingen, Germany.

Año del evento: 2018

Publicación arbitrada

Palabras clave: Ser/Thr-quinasa PknG Mycobacterium tuberculosis Interactómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

<http://www.sysbio.se/PTMBact2018/>

Espectrometría de masa en Uruguay (2017)

LIMA, A., Portela, M., Rivera, B., Rossello, J., DURÁN, R

Publicado

Resumen

Evento: Local

Descripción: I Jornadas de Investigación Científicas ?Prof. Clemente Estable?

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2017

Publicación arbitrada

Palabras clave: Espectrometría de masa MALDI-TOF/TOF LTQ Orbitrap

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Otros

Rol de la Ser/Thr-quinasa PknG en la fisiología y patología de Mycobacterium tuberculosis (2017)

LIMA, A., Gil, M., Cascioferro, A., Rossello, J., B.RIVERA, Lisa, N., Bellinzoni, M., ALVAREZ MN,
Batthyány, C., Carvalho, C., Wehenkel, A., Brosch, R., Alzari, P., DURÁN, R

Publicado

Resumen

Evento: Local

Descripción: I Jornadas de Investigación Científicas ?Prof. Clemente Estable?

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2017

Publicación arbitrada

Palabras clave: Ser/Thr-quinasa PknG Mycobacterim tuberculosis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Medio de divulgación: Otros

New substrates and processes regulated by the Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr protein kinase PknG revealed by proteomics and interactomic analyses (2017)

LIMA, A., Gil, M., Cascioferro, A., Rossello, J., B.RIVERA, Portela, M., Lisa, N., Bellinzoni, M., ALVAREZ MN, BATTHYANY, C., Carvalho, P., Alzari, P., DURÁN, R

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: Sao Paulo School of Advanced Science on Mass Spectrometry-based Proteomics

Ciudad: Campinas

Año del evento: 2017

Publicación arbitrada

Palabras clave: Ser/Thr-quinasas PknG Mycobacterium tuberculosis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

Financiación/Cooperación:

Brazilian Biosciences National Laboratory / Beca, Brasil

<https://pages.cnpem.br/ms/spsas/>

Rol de la Ser/Thr-quinasa PknG en la fisiología y patología de Mycobacterium tuberculosis (2017)

LIMA, A., Gil, M., Rossello, J., B.RIVERA, Lisa, N., Bellinzoni, M., ALVAREZ MN, BATTHYANY, C., Wehenkel, A., Brosch, R., Alzari, P., DURÁN, R

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Congreso Nacional de Biociencias 2017

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2017

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Microfilme

<http://biociencia.uy/>

Cardiolipin interactions with cytochrome c (2016)

DEMICHELI, V., TOMASINA, F., TóRTORA, V., LIMA, A., BATTHYÁNY, C., RADÍ, R.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: SfrBM's 23rd Annual Meeting

Ciudad: San Francisco, CA, USA

Año del evento: 2016

Palabras clave: citocromo c cardiolipina peroxinitrito

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

<http://sfrbm.org/meetings/annual-meeting/>

Proteomic analysis of Mycobacterium tuberculosis pknG knockout mutant: insights into its role in biological processes relevant for pathogenicity (2016) Trabajo relevante

LIMA, A., GIL, M., CASCIOFERRO, A., ROSSELLO, J., RIVERA, B., PORTELA, M.M., LECHEVALIER, F., FRIGUI, W., LISA, N., BELLINZONI, M., ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C., BROSCH, R., P. ALZARI, R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: EMBO Conference Tuberculosis 2016

Ciudad: Paris, Francia

Año del evento: 2016

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis interactoma PknG DIGE FhaA

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.tuberculosis2016.org/#poster-presentation>

Rol de la Ser/Thr-quinasa PknG de Mycobacterium tuberculosis: aproximaciones interactómicas y proteómicas cuantitativas (2016) Trabajo relevante

LIMA, A., GIL, M., CASCIOPFERRO, A., ROSSELLO, J., PORTELA, M. M., LECHEVALIER, F., ZOUAOUI-FRIGUI, W., LISA, M.N., BELLINZONI, M., ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C., P. ALZARI, BROSCHE, R., R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: XXIII CONGRESO LATINOAMERICANO DE MICROBIOLOGÍA. REUNIÓN DE LA SOCIEDAD LATINOAMERICANA DE TUBERCULOSIS Y OTRAS MICOBACTERIOSIS (SLAMTB)

Ciudad: Rosario, Argentina

Año del evento: 2016

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis PknG DIGE Shotgun Glutamina sintetasa

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

<http://www.alam-cam2016.aam.org.ar/libro-resumenes.php>

El análisis proteómico de una cepa de Mycobacterium tuberculosis deficiente en PknG revela su participación en procesos relevantes para la patogenicidad (2015)

LIMA, A., GIL, M., CASCIOPFERRO, A., PORTELA, M.M., ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Cuarto Encuentro Nacional de Química

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2015

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis PknG DIGE Shotgun

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.enaqui4.fq.edu.uy/>

Caracterización proteómica y funcional de una cepa de Pseudomonas aeruginosa que sobreexpresa una fosfodiesterasa específica de di-GMPc (2015)

ROSSELLO, J., LIMA, A., RODRÍGUEZ, J., GIL, M., KIERBEL, A., R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Cuarto Encuentro Nacional de Químicos

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2015

Palabras clave: Pseudomonas aeruginosa DIGE di-GMPc

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

<http://www.enaqui4.fq.edu.uy/>

Mechanism of the Reaction of Peroxynitrite with Mn-Superoxide Dismutase: Nitration of Critical Tyrosine-34 (2015)

DEMICHELI, V., MORENO, D., JARA, G.E., LIMA, A., CARBALLAL, S., RÍOS, N., BATTHYÁNY, C., FERRER-SUETA, G., QUIJANO, C., ESTRIN, D., MARTÍ, M.

Publicado

Completo

Evento: Internacional
Descripción: Oxygen Club of California World Congress
Ciudad: Valencia, España
Año del evento: 2015
Palabras clave: Peroxynitrite MnSOD nitration
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
<http://www.rosvalencia.eu/>

Comparative proteomic analysis of Salmonella enterica serovars with different invasiveness in humans, grown under in vivo-mimicking conditions. (2015)

MARTÍNEZ, A., PORTELA, M.M., LIMA, A., IRIARTE, A., PÉREZ, V., BENTANCOR, L., CHABALGOITY, J. A., YIM, L.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: The 6th Congress of European Microbiologists (FEMS 2015)

Ciudad: Maastricht, Netherlands

Año del evento: 2015

Palabras clave: Salmonella enterica comparative proteomics invasiveness 2D electrophoresis

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Interactómica de una quinasa de Mycobacterium tuberculosis (2015)

GIL, M., URDÁNIZ, E., LIMA, A., ROSSELLO, J., RIVERA, B., DENICOLA, A., PIURI, M., DURÁN, R.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2015

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis PknG interactómica FhaA

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Análisis proteómico comparativo de dos cepas de Pseudomonas aeruginosa con diferente capacidad de adhesión a superficies celulares (2015)

ROSSELLO, J., LIMA, A., RODRÍGUEZ, J., GIL, M., KIERBEL, A., R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2015

Palabras clave: Pseudomonas aeruginosa DIGE c-diGMP adhesión

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Análisis proteómico comparativo de dos cepas de Pseudomonas aeruginosa con diferente capacidad de adhesión a superficies celulares mediante 2D DIGE/MALDI TOF TOF (2014)

ROSSELLO, J., LIMA, A., KIERBEL, A., R. DURÁN

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: 3er Congreso Uruguayo de Química Analítica

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Palabras clave: Pseudomonas aeruginosa c-di-GMP DIGE formación de biofilms

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
<http://www.cuqa.com.uy/cuqa.libro.resumenes.pdf>

Desarrollo de una estrategia analítica para la identificación de interactores de quinasas de M. tuberculosis: PknG como modelo (2014)

GIL, M. , LIMA, A. , DENICOLA, A. , BATTHYÁNY, C. , P. ALZARI , R. DURÁN

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: 3er Congreso Uruguayo de Química Analítica

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Publicación arbitrada

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis interactoma PknG

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.cuqa.com.uy/cuqa.libro.resumenes.pdf>

Efecto de PknG de Mycobacterium tuberculosis sobre el proteoma de fagosomas murinos (2014)

LIMA, A. , GIL, M. , PORTELA, M.M. , ÁLVAREZ, M. N. , BATTHYÁNY, C. , R. DURÁN

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: 3er Congreso Uruguayo de Química Analítica

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis PknG inhibición de la maduración fagolisosomal

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.cuqa.com.uy/cuqa.libro.resumenes.pdf>

Análisis proteómico de células proliferantes en la leucemia linfoide crónica (LLC). (2014)

ABREU, C. , PALACIOS, F. , LIMA, A. , LANDONI, A. I. , GABUS, R. , DIHIERO, G. , OPPEZZO, P.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XIII Congreso Uruguayo de Hematología

Ciudad: Punta del Este

Año del evento: 2014

Palabras clave: Leucemia Linfoide Crónica Células Proliferantes Proteómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Papel

Identificación de nuevo interactores de PknG Mycobacterium tuberculosis. (2013)

GIL, M. , LIMA, A. , DENICOLA, A. , BATTHYÁNY, C. , R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis interactoma Ser/Thr quinasa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>

Trabajo presentado en formato poster.

Caracterización del efecto de PknG de Mycobacterium tuberculosis sobre la maduración de fagosomas

murinos (2013)

LIMA, A., GIL, M., PORTELA, M.M., ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN
Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Celular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr-quinasa maduración de fagosomas
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Papel
<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>
Trabajo presentado en formato poster.

Caracterización proteómica de una línea de cáncer de mama metastásico HER2- y su homólogo no maligna. (2013)

RIVERA, B., SPERA G., LIMA, A., PORTELA, M.M., GIL, M., R. DURÁN, BATTHYÁNY, C.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Palabras clave: Caracterización proteómica cáncer de mama
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Papel
<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>

Estudio de la adhesión y agregación de Pseudomonas aeruginosa en células epiteliales mediante aproximaciones proteómicas (2013)

ROSSELLO, J., LIMA, A., PORTELA, M.M., KIERBEL, A., R. DURÁN
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Celular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Palabras clave: proteínas de membrana externa Pseudomonas aeruginosa c-di-GMP adhesión a células epiteliales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Medio de divulgación: Papel
<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>
Trabajo presentado en formato póster.

De la identificación al análisis exhaustivo de proteínas: La técnica recomendada, ¿es realmente recomendable? (2013)

PORTELA, M.M., GIL, M., LIMA, A., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Palabras clave: identificación de proteínas Mapeo peptídico MALDI-TOF modificaciones postraduccionales cobertura de secuencia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica
Medio de divulgación: Papel
<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>

Trabajo presentado en formato póster.

Caracterización molecular de la inhibición de la maduración del fagosoma por una quinasa de Mycobacterium tuberculosis (2012)

LIMA, A., GIL, M., PORTELA, M., R. DURÁN, ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: III Jornadas Científicas Programa para la Investigación Biomédica (Pro.In.Bio.)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2012

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr quinasa PknG inhibición maduración de fagosomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

Proteómica diferencial de líneas celulares de cáncer de mama metastásico HER2 - sensibles y resistentes a docetaxel (2012)

SPERA, G., RIVERA, B., LIMA, A., DELGADO, L., TOURIÑO, C., BATTHYÁNY, C.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: III Jornadas Científicas Programa para la Investigación Biomédica (Pro.In.Bio.)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2012

Palabras clave: Cáncer de mama metastásico Docetaxel Proteómica diferencial

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Investigación en

Ciencias Médicas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Papel

Efecto de la Ser/Thr-quinasa PknG de Mycobacterium tuberculosis en la inhibición de la maduración fagosomal en macrófagos murinos (2012)

LIMA, A., GIL, M., PORTELA, M.M., R. DURÁN, ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr quinasa PknG inhibición maduración de fagosomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

<http://www.biociencias.org.uy/>

Trabajo presentado en forma oral.

Hacia la caracterización estructural y funcional del antígeno B del parásito Echinococcus granulosus (2012)

FOLLE, M., LIMA, A., SILVA, V., RAMOS, A. L., CÓRSICO, B., BATTHYÁNY, C., FERREIRA, A.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Palabras clave: Echinococcus granulosus Antígeno B

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Papel
<http://www.biociencias.org.uy/>

Identificación de proteínas del macrófago que interaccionan con la Ser/Thr-quinasa PknG de Mycobacterium tuberculosis mediante estrategias proteómicas (2012)

LIMA, A., GIL, M., PORTELA, M.M., ÁLVAREZ, M. N., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: 5to. Congreso Iberoamericano de Química Analítica / 2do. Congreso Uruguayo de Química Analítica

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2012

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr quinasa PknG interactoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Papel

<http://www.cuqa.fq.edu.uy/>

Effects of Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr kinase PknG on the macrophage: proteomic profiling of host-pathogen interactions (2012)

LIMA, A., GIL, M., PORTELA, M., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN, ÁLVAREZ, M. N.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: Tuberculosis 2012 - Biology, Pathogenesis, Intervention Strategies

Ciudad: Paris, Francia

Año del evento: 2012

Publicación arbitrada

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr quinasa PknG inhibición maduración de fagosomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

<http://www.pasteur.fr/infosci/conf/sb/tuberculosis2012/>

Characterization and identification of interacting partners of the Ser/Thr-kinase PrkA of Listeria monocytogenes, through proteomic approaches (2011)

LIMA, A., R. DURÁN, G. SCHUJMAN, MARCHISSIO, M.J., PORTELA, M.M., OBAL, G., PRITSCH, O., D. DE MENDOZA, C. CERVENANSKY

Publicado

Resumen expandido

Evento: Internacional

Descripción: Scientific International Meeting of the Young Reserchears of the International Network of Instituts Pasteur

Ciudad: Paris

Año del evento: 2011

Palabras clave: Listeria monocytogenes interacting partners phosphorylation sites identification

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Ser/Thr-kinase PrkA of Listeria monocytogenes: biochemical characterization and identification of interacting partners through proteomic approaches (2011)

LIMA, A., R. DURÁN, G. SCHUJMAN, M. MARCHISSIO, PORTELA, M.M., OBAL, G., PRITSCH, O., D. DE MENDOZA, C. CERVENANSKY

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: XL Reuniao Anual da Sociedade Brasileira de Bioquimica e Biologia Molecular

Ciudad: Foz de Iguacu

Año del evento: 2011

Publicación arbitrada

Palabras clave: Listeria monocytogenes Ser/Thr-kinase interacting partners

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Internet

http://sbbq.iq.usp.br/v2/index.php?option=com_content&task=view&id=667&Itemid=131

Identificación preliminar de proteínas presentes en la partícula viral del virus de la leucosis bovina (2010)

TOMÉ, L., OBAL, G., MORATORIO, G., GREIF, G., CARRIÓN, F., RAMA, G., LIMA, A., PORTELA, M., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN, ARBIZA, J., PRISTCH, O.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2010

Publicación arbitrada

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Otros

http://sub2010.programacientifico.info/programa/buscar.php?id_tl=290

Estudio estructural de la MAP Quinasa PK10 de Leishmania major (2010)

HORJALES, S., SCHIMDTARRAS, D., LIMA, A., BATTHYÁNY, C., R. DURÁN, SPAETH, G., BUSCHIAZZO, A.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Urugaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2010

Publicación arbitrada

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Otros

http://sub2010.programacientifico.info/programa/buscar.php?id_tl=290

Identificación de proteínas que interactúan con la Ser/Thr-quinasa Lmo1820 de Listeria monocytogenes. (2010)

LIMA, A., R. DURÁN, CORREA, A., PORTELA, M., C. CERVENANSKY

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2010

Publicación arbitrada

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Otros

http://sub2010.programacientifico.info/programa/buscar.php?id_tl=290

Characterization of a potential substrate-trapping mutant of the tyrosinephosphatase PtpA from Mycobacterium tuberculosis. (2009)

PURIFICACAO, M., RASSERA, G., OBAL, G., FERREIRA, A. M., R. DURÁN, LIMA, A., HERNÁN TERENZI, H., VILLARINO, A.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Sextas jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2009

Publicación arbitrada

Palabras clave: Tyrosine phosphatase Mycobacterium tuberculosis substrate-trapping

Áreas de conocimiento:

Análisis de perfiles de proteínas de membrana externa de *Proteus mirabilis* expresadas in vivo y en condiciones de cultivo mediante estrategias proteómicas (2009)

D ALESSANDRO, B. , LERY, L. , LIMA, A. , C. PICCINI , P. ZUNINO

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: VIII Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2009

Publicación arbitrada

Palabras clave: *Proteus mirabilis* proteínas de membrana externa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

Fosforilación del dominio catalítico de una quinasa de proteínas en Ser/Thr de *Listeria monocytogenes* (2007)

LIMA, A. , R. DURÁN , G. SCHUJMAN , M. MARCHISSIO , P. ALZARI , D. DE MENDOZA , C. CERVEÑANSKY

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 12 Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Minas

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de Fisiología

Volumen: 11

Página inicial: 56

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Papel

Expression and autophosphorylation pattern of a Ser/Thr protein kinase from *Listeria monocytogenes* (2007)

LIMA, A. , G. SCHUJMAN , R. DURÁN , M. MARCHISSIO , P. ALZARI , D. DE MENDOZA , C. CERVEÑANSKY

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: 1st Annual Iberoamerican Proteomics Congress, Latin American Human Proteome Organisation

Ciudad: Universidad Austral, Pilar

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Libro de resúmenes

Página inicial: 40

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Medio de divulgación: Papel

Detection and identification of *Proteus mirabilis* outer membrane proteins expressed in vivo in rat intraperitoneal diffusion chambers (2005)

B. DALESSANDRO , LIMA, A. , C. PICCINI , P. ZUNINO

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: X Panamerican Association for Biochemistry and Molecular Biology; XLI Annual Meeting, Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología Molecular; XX Annual Meeting, Sociedad Argentina de Neuroquímica

Ciudad: Pinamar

Año del evento: 2005
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología
Medio de divulgación: Papel

Relevamiento de platos prontos para el consumo en Montevideo (2004)

N. SOSA, A. MARTINEZ, R. GROSSO, L. ROTH, LIMA, A., V. ARIAS, L. BELTRÁN, L. ZUNINO
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XIII Seminario Latinoamericano y del Caribe. Ciencia y Tecnología de alimentos
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2004
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

Evaluación del papel de la proteína de membrana externa de 64 kDa de P. mirabilis uropatógeno en la virulencia bacteriana (2004)

LIMA, A., C. PICCINI, P. ZUNINO
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XVII Congreso Latinoamericano de Microbiología, X Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2004
Anales/Proceedings: Libro de Resúmenes. XVII Congreso Latinoamericano de Microbiología, X Congreso Argentino de Microbiología
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología
Medio de divulgación: Papel
Trabajo presentado como presentación oral

Caracterización de una proteína de Proteus mirabilis involucrada en la captación de hierro de hemoproteínas (2003)

LIMA, A., C. PICCINI, P. ZUNINO
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: VI Encuentro Nacional de Microbiología
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2003
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología
Medio de divulgación: Papel
Trabajo presentado como presentación oral

Generación de mutantes de P. mirabilis por inserción del transposón TnphoA en una proteína de membrana externa regulada por hierro (2001)

LIMA, A., P. ZUNINO, C. PICCINI
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: IX Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2001
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología
Medio de divulgación: Papel

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Comisión Sectorial de Investigación Científica (CSIC). Programa iniciación a la investigación (2023)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

Estudiante: Martín Rivara Tutor: Pablo Smircich

Comisión Sectorial de Investigación Científica (CSIC). Programa iniciación a la investigación (2023)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

Identificación de posibles interactores proteicos asociados a la proteína TETRATRICOPEPTIDE

THIOREDOXIN-LIKE1 (TTL1) de Arabidopsis thaliana Estudiante: Selene Piriz Referente

Académico: Mariana Sotelo

PEDECIBA - Fondo Vaz Ferreira (FVF) (2023)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

Nº de Proyecto: FVF_2023_429 Título del proyecto: Influencia del entorno en la expresión génica

de STEC ambientales y clínicas. Responsable: Ana Umpiérrez Martínez Área: Biología

Proyecto FCE Modalidad I, área: Ciencias Naturales y Exactas. (2021)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

PLoS Neglected Tropical Diseases (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Proteomics coupled with in vitro model to study the early crosstalk occurring between newly excysted juveniles of Fasciola hepatica and host intestinal cells

PLoS Neglected Tropical Disease (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Proteomic profiling of serum extracellular vesicles identifies diagnostic markers for Echinococcosis

Journal of Proteomics (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Proteomic profiling of serum extracellular vesicles identifies diagnostic markers for echinococcosis

Journal of Proteomics (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Proteomics coupled with in vitro model to study the early crosstalk occurring between newly excysted juveniles of Fasciola hepatica and host intestinal cells

Microbial Biotechnology (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Improving the Profile and Reliability of Cytoplasmic Proteins from M.tuberculosis using Bimimetic Affinity Chromatography Coupled with LC-MS/MS Analysis

Scientific Report (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Molecular Mechanism of Ethanol Fermentation Inhibition via Protein Tyrosine Nitration of Pyruvate Decarboxylase by Reactive Nitrogen Species in Yeast.

Journal of Proteomics (2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Phosphoproteomics reveals alternative roles of PknG in mycobacterial pathogenesis

Expert Review of Proteomics (2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

The Use of Pioneer OMICs Technologies in the Study of SARS-CoV-2 (COVID-19): The Proteomics Approach

Expert Review of Proteomics (2020)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

The proteomics contribution to the counter-bioterrorism toolbox in the post-Covid-19 era

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

OTRAS

Modulación del proteoma del fagosoma por una quinasa de Mycobacterium tuberculosis

Iniciación a la investigación

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut

Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Josefina Peña

País: Uruguay

Palabras Clave: Mycobacterium tuberculosis PknG maduración fagosomal

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Otros datos relevantes

PRESENTACIONES EN EVENTOS

8th Symposium of the Mexican Proteomics Society; 3rd PanAmerican-Human Proteome Organization (Pan-HUPO) Meeting; 2nd Ibero-American Symposium on Mass Spectrometry (2019)

Congreso

Congreso Internacional

México

Tipo de participación: Conferencista invitado

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: Mexican Proteomics Society, PanAmerican-Human Proteome Organization (Pan-HUPO) Palabras Clave: Espectrometría de masa Proteómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Espectrometría de masa

8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2013)

Congreso

Caracterización del efecto de PknG de Mycobacterium tuberculosis sobre la maduración de fagosomas murinos

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular Palabras Clave:

Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr-quinasa maduración de fagosomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

III Jornadas Científicas del Programa para la Investigación Biomédica (Pro.In.Bio) (2012)

Congreso

Caracterización molecular de la inhibición de la maduración del fagosoma por una quinasa de Mycobacterium tuberculosis

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Pro.In.Bio. Palabras Clave: Mycobacterium tuberculosis

Ser/Thr quinasa PknG inhibición maduración de fagosomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

XIV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2012)

Congreso

Efecto de la Ser/Thr-quinasa PknG de Mycobacterium tuberculosis en la inhibición de la maduración fagosomal en macrófagos murinos

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave:

Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr quinasa PknG inhibición maduración de fagosomas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

5to. Congreso Iberoamericano de Química Analítica - 2do. Congreso Uruguayo de Química Analítica (2012)

Congreso

Identificación de proteínas del macrófago que interactúan con la Ser/Thr-quinasa PknG de Mycobacterium tuberculosis mediante estrategias proteómicas

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral Palabras Clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr quinasa

PknG interactoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

XL Reuniao Anual da Sociedade Brasileira de Bioquímica e Biologia Molecular (2011)

Congreso

Ser/Thr-kinase PrkA of Listeria monocytogenes: biochemical characterization and identification of interacting partners through proteomic approaches

Brasil

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: Listeria monocytogenes interacting partners Ser/Thr kinase

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Scientific International Meeting of the Young Reserchers of the International Network of Instituts Pasteur (2011)

Congreso

Characterization and identification of interacting partners of the Ser/Thr-kinase PrkA of Listeria monocytogenes through proteomic approaches

Francia

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: Listeria monocytogenes interacting partners phosphorylation sites identification

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)

Congreso

Identificación de proteínas que interaccionan con la Ser/Thr-quinasa Lmo1820 de *Listeria monocytogenes*

Uruguay

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: *Listeria monocytogenes* interactoma Ser/Thr quinasa

XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2007)

Congreso

Fosforilación del dominio catalítico de una quinasa de proteínas en Ser/Thr de *Listeria monocytogenes*

Uruguay

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: *Listeria monocytogenes* Ser/Thr quinasa identificación de sitios de fosforilación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

1st. Annual Iberoamerican Proteomic Congress, Latin American Human Proteome Organisation (2007)

Congreso

Expression and autophosphorylation pattern of a Ser/Thr protein kinase from *Listeria monocytogenes*

Argentina

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: *Listeria monocytogenes* Ser/Thr kinase phosphorylation sites identification

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Participo en la Comisión de Equipos Comunes del Instituto, que se encarga del mantenimiento, gestión, compra de equipos de uso común en el Instituto

Información adicional

Acreditada por la Comisión Honoraria de Experimentación Animal (CHEA), Comisión Sectorial de Investigación Científica (CSIC), Universidad de la República para realizar actividades de experimentación animal en la categoría de Técnico Experimentador. Octubre de 2003. (09/07/2008)

Becas concursables obtenidas para la realización de cursos y pasantías

Beca RIIP (Réseau International des Instituts Pasteur), Programme Calmette, para la realización de una estadía de adiestramiento en la Unité de Virulence Parasitaire et Signalisation, Institut Pasteur de Paris, desde setiembre 2011 a diciembre 2011

Beca UNU-BIOLAC (United Nations University – Biotechnology por Latin America and Caribbean) para realizar una estadía de investigación y adiestramiento en el Instituto de Biología Molecular y Celular de Rosario. 2006.

Beca CABBIO (Centro Argentino Brasileiro de Biotecnología) para asistir al curso "Bases para el estudio de la genómica funcional a través de la espectrometría de masa". Universidad de Buenos Aires y Universidad Nacional de la Plata. 2006.

Beca BrMass (Sociedad Brasileira de Espectrometría de Massas) para asistir al curso "2nd International Mass Spectrometry School", Natal, Rio Grande do Norte, Brazil. 2016.

(02/11/2011)

(02/11/2011)

(16/11/2011)

Indicadores de producción

Artículos publicados en revistas científicas	22
Completo	22
Trabajos en eventos	46
EVALUACIONES	13
Evaluación de proyectos	4
Evaluación de publicaciones	9
FORMACIÓN RRHH	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	1
Iniciación a la investigación	1