



Curriculum Vitae

Héctor Gabriel ROMERO BRUNETTO

Actualizado: 27/12/2016



Publicado: 20/02/2017

Sistema Nacional de Investigadores

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas

Categorización actual: Nivel I

Ingreso al SNI: Candidato (01/03/2009)



Evaluador perteneciente a comité,
participó en: 2013, 2014

Datos generales

Información de contacto

E-mail: elelor@fcien.edu.uy

Teléfono: 5258618+7138

Dirección: Igua 4225

Institución principal

Facultad de Ciencias - UDeLaR / Universidad de la República / Uruguay

Dirección institucional

Dirección: Facultad de Ciencias - UDeLaR / Igua 4225 / 11400 / Montevideo / Montevideo / Uruguay

Teléfono: (+02) 5258618

Fax: 5258617

E-mail/Web: elelor@fcien.edu.uy

Formación

Formación concluida

Formación académica/Titulación

Posgrado

2005 - 2010

Doctorado

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República, Uruguay

Título: Análisis Evolutivo de Aspectos Singulares de la Relación Genotipo Fenotipo

Tutor/es: Héctor Musto

Obtención del título: 2010

Becario de: Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas, Uruguay

Palabras clave: Genómica, Evolución, Selenocisteína, Pirrolisina

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Grado

1992 - 2005

Grado

Licenciatura en Bioquímica

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República, Uruguay

Obtención del título: 2005

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Formación complementaria

Cursos corta duración

2004	Workshop on Molecular Evolution Marine Biological Laboratory, Woods Hole, MA , Estados Unidos
2007 - 2007	EMBO-Course: Computational biology: 'From genomes to cells & ecosystems' Universidad Nacional Autónoma de México , México
2006 - 2006	Mathematics in Molecular Cell Biology - EMS Summer School Johann Radon Institute for Computational and Applied Mathematics , Austria
2004 - 2004	CIMPA- UNESCO Summer School Mathematical and Computational Methods in Biology Univ de Chile , Chile

Otras instancias

2009	Encuentros <i>Nombre del evento:</i> Ecological and Evolutionary Genomics <i>Institución organizadora:</i> Gordon Research Conferences , Estados Unidos <i>Palabras clave:</i> Ecological Genomics, Evolutionary Genomics <i>Áreas del conocimiento:</i> Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología / genómica Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica
2004	Encuentros <i>Nombre del evento:</i> Gordon Research Conference in Theoretical Biology and Biomathematics <i>Institución organizadora:</i> Gordon Research Conferences , Estados Unidos

Construcción institucional

Idiomas

Español	Entiende (Muy Bien) / Habla (Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Bien)
Francés	Entiende (Regular) / Habla (Regular) / Lee (Regular)
Inglés	Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)
Italiano	Entiende (Regular) / Lee (Bien)
Portugués	Entiende (Bien) / Habla (Regular) / Lee (Bien)

Áreas de actuación

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Actuación Profesional

Cargos desempeñados actualmente

Desde:	03/2006 Asistente de la Sección Biomatemática , (Docente Grado 2 Titular, 30 horas semanales / Dedicación total) , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Desde:	02/2011 Prof.Adj. OEG Dpto. Ecología y Evolucion , (Docente Grado 3 Titular, 25 horas semanales / Dedicación total) , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Desde:	02/2011 Prof.Adj. Dpto. Ecología y Evolucion , (Docente Grado 3 Titular, 15 horas semanales / Dedicación total) , Centro Universitario Regional Este - UDeLaR , Uruguay

Desde: 05/2011
Investigador Segundo Nivel , (10 horas semanales / Dedicación total) , Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay

Desde: 04/2015
Pesquisador visitante especial , (2 horas semanales) , Universidad Federal de Rio Grande do Norte , Brasil

Universidad de la República , Facultad de Medicina - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

07/1997 - 03/1998, *Vínculo:* Ayudante del Dpto de Genetica, Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

03/1998 - 03/2002, *Vínculo:* Ayudante del Dpto de Genetica, Docente Grado 1 Titular, (20 horas semanales)

Actividades

07/1997 - 03/2002

Líneas de Investigación , Departamento de Genética , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma Genomica , Integrante del Equipo

07/1997 - 03/2002

Docencia , Grado

Genetica para el Basico , Doctor en Ciencias Médicas

07/1997 - 03/2002

Docencia , Grado

Genetica para UTI Biologia Celular , Doctor en Ciencias Médicas

07/1997 - 03/2002

Docencia , Grado

Genetica para UTI Bioloia Tisular , Doctor en Ciencias Médicas

07/1997 - 03/2002

Docencia , Grado

Genetica para UTI Reprodutor y Desarrollo , Doctor en Ciencias Médicas

Universidad de la República , Escuela Universitaria de Tecnología Médica - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

09/1997 - 03/2006, *Vínculo:* Asistente de Metodología Científica, Docente Grado 2 Interino, (20 horas semanales)

Actividades

07/1997 - 02/2005

Docencia , Grado

Metodología Científica

09/2000 - 12/2004

Gestión Académica

Miembro de la comisión de investigación

09/2000 - 05/2004

Gestión Académica

Claustrista

Universidad de la República , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

03/2006 - Actual, *Vínculo:* Asistente de la Sección Biomatemática, Docente Grado 2 Titular, (30 horas semanales / Dedicación total)

07/2002 - 10/2003, *Vínculo:* UVI-Genética Comisión Sectorial de Enseñanza , Docente Grado 2 Interino, (15 horas semanales)

06/2002 - 10/2003, *Vínculo:* Asistente Lab. Org y Evol Genoma, Proyecto, Docente Grado 2 Interino, (20 horas semanales)

02/2004 - 02/2011, *Vínculo:* Asistente Lab. Org y Evol Genoma, Docente Grado 2 Interino, (30 horas semanales)

Actividades

06/2007 - Actual

Líneas de Investigación , Sección Biomatemática , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma
Genómica ambiental , Integrante del Equipo

03/2006 - Actual

Líneas de Investigación , Sección Biomatemática , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma
Evolución y Organización del Genoma en Organismos Procariotas y Eucariotas , Integrante del Equipo

03/2006 - Actual

Líneas de Investigación , Sección Biomatemática , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma
Evolución del Código Genético , Integrante del Equipo

03/2006 - Actual

Líneas de Investigación , Sección Biomatemática , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma
Evolución y diversidad viral , Integrante del Equipo

03/2008 - Actual

Docencia , Grado

Herramientas para el Análisis de Secuencias , Licenciatura en Ciencias Biológicas

03/2004 - Actual

Docencia , Grado

Genética Molecular II , Licenciatura en Ciencias Biológicas

03/2004 - Actual

Docencia , Grado

Genética Molecular II , Licenciatura en Ciencias Biológicas

03/2004 - Actual

Docencia , Grado

Genética Molecular II , Licenciatura en Ciencias Biológicas

03/2008 - 06/2008

Docencia , Grado

Introducción a la Biología , Licenciatura en Ciencias Biológicas

03/2007 - 06/2007

Docencia , Grado

Introducción a la Biología , Licenciatura en Ciencias Biológicas

03/2006 - 06/2006

Docencia , Grado

Introducción a la Biología , Licenciatura en Ciencias Biológicas

09/2007 - 12/2007

Docencia , Maestría

Introducción a la Genómica , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

09/2005 - 11/2005

Docencia , Maestría

Herramientas de Bioinformática , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

08/2003 - 11/2003

Docencia , Maestría

Herramientas de Bioinformática , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

11/2005 - 11/2007

Gestión Académica

Comisión Coordinadora Docente de la Lic. en Ciencias Biológicas

Sistema Nacional de Investigadores

Sistema Nacional de Investigadores

03/2012 - 03/2014

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias / CURE , Lab Org y Evolucion del Genoma / Cpto Ecología y Evolución

Uso de estrategias genómicas para el estudios de dinamica evolutiva del gen de la flavodoxina en organismos fotosintéticos ,
Coordinador o Responsable

03/2009 - 03/2011

Proyectos de Investigación y Desarrollo

Evaluación de 'adquisición de susceptibles' como un nuevo mecanismo determinando los procesos de difusión en redes complejas ,
Coordinador o Responsable

03/2006 - 03/2008

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Sección Biomatemática , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma

Búsqueda de nuevos aminoácidos a través del análisis evolutivo de la maquinaria traduccional , Coordinador o Responsable

Administración Nacional de Educación Pública , Administración Nacional de Educación Pública , Uruguay

[Vínculos con la institución](#)

05/1995 - 03/1998, *Vínculo:* Docente de la especialidad física, (15 horas semanales)

Stazione Zoológica de Napoli , Italia

[Vínculos con la institución](#)

06/2000 - 10/2008, *Vínculo:* , (1 horas semanales)

[Actividades](#)

02/2001 - 02/2001

Pasantías , Laboratorio de Evoluzione Molecolare

Pasantia

06/2000 - 07/2000

Pasantías , Laboratorio de Evoluzione Molecolare

Pasantia

Universidad Nacional Autónoma de México , Universidad Nacional Autónoma de México , México

[Vínculos con la institución](#)

09/2007 - 12/2010, *Vínculo:* , (1 horas semanales)

[Actividades](#)

09/2007 - 09/2007

Pasantías , Instituto de Biotecnología de la UNAM , Laboratorio del Dr. Enrique Merino

Pasantia

Institut Pasteur de Paris , Francia

[Vínculos con la institución](#)

09/2006 - 10/2006, *Vínculo:* , (1 horas semanales)

[Actividades](#)

09/2006 - 10/2006

Pasantías , Unidad de Bioquímica Estructural

Pasantia

Fundação Oswaldo Cruz , Fundação Oswaldo Cruz , Brasil

[Vínculos con la institución](#)

11/2006 - 12/2006, *Vínculo:* ,)

04/2013 - 04/2013, *Vínculo:* , (40 horas semanales)

10/2013 - 10/2013, *Vínculo:* , (40 horas semanales)

[Actividades](#)

10/2013 - 10/2013

Docencia , Maestría

Next Generation Sequencing and aplicaciones for Genomics and Virology , Organizador/Coordinador , Biología Computacional y de Sistemas

04/2013 - 04/2013

Docencia , Maestría

Evolucion Viral

11/2006 - 12/2006

Pasantías , Departamento de Bioquímica y Biología Molecular , Laboratório de Genômica Funcional e Bioinformática

Pasantía

Universidad de la República , Centro Universitario Regional Este - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

02/2011 - Actual, *Vínculo:* Prof.Adj. Dpto. Ecología y Evolucion, Docente Grado 3 Titular, (15 horas semanales / Dedicación total)

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay

Vínculos con la institución

05/2011 - Actual, *Vínculo:* Investigador Segundo Nivel, (10 horas semanales / Dedicación total)

Universidad Federal de Rio Grande do Norte , Brasil

Vínculos con la institución

04/2015 - Actual, *Vínculo:* Pesquisador visitante especial, (2 horas semanales)

Actividades

4/2015 - Actual

Líneas de Investigación , Centro de Biociencias

Metagenómica en reservorios de aguas en el nordeste brasilero , Integrante del Equipo

4/2015 - Actual

Líneas de Investigación , Centro de Biociencias

eco-epidemiología viral , Integrante del Equipo

4/2015 - Actual

Docencia , Maestría

Curso avanzado de bioinformática , Responsable , Pós-graduação em Biologia Parasitária, Centro de Biociencias, UFRN

4/2015 - Actual

Docencia , Maestría

Curso Básico de Bioinformática , Responsable , Pós-graduação em Biologia Parasitária, Centro de Biociencias, UFRN

4/2015 - Actual

Docencia , Maestría

Taller de bioinformática , Responsable , Pós-graduação em Biologia Parasitária, Centro de Biociencias, UFRN

Lineas de investigación

Título: eco-epidemiología viral

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: El nordeste brasilero se ha convertido en una puerta de entrada y reservorio de varios virus cuyo vector es el mosquito *Aedes aegypti* (Dengue, Chikungunya y Zika). En este sentido se está trabajando en determinar la dinámica epidemiológica a partir de estudios de filogeografía y filodinámica viral de estos virus en el estado de Rio Grande do Norte. Estos estudios buscan identificar las variantes circulantes, establecer rutas de entrada y salida, flujo epidemiológico etc.

Palabras clave: Virología

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Título: Evolución del Código Genético

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Gustavo Salinas(Integrante)

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Título: Evolución y diversidad viral

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Juan Cristina(Integrante); Gonzalo Bello(Integrante)

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolucion viral

Título: Evolución y Organización del Genoma en Organismos Procariotas y Eucariotas

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Hugo Naya(Integrante); Hector Musto(Integrante); Martin Graña(Integrante); Andres Iriarte(Integrante)

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Título: Genómica

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: Analisis de secuencias de ADN y proteínas, Organización genómica, uso de codones, etc.

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Título: Genómica ambiental

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica ambiental

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología / Genómica ambiental

Título: Metagenómica en reservorios de aguas en el nordeste brasilero

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: La disponibilidad de aguas en la zona del Sertao es un problema serio desde múltiples puntos de vista. En particular, varios de los reservorios de agua son utilizados con fines de uso doméstico, riego, limpieza, abrevaderos animales, etc. Llega el caso extremo en que muchas veces estos reservorios reciben también las aguas residuales de algunos poblados. En este contexto se está realizando un arbolaje metagenómico para caracterizar a diferentes niveles (16S y metagenómica total) a estos reservorios. Se estan estudiando 6 reservorios en diferentes puntos del estado con énfasis en la búsqueda de genes de resistencia antibióticos, presencia de patógenos humanos y otros genes asociados a patogenicidad.

Palabras clave: metagenomica

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología

Proyectos

2006 - 2008

Título: Búsqueda de nuevos aminoácidos a través del análisis evolutivo de la maquinaria traduccional, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable,

Tipo: Investigación

Alumnos: 1(Pregrado),

Equipo: Hugo Naya(Integrante); Hector Musto(Integrante); Martin Graña(Integrante); Gustavo Salinas(Integrante)

Financiadores: DINACYT/DICYT/CONICYT / Apoyo financiero

2009 - 2011

Título: Evaluación de 'adquisición de susceptibles' como un nuevo mecanismo determinando los procesos de difusión en redes complejas, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable,

Tipo: Investigación

Alumnos: 1(Pregrado), 2(Maestría/Magister),

Equipo: Matias Arim(Integrante); Juan Carlos ValleLisboa(Responsable)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

2012 - 2014

Título: Uso de estrategias genómicas para el estudio de la dinámica evolutiva del gen de la flavodoxina en organismos fotosintéticos, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable,

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Equipo: Martín Graña (Integrante); Héctor Romero (Responsable)

Financiadores: DINACYT/DICYT/CONICYT / Apoyo financiero

Producción científica/tecnológica

A lo largo de casi 20 años de trabajo en el área he diversificado e intensificado algunas líneas de trabajo siempre enmarcadas en aspectos de genómica evolutiva, genómica ecológica y evolución molecular, utilizando un fuerte componente de herramientas informáticas y matemáticas para el estudio de preguntas biológicas. Una parte importante se realizó y realiza en el laboratorio de organización y evolución del genoma (Dr. Musto) y otra la he realizado en colaboración con múltiples investigadores. EL estudio en uso de codones sinónimos, tiene más de 40 años de historia y sigue siendo un tema relevante (basta ver las últimas publicaciones). El grupo que integro, ha contribuido entre otras cosas a mostrar las complejidades del UCS en bacterias (e.g. Romero et al. 2000) y por otro lado se encontró evidencia de selección natural darwiniana operando a nivel del UCS en vertebrados (Musto et al. 2001 y Romero et al. 2003). Esta línea se mantiene activa en el laboratorio y hay manuscritos sometidos. Otra línea histórica del laboratorio es el estudio del contenido en Guanina-Citosina (GC) de los genomas procariotas, con una gran variabilidad reportada desde los 50s. Esta variabilidad fue un bastión de la teoría neutral de evolución molecular porque ningún factor ecológico o fisiológico había logrado asociarse con el contenido-GC. Nuestro grupo encontró algunos de estos factores. Uno de ellos fue la respiración aerobia o anaerobia estricta de los organismos (Naya et al. 2002, Romero et al. 2009) y el otro la temperatura (Musto et al. 2005). Estos resultados se suman a los de otros investigadores para dar fundamento a la idea de que la selección darwiniana estaría detrás de esta variabilidad y no sería exclusivamente neutral. En colaboración con el Dr. Salinas hemos trabajado en evolución de la maquinaria de incorporación de selenocisteína. Nuestros resultados confirmaron que ella existía previamente a la separación de los tres dominios de la vida (Archaea, Bacteria y Eukarya) y que la pérdida de genes junto con la transferencia horizontal son los mecanismos genético-evolutivos subyacentes (Romero et al. 2005). La existencia de transferencia horizontal mostró que el código genético puede ser expandido naturalmente para utilizar un nuevo aminoácido en un organismo determinado. Otra línea en la que he trabajado consistentemente es la de evolución y eco-epidemiología viral. He colaborado con grupos locales y grupos brasileños, mi aporte se ha centrado en las herramientas conceptuales de evolución y ecología junto con herramientas metodológicas de bioinformática que permiten el abordaje de diversas preguntas virológicas de relevancia en Dengue y HIV. Una última línea que venimos trabajando en el último tiempo es la de genómica ambiental. En este sentido hemos trabajado en diferentes contextos y obtenido múltiples resultados.

Producción bibliográfica

Artículos publicados

Arbitrados

Completo

ANTELLIO V; ROMERO H; SILVIA BATISTA

Detection of integron integrase genes on King George Island, Antarctica. Polar Science, 2016

Palabras clave: antártida

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Medio de divulgación: Otros ; ISSN: 18739652



Completo

CABELLO M; ROMERO H; GONZALO BELLO

Multiple introductions and onward transmission of non-pandemic HIV-1 subtype B strains in North America and Europe.. Scientific Reports, 2016

Palabras clave: HIV

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 20452322



SCOPUS

Completo

ROMERO H; MARIANA BARRACO-VEGA,; MARIANA RICHERO; MARÍA PÍA CERDEIRAS; GIANNA CECCHETTO

Functional characterization of two novel purine transporters from the Basidiomycota *Phanerochaete chrysosporium*. Gene, 2016

Palabras clave: purine

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Micología

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 03781119



SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

PIRELLA KARLUSICH, JJ; CECCOLI, ROMINA D.; GRAÑA MARTIN; CARILLO NÉSTOR; ROMERO H

Environmental selection pressures related to iron utilization are involved in the loss of the flavodoxin gene from the plant genome. *Genome Biology and Evolution*, 2015

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 17596653



SCOPUS

Completo

CABELLO M; MIR D; ROMERO H; BELLO G

Phylogenetics of major HIV-1 subtype B pandemic clades circulating in Latin America.. *Aids - An International Monthly Journal*, 2015

Palabras clave: HIV

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología

ISSN: 02699370



SCOPUS

Completo

MIR D; ROMERO H; FAGUNDES DE CARVALHO, LM; GONZALO BELLO

Spatiotemporal Dynamics of DENV-2 Asian-American Genotype Lineages in the Americas. *PLoS Neglected Tropical Diseases*, 2014

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 19352735



SCOPUS

Completo

MARTINEZ A; ROMERO H; PEROTTI N

Two amplicon sequencing strategies revealed different facets of the prokaryotic community associated with the anaerobic treatment of vinasses from ethanol distilleries. *Bioresource Technology*, 2014

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

ISSN: 09608524



SCOPUS

Completo

IRIARTE; BARAIBAR; DIANA; CASTRO SOWINSKI, S; ROMERO H

Trends in amino acid usage across the class Mollicutes. Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, 2013

Palabras clave: uso de codones; Mollicutes

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 07391102 ; DOI: 10.1080/07391102.2012.748636



SCOPUS



Completo

IRIARTE A; BARAIBAR JD; ROMERO H; CASTRO-SOWINSKI S; HECTOR MUSTO

Evolution of optimal codon choices in the family Enterobacteriaceae. Microbiology, 2013

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y

Bioinformática

ISSN: 00262617



SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

NUÑEZ P; ROMERO H; FARBER M; ROCHA EPC

Natural Selection for operons depends on genome size. Genome Biology and Evolution, 2013

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

ISSN: 17596653



SCOPUS

Completo

DELATORRE E; COUTO-FERNANDEZ JC; GUIMARÃES ML; VAZ CARDOSO LP; DE ALCANTARA KC; STEFANI MM; ROMERO H; FREIRE CC; IAMARINO A; DE A ZANOTTO PM; MORGADO MG; BELLO G

Tracing the origin and northward dissemination dynamics of HIV-1 subtype C in Brazil. PLoS ONE, 2013

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología

ISSN: 19326203



SCOPUS

Completo

[BELDA-FERRE, PEDRO; DAVID ALCARAZ LUIS; CABRERA-RUBIO RAUL; ROMERO H; SIMÓN-SORO AUREA; PIGNATELLI MIGUEL; MIRA ALEX](#)

[The oral metagenome in health and disease.. The ISME Journal Multidisciplinary Journal of Microbial Ecology, v.: 6 1, p.: 46 - 56, 2012](#)

Palabras clave: [metagenomics](#), [oral microbiome](#)

Areas del conocimiento: [Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología](#)

Medio de divulgación: [Internet](#) ; ISSN: 17517362 ; DOI: 10.1038/ismej.2011.85

<http://www.nature.com/ismej/journal/vaop/ncurrent/full/ismej201185a.html>



SCOPUS



Completo

CELIA QUIJANO; LIU CAO, MARIA M. FERGUSON; ROMERO H; JIE LIU, SARAH GUTKIND, ILSA I. ROVIRA, ROBERT P. MOHNEY, ; EDWARD D. KAROLY AND TOREN FINKEL

Oncogene-induced senescence results in marked metabolic and bioenergetic alterations. Cell Cycle, v.: 11 7, 2012

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 15514001

<http://www.landesbioscience.com/journals/cc/article/19800/>

Completo

CARDENAS-RODRIGUEZ, M.; OSBORN, D.; IRIGÓIN, F.; GRAÑA, M.; ROMERO H; BEALES, P.; BADANO, J.L.

Characterization of CCDC28B reveals its role in ciliogenesis and provides insight to understand its modifier effect on Bardet-Biedl syndrome. Human Genetics, 2012

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y

Bioinformática

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 03406717 ; DOI: 10.1007/s00439-012-1228-5

<http://dx.doi.org/10.1007/s00439-012-1228-5>



SCOPUS



Completo

DE ARAUJO, JM; GONZALO BELLO; ROMERO H; NOGUEIRA RM

Origin and evolution of dengue virus type 3 in Brazil. PLoS Neglected Tropical Diseases, v.: 6 9, 2012

Palabras clave: Dengue virus 3

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 19352727 ; DOI: 10.1371/journal.pntd.0001784

SCOPUS



Completo

ALCARAZ L.D.; BELDA-FERRE P.; CABRERA-RUBIO R.; ROMERO H; SIMON-SORO A.; PIGNATELLI M.; MIRA A.

Identifying a healthy oral microbiome through metagenomics. Clinical Microbiology and Infection, v.: 18, p.: 54 - 57, 2012

Palabras clave: Metagenomics

Áreas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular

Lugar de publicación: United Kingdom ; ISSN: 1198743X ; DOI: 10.1111/j.1469-0691.2012.03857.x

<http://www.scopus.com/inward/record.url?eid=2-s2.0-84861694251&partnerID=40&md5=e9b0158775fbab4517bc75f207d8ff6f>



SCOPUS



Completo

IRIARTE A.; BARAIBAR J.; ROMERO H; MUSTO H.

Selective codon usage bias in members of the class Mollicutes. Gene, v.: 473, p.: 110 - 118, 2011

Palabras clave: Mycoplasma; Complete Genomes; Optimal codons; tRNA content

Áreas del conocimiento: Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 03781119 ; DOI: 10.1016/j.gene.2010.11.010

http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/506033/description#description



SCOPUS



Completo

GUTIERREZ-PRECIADO, A; ROMERO H; PEIMBERT, M

An Evolutionary Perspective on Amino Acids. Nature Education, v.: 3 9, p.: 29, 2010

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 99999998

<http://www.nature.com/scitable/topicpage/an-evolutionary-perspective-on-amino-acids-14568445>

Completo

ROMERO H; PEREIRA E; NAYA H; MUSTO H

Oxygen and GC profiles in marine environments. *Journal of Molecular Evolution*, v.: 69, p.: 203 - 206, 2009

Palabras clave: aerobiosis; GC content; Metagenomics

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00222844 ; *DOI:* 10.1007/s00239-009-9230-9



SCOPUS



Completo

V. SABBÍA; ROMERO H; MUSTO H; NAYA H

Composition Profile of the Human Genome at the Chromosome Level. *Journal of Biomolecular Structure and Dynamics*, v.: 27 3, p.: 361 - 369, 2009

Palabras clave: isochores; Human Genome; GC content

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* United States ; *ISSN:* 07391102

<http://www.jbsdonline.com/c4294/Composition-Profile-of-the-Human-Genome-at-the-Chromosome-Level-p-361-370-p17722.html>



SCOPUS Sistema Nacional de Investigadores

Completo

SABBÁ-A V; PIOVANI R; NAYA H; RODRÁ-GUEZ-MASEDA H; ROMERO H; MUSTO H

Trends of amino acid usage in the proteins from the human genome. *Journal of Biomolecular Structure and Dynamics*, v.: 25, p.: 55 - 59, 2007

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Estados Unidos ; *ISSN:* 07391102 ; *Idioma/Pais:* Inglés/Estados Unidos

<http://www.jbsdonline.com/index.cfm?d=3028&c=4234&p=15976&do=detail>



SCOPUS

Completo

MORATORIO G; COSTA-MATTIOLI M; PIOVANI R; ROMERO H; MUSTO H; CRISTINA J

Bayesian coalescent inference of hepatitis A virus populations: evolutionary rates and patterns. *Journal of General Virology*, v.: 88, p.: 3039 - 3042, 2007

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00221317 ; *Idioma/Pais:* Inglés/Inglaterra

<http://vir.sgmjournals.org/cgi/reprint/88/11/3039>



SCOPUS

Completo

AULICINO P; GONZALO BELLO; ROCCO C; ROMERO H; MANGANO A; MORGADO MG; SEN L

Description of the first full-length HIV type 1 subtype F1 strain in Argentina: implications for the origin and dispersion of this subtype in South America.. *Aids Research and Human Retroviruses*, v.: 23 10, p.: 1176 - 1182, 2007

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Diversidad Viral

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* USA ; *ISSN:* 08892229



SCOPUS

Completo

NAYA H; GIANOLA D; ROMERO H; URIOSTE JI; MUSTO H

Inferring parameters shaping amino acid usage in prokaryotic genomes via Bayesian MCMC methods.. Molecular Biology and Evolution, v.: 23 1, p.: 203 - 211, 2006

Palabras clave: Bayesian methods; MCMC; amino acid usage; genome evolution; linear models; GC content

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 07374038 ; Idioma/Pais: Inglés/Estados Unidos



Completo

MUSTO H; NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G

Genomic GC level, optimal growth temperature, and genome size in prokaryotes.. Biochemical and Biophysical Research Communications, v.: 347 1, p.: 1 - 3, 2006

Palabras clave: prokaryotes; genome evolution; genome size; GC level; optimal growth temperature

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 0006291X ; Idioma/Pais: Inglés/Estados Unidos



Sistema Nacional de Investigadores

Completo

ZHANG Y; ROMERO H; SALINAS G; GLADYSHEV VN

Dynamic evolution of selenocysteine utilization in bacteria: a balance between selenoprotein loss and evolution of selenocysteine from redox-active cysteine residues. Genome Biology, v.: 7 10, p.: 1 - 17, 2006

Palabras clave: selenocysteine; selenocisteína

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 14747596 ; Idioma/Pais: Inglés/Inglaterra



Completo

MUSTO H; NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G

The correlation between genomic G+C and optimal growth temperature of prokaryotes is robust: a reply to Marashi and Ghalanbor.. Biochemical and Biophysical Research Communications, v.: 330 2, p.: 357 - 360, 2005

Palabras clave: genome evolution; isochores; DNA thermodynamic stability

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 0006291X ; Idioma/Pais: Inglés/Estados Unidos



Completo

ZAVALA A; NAYA H; ROMERO H; SABBÁ-A V; PIOVANI R; MUSTO H

Genomic GC content prediction in prokaryotes from a sample of genes. Gene, v.: 357, p.: 137 - 143, 2005

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; Lugar de publicación: Holanda ; ISSN: 03781119 ; Idioma/Pais: Inglés/Holanda

http://www.sciencedirect.com/science?_ob=MIimg&_imagekey=B6T39-4GY891B-3-H&_cdi=4941&_user=781138&_orig=browse&_coverDate=09%2F12%2F2005&_sk=996429997&_view=c&_wchp=dGLbVIW-zSkzk&_md5=26ab8b5df2ea013300bdeb62eae668d1&_ie=/sdarticle.pdf



Completo

ROMERO H; ZHANG Y; GLADYSHEV VN; SALINAS G

Evolution of selenium utilization traits. *Genome Biology*, v.: 6 8, p.: 1 - 12, 2005

Palabras clave: selenocysteine; selenouridine; selenocisteína; selenouridina; evolución; código genético

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet ; Lugar de publicación: Inglaterra ; ISSN: 14747596 ; Idioma/Pais: Inglés/Inglaterra

 SCOPUS

Completo

MUSTO H; NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G

Correlations between genomic GC levels and optimal growth temperatures in prokaryotes.. *Febs Letters*, v.: 573 1 3, p.: 73 - 77, 2004

Palabras clave: genome evolution; isochores; DNA thermodynamic stability

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 00145793 ; Idioma/Pais: Inglés/Holanda

 THOMSON
ISI

 SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

NAYA H; ZAVALA A; ROMERO H; RODRÁ-GUEZ-MASEDA H; MUSTO H

Correspondence analysis of amino acid usage within the family Bacillaceae. *Biochemical and Biophysical Research Communications*, v.: 325, p.: 1252 - 1257, 2004

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 0006291X ; Idioma/Pais: Inglés/Holanda

http://www.sciencedirect.com/science?_ob=MIimg&_imagekey=B6WBK-4DS6SC5-1-9&_cdi=6713&_user=781138&_orig=browse&_coverDate=12%2F24%2F2004&_sk=996749995&_view=c&_wchp=dGLbVzb-zSkWb&_md5=47db297b41006f4142371519f878a9b0&_ie=/sdarticle.pdf

 THOMSON
ISI

 SCOPUS

Completo

COLINA; CASANE; VASQUEZ; GARCIA; CHUNGA; ROMERO H; KHAN; CRISTINA, J.

Evidence of intratypic recombination in natural populations of hepatitis C virus.. *Journal of General Virology*, v.: 85, p.: 31 - 37, 2004

Palabras clave: recombinación; Virus de la Hepatitis C

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Otros ; ISSN: 00221317 ; Idioma/Pais: Inglés/Inglaterra

 THOMSON
ISI

 SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

MUSTO H; ROMERO H; ZAVALA A

Translational selection is operative for synonymous codon usage in *Clostridium perfringens* and *Clostridium acetobutylicum*. *Microbiology-UK*, v.: 149, p.: 855 - 863, 2003

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; Lugar de publicación: Inglaterra ; ISSN: 13500872 ; Idioma/Pais: Inglés/Inglaterra

<http://mic.sgmjournals.org/cgi/reprint/149/4/855?maxtoshow=&HITS=10&hits=10&RESULTFORMAT=&author1=Musto%2C+H&searchid=1&FIRSTINDEX=0&sortspec=relevance&volume=149&firstpage=855&resourcetype=HWCIT>

 THOMSON
ISI

 SCOPUS

Completo

PEIXOTO L; ZAVALA A; ROMERO H; MUSTO H

The strength of translational selection for codon usage varies in the three replicons of *Sinorhizobium meliloti*. *Gene*, v.: 320, p.: 109 - 116, 2003

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Holanda ; *ISSN:* 03781119 ; *Idioma/Pais:* Inglés/Holanda

http://www.sciencedirect.com/science?_ob=MIimg&_imagekey=B6T39-49RCM38-K-9&_cdi=4941&_user=781138&_orig=browse&_coverDate=11%2F27%2F2003&_sk=996799999&_view=c&_wchp=dGLbVtz-zSkzk&_md5=fee1bfac7834751973f5aa7f302da378&_ie=/sdarticle.pdf



Completo

ROMERO H; ZAVALA A; MUSTO H; BERNARDI G

The influence of translational selection on codon usage in fishes from the family Cyprinidae. *Gene*, v.: 317, p.: 141 - 147, 2003

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Holanda ; *ISSN:* 03781119 ; *Idioma/Pais:* Inglés/Holanda

http://www.sciencedirect.com/science?_ob=MIimg&_imagekey=B6T39-49H1RJ3-1-7&_cdi=4941&_user=10&_orig=browse&_coverDate=10%2F23%2F2003&_sk=996829999&_view=c&_wchp=dGLbVlb-zSkzV&_md5=fb532978b2adfeb214424e851adad18c&_ie=/sdarticle.pdf



Completo

ZAVALA A; NAYA H; ROMERO H; MUSTO H

Trends in codon and amino acid usage in *Thermotoga maritima*. *Journal of Molecular Evolution*, v.: 54 5, p.: 563 - 568, 2002

Palabras clave: codon usage; amino acid usage; amino acid frequency; *Thermotoga maritima*; GC3 content

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00222844 ; *Idioma/Pais:* Inglés/Alemania



Completo

NAYA H; ROMERO H; ZAVALA A; ALVAREZ B; MUSTO H

Aerobiosis increases the genomic guanine plus cytosine content (GC%) in prokaryotes.. Journal of Molecular Evolution, v.: 55 3, p.: 260 - 264, 2002

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00222844 ; *Idioma/Pais:* Inglés/Alemania



Completo

COSTA-MATTIOLI M; CRISTINA J; ROMERO H; FERRÉ V

Molecular Evolution of Hepatitis A Virus: a New Classification Based on the Complete VP1 Protein. *Journal of Virology*, v.: 76 18, p.: 9516 - 9525, 2002

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Estados Unidos ; *ISSN:* 0022538X ; *Idioma/Pais:* Inglés/Estados Unidos

<http://jvi.asm.org/cgi/content/abstract/76/18/9516>



Sistema Nacional de Investigadores

Completo

NAYA, H.; ROMERO H; CARELS, N.; ZAVALA, A.; MUSTO, H.

Translational selection shapes codon usage in the GC-rich genome of *Chlamydomonas reinhardtii*. *Febs Letters*, v.: 501 2-3, p.: 127 - 130, 2001

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 00145793 ; Idioma/Pais: Inglés/Holanda



Completo

ROMERO H; ZAVALA, A.; MUSTO, H.

Compositional pressure and translational selection determine codon usage in the extremely GC-poor unicellular eukaryote *Entamoeba histolytica*. *Gene*, v.: 242 1-2, p.: 307 - 311, 2000

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 03781119 ; Idioma/Pais: Inglés/Holanda



Completo

ROMERO H; ZAVALA, A.; MUSTO, H.

Codon usage in *Chlamydia trachomatis* is the result of strand-specific mutational biases and a complex pattern of selective forces. *Nucleic Acids Research*, v.: 28 10, p.: 2084 - 2090, 2000

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: [Papel](#) ; ISSN: [03051048](#) ; Idioma/Pais: [Inglés/Inglaterra](#)



Completo

MUSTO, H.; ROMERO H; ZAVALA, A.; JABBARI, K.; BERNARDI, G.

Synonymous codon choices in the extremely GC-poor genome of *Plasmodium falciparum*: compositional constraints and translational selection. *Journal of Molecular Evolution*, v.: 49 1, p.: 27 - 35, 1999

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Otros ; ISSN: 00222844 ; Idioma/Pais: Inglés/Alemania



Completo

MUSTO, H.; ROMERO H; ZAVALA, A.; BERNARDI, G.

Compositional correlations in the chicken genome. *Journal of Molecular Evolution*, v.: 49 3, p.: 325 - 329, 1999

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: [Papel](#) ; ISSN: [00222844](#) ; Idioma/Pais: [Inglés/Alemania](#)



Completo

MUSTO, H.; ROMERO H; RODRÍGUEZ MASEDA, H.

Heterogeneity in codon usage in the flatworm *Schistosoma mansoni*. *Journal of Molecular Evolution*, v.: 46 2, p.: 159 - 167, 1998

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: [Papel](#) ; ISSN: [00222844](#) ; Idioma/Pais: [Inglés/Alemania](#)



Artículos aceptados

Capítulos de Libro

Capítulo de libro publicado

ROMERO H

El Club de la Corbata ARN , 2010

Libro: Unidad en la Diversidad. v.: 1, p.: 84 - 98,

Organizadores: Ana Silva y Bettina Tassino

Editorial: EUDECI , Montevideo

Palabras clave: biología molecular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Aspectos históricos

Medio de divulgación: Papel;

Capítulo de libro publicado

SALINAS G; ROMERO H; XU XM; CARLSON BA; HATFIELD DL; GLADYSHEV VN

Evolution of Sec decoding and the key role of selenophosphate synthetase in the pathway of selenium utilization , 2006

Libro: Selenium: its molecular biology and role in human health. v.: 2, p.: 359 - 370, Estados Unidos

Organizadores: Hatfield D, Berry M and Gladyshev VN

Editorial: Springer , New York

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel; ISSN/ISBN: 0387338268; Idioma/Pais: Inglés/Estados Unidos;

Trabajos en eventos

Resumen

PERELLA J; ROMERO H; CECCOLLI R; GRAÑA M; CARRILLO N

Disappearance of the flavodoxin gene from the plant genome may be caused by ecosystem-specific negative selection in the algal precursor , 2013

Evento: Regional , 4to. Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional (4CAB2C) y 4ta. Conferencia Internacional de la Sociedad Iberoamericana de Bioinformática (SolBio) , Rosario, Santa Fe, Argentina , 2013

Anales/Proceedings: Arbitrado: SI

Medio de divulgación: Internet;

Resumen expandido

MARTINEZ A; ETCHEGORRY D; ROMERO H; PEROTTI NI

Metabolismo metanogénico predominante de un digestor UASB alimentado con vinaza en Tucumán, Argentina , 2012

Evento: Regional , VII Congreso de Medio Ambiente de la AUGM

Anales/Proceedings: Arbitrado: SI

Medio de divulgación: Internet;

Resumen

ROMERO H; EMILIANO PEREIRA; NAYA H; HECTOR MUSTO

GC profiles in marine environments: The oxygen connection , 2008

Evento: Internacional , XII International Congress of Bacteriology and Applied Microbiology , Estambul , 2008

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolución

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

ROMERO H; MARTIN GRAÑA; NAYA H; HECTOR MUSTO

Hot or not? Lifestyle of ancestral prokaryotes , 2008

Evento: Internacional , XX International congress of genetics , Berlin , 2008

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: Papel;

Resumen

ROMERO H; HECTOR MUSTO; ZHANG Y; GLADYSHEV VN; SALINAS G

Life with 22 amino acids , 2006

Evento: Internacional , Intelligent Systems for Molecular Biology , Fortaleza, Brasil , 2006

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: CD-Rom;

Resumen

ROMERO H; NAYA H; ZAVALA A; ALVAREZ-VALIN F; BERNARDI G; HECTOR MUSTO

Selective forces driving Guanine + Cytosine (GC%) content in prokaryotes' , 2004

Evento: Internacional , Gordon Research Conference in Biomathematics and Theoretical Biology , Tilton, USA , 2004

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Evolucion

Medio de divulgación: CD-Rom;

Evaluaciones

Evaluación de Proyectos

2014 / 2014

Institución financiadora: ANII / Convocatoria Jovenes investigadores

Cantidad: De 5 a 20

ANII / Convocatoria Jovenes investigadores

Evaluación de Publicaciones

2013 / 2013

Nombre: Journal of Biological Chemistry,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2013 / 2013

Nombre: Molecular Biology and Evolution,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2011 / 2016

Nombre: Plos One,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2010 / 2010

Nombre: Revista Chilena de Historia Natural,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2009 / 2010

Nombre: BMC Bioinformatics,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2006 / 2006

Nombre: International Journal of Eukaryotic Microbiology,

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de Publicaciones

2004 / 2016

Nombre: Journal of Molecular Evolution,

Cantidad: De 5 a 20

Evaluación de Publicaciones

2004 / 2008

Nombre: Gene,

Cantidad: Menos de 5

Formación de RRHH

Tutorías concluidas

Posgrado

Tesis de maestría

Estudios de composición nucleotídica y uso de codones en la familia Pelagibacteriaceae del ubicuo clado marino SAR11 , 2015

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Lucia Graña

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Palabras clave: sar11

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Medio de divulgación: Papel, *Pais/Idioma:* Uruguay/Español

Tesis de maestría

Dinámica espacio-temporal de los linajes de DENV-2 genotipo asiático-americano en América , 2014

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Daiana Mir

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay , Bioinformática

Palabras clave: Filogeografía; evolucion viral

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel, *Pais/Idioma:* Uruguay/Español

Grado

Tesis/Monografía de grado

Impacto genómico de la transición aerobiosis anaerobiosis , 2010

Nombre del orientado: Lucia Graña

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Licenciatura en Ciencias Biológicas

Palabras clave: Genómica, Evolucion

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Tesis/Monografía de grado

Perfiles de contenido en GC de muestras ambientales , 2009

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Emiliano Pereira

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Licenciatura en Ciencias Biológicas

Palabras clave: Genomica ambiental

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genomica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología / genomica

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Otras

Iniciación a la investigación

Análisis de datos de metagenomica: diversidad y evolución de microorganismos en gradientes ambientales , 2009

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Emiliano Pereira

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Palabras clave: Genomica ambiental

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología / genomica

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Tutorías en marcha

Posgrado

Tesis de doctorado

Biocatalizadores de origen procarionta para aplicaciones en biorrefinería. Estudios genómicos y tecnológicos , 2015

Tipo de orientación: Asesor/Orientador

Nombre del orientado: Horacio Pisa

Doctorado en ciencias biologicas

Palabras clave: metagenomica

Areas del conocimiento: Ingeniería y Tecnología / Biotecnología Industrial / Bioprosesamiento Tecnológico, Biocatálisis, Fermentación

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Otros datos relevantes

Premios y títulos

2004 Investigador Nivel I Fondo Nacional de Investigadores

Jurado/Integrante de comisiones evaluadoras de trabajos académicos

Tesis

Candidato: Cecilia Callejas

DRA. CLAUDIA ETCHEBEHERE; CECILIA ALONSO; ROMERO H

Caracterización ecofisiológica de matas microbianas dominadas por Cianobacterias en suelos de la isla Rey Jorge, Antártida Marítima , 2011

Tesis (Ciencias Biológicas) - Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Tesis

Candidato: Miguel Ponce de Leon

ENRIQUE LESSA; MARIA URQUHART; ROMERO H

ANÁLISIS DE ÓPTIMOS ALTERNATIVOS EN REDES METABÓLICAS RECONSTRUÍDAS A ESCALA GENÓMICA , 2011

Tesis (Bioinformática) - Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Tesis

Candidato: Cecilia Da Silva

GRACIELA GARCIA; MARCELO LOUREIRO; ROMERO H

Filogeografía del género *Eligmodontia* (Rodentia: Cricetidae) en la Patagonia Argentina. , 2011

Tesis (Ciencias Biológicas) - Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Candidato: Sebastian Valenzuela

ROMERO H

Procariotas: Base de datos, GC, FASO y Filogenias , 2010

(Licenciatura en Ciencias Biológicas) - Facultad de Ciencias - UDeLaR - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Palabras clave: genómica evolutiva

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Candidato: Andres Iriarte

ROMERO H

Búsqueda de Selección Molecular en el ADN mitocondrial de roedores Subterráneos , 2007

(Licenciatura en Ciencias Biológicas) - Facultad de Ciencias - UDeLaR - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Candidato: Cecilia Da Silva

ROMERO H

Búsqueda de adaptación en genes mitocondriales de mamíferos subterráneos , 2005

(Licenciatura en Ciencias Biológicas) - Facultad de Ciencias - UDeLaR - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Presentaciones en eventos

Congreso

Sin códigos: apuntes en la elucidación del código genético , 2007

Referencias adicionales: Uruguay;

Congreso

Correlations between genomic GC levels and optimal growth temperature in prokaryotes , 2005

Tipo de participación: Expositor oral, *Carga horaria:* 1

Referencias adicionales: Italia; *Nombre del evento:* 6th Anton Dohrn Workshop Evolutionary Genomics; *Nombre de la institución*

promotora: Stazione Zoologica Anton Dohrn, International Journal of Molecular Evolution

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Indicadores de producción

<i>Producción bibliográfica</i>	52
<i>Artículos publicados en revistas científicas</i>	44
Completo (Arbitrada)	44
<i>Artículos aceptados para publicación en revistas científicas</i>	0
<i>Trabajos en eventos</i>	6
Resumen (Arbitrada)	1
Resumen (No Arbitrada)	4
Resumen expandido (Arbitrada)	1
<i>Libros y capítulos de libros publicados</i>	2
Capítulo de libro publicado	2
<i>Textos en periódicos</i>	0
<i>Documentos de trabajo</i>	0
<i>Producción técnica</i>	0
<i>Productos tecnológicos</i>	0
<i>Procesos o técnicas</i>	0

<i>Trabajos técnicos</i>	0
<i>Otros tipos</i>	0
<i>Evaluaciones</i>	9
Evaluación de Proyectos	1
Evaluación de Publicaciones	8
<i>Formación de RRHH</i>	6
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas</i>	5
Tesis de maestría	2
Tesis/Monografía de grado	2
Iniciación a la investigación	1
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha</i>	1
Tesis de doctorado	1

Sistema Nacional de Investigadores

Sistema Nacional de Investigadores