GREGORIO IRAOLA

Dr.

giraola@pasteur.edu.uy

Mataojo 2020

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas

Categorización actual: Nivel I (Activo)

Fecha de publicación: 26/07/2023

Última actualización: 29/08/2022

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Laboratorio de Genómica Microbiana
Dirección: Mataojo 2020 / 11400
País: Uruguay / Montevideo / Montevideo
Teléfono: (598) 25220910
Correo electrónico/Sitio Web:giraola@pasteur.edu.uy http://iraola-lab.com

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (PEDECIBA) (2012 - 2016)

Institut Pasteur de Montevideo - Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática , Uruguay
Título de la disertación/tesis/defensa: Desarrollo y aplicación de herramientas computacionales para el análisis taxonómico y patogenómico de procariotas
Tutor/es: Hugo Naya
Obtención del título: 2016
Financiación:
Universidad de la República / Comisión Académica de Posgrado , Uruguay
Palabras Clave: Genómica comparativa Patogenicidad bacteriana Machine Learning
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2006 - 2010)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay
Título de la disertación/tesis/defensa: Estandarización De Un Método Molecular Para La Detección De Campylobacteriosis Bovina En Uruguay
Tutor/es: Ruben Gustavo Pérez Crossa
Obtención del título: 2010
Palabras Clave: Campylobacter PCR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana

PASAJE A DOCTORADO

MAESTRÍA

Maestría en Bioinformática (PEDECIBA) (2010 - 2012)

Institut Pasteur de Montevideo - Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática , Uruguay
Título de la disertación/tesis/defensa: Pasaje a Doctorado en Biología (PEDECIBA)

Financiación:
Universidad de la República / Comisión Sectorial de Investigación Científica , Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Molecular Biology of Viral Diseases (01/2011 - 01/2011)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
40 horas
Palabras Clave: Virología molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología Molecular

Bioinformatics & Comparative Genome Analyses (01/2011 - 01/2011)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur de Paris , Francia
88 horas
Palabras Clave: Bioinformática Genómica comparativa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Molecular Basis of Bacterial Infection (01/2010 - 01/2010)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust Sanger Institute , Inglaterra
45 horas
Palabras Clave: Bioinformática Mutagénesis Secuenciación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Biología Molecular de Enfermedades Virales (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Centro Universitario Regional Litoral Norte , Uruguay
40 horas
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Biología Molecular

Next Generation Sequencing Data Analysis (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
40 horas
Palabras Clave: Next Generation Sequencing
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Tecnologías de Secuenciación Masiva

Working With Pathogen Genomes Wellcome Trust Sanger Institute (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay
40 horas
Palabras Clave: Bioinformática, Artemis, Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Genomic Surveillance of Antimicrobial Resistance Workshop (2022)

Tipo: Taller
Institución organizadora: Wellcome Trust / Surveillance and Epidemiology of Drug Resistant Infections Consortium (SEDRIC), Reino Unido
Palabras Clave: Resistencia antibiótica Metagenómica Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Resistencia antibiótica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica

First Latin American Symposium (2021)

Tipo: Simposio
Institución organizadora: Global Microbiome Network, Perú

Congreso Latinoamericano del Microbioma (2021)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Universidad Autónoma Nacional de México (UNAM), México

XXV Congreso Latinoamericano de Microbiología (2021)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Asociación Latinoamericana de Microbiología (ALAM), Paraguay

Phage Futures Europe (2021)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Kisaco Research, Bélgica

First Latinbiota Meeting (2021)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

9th European Conference on Computational Biology (2020)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Barcelona Supercomputing Center (BSC) / Instituto Nacional de Bioinformática en España (INB/ELIXIR-ES), España

Frontiers in Genomics (2020)

Tipo: Simposio
Institución organizadora: Universidad Nacional Autonoma de México (UNAM), México

MetaSUB International Consortium Virtual Meeting 2020 (2020)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: MetaSUB International Consortium, Estados Unidos

XVII Congreso Latinoamericano de Genética (2019)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Asociación Latinoamericana de Genética (ALAG), Argentina
Palabras Clave: Genética Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

RIIP Latin American Regional Meeting (2019)

Tipo: Congreso
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas /

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2018)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Institut Pasteur, Francia

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

X-meeting (2018)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Sociedad Brasileña de Biología Computacional, Brasil
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

XLI Reunión Anual Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile (2018)

Tipo: Congreso
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

II Seminario Franco-Argentino en Biociencias (2018)

Tipo: Seminario
Institución organizadora: Instituto Franco-Argentino, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

MISP Reaserch Camp (2017)

Tipo: Taller
Institución organizadora: PERSIMUNE, Dinamarca
Palabras Clave: Medicina de precisión Metagenómica Genómica bacteriana
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2016)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Institut Pasteur International Network, Francia
Palabras Clave: Metagenómica Genómica comparativa Biomarcadores
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

MISP Research Camp (2015)

Tipo: Taller
Institución organizadora: Institut Pasteur International Network, Uruguay
Palabras Clave: Genómica Secuenciación masiva Biomedicina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Biologia computacional
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Microbiology after the genomics revolution (2014)

Tipo: Congreso
Palabras Clave: Genómica Microbiología
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

III Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)

Tipo: Congreso
Palabras Clave: Genética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2014)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Institut Pasteur, Francia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

ISCB-LA Conference on Bioinformatics (2012)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: International Society of Computational Biology, Uruguay
Palabras Clave: Bioinformatics Computational Biology
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Pasantía en Bioinformática (2011)

Tipo: Otro
Institución organizadora: Institut Pasteur Montevideo, Uruguay
Palabras Clave: Genómica comparativa Leptospira
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Pasantía en Genética Bacteriana (2011)

Tipo: Otro
Institución organizadora: INTA Balcarce, Argentina
Palabras Clave: Campylobacter Genética Bacteriana
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana

Pasantía en Bioinformática (2011)

Tipo: Otro
Institución organizadora: Núcleo de Bioinformática, Universidad de Caxias do Sul, Uruguay
Palabras Clave: Patogenicidad bacteriana Redes neurales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Patogenicidad bacteriana

XX Congreso Latinoamericano de Microbiología (2010)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Asociación Latinoamericana de Microbiología, Uruguay
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: SUB, Uruguay

XII Congreso Argentino de Microbiología (2010)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Sociedad Argentina de Microbiología, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

VI Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2009)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Facultad de Ciencas - Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

VI Jornadas Técnicas de la Facultad de Veterinaria (2009)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Facultad de Veterinaria, Uruguay

Foro de Innovación de las Américas (2009)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: ANII, Uruguay

Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2008)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: UDELAR, Uruguay

Idiomas

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Portugués

Entiende regular / Lee bien /

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Biología Celular, Microbiología

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática /Genómica microbiana

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática /Evolución viral

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática /Microbioma

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Área Biología (PEDECIBA)

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (12/2021 - a la fecha)

Investigador Grado 4

Funcionario/Empleado (03/2017 - 12/2021)

Investigador Grado 3

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (06/2021 - a la fecha)

Coordinador Científico del Centro de Innovación en Vigilancia Epidemiológica (CiVE) 5 horas semanales

Funcionario/Empleado (12/2018 - a la fecha) Trabajo relevante

Responsable de Grupo G4 40 horas semanales
Responsable del Laboratorio de Genómica Microbiana

Funcionario/Empleado (07/2016 - 12/2018)

Investigador Adjunto 40 horas semanales

Funcionario/Empleado (01/2013 - 06/2016)

Investigador Asistente 20 horas semanales

Funcionario/Empleado (12/2010 - 12/2012) Trabajo relevante

Pasante honorario 20 horas semanales

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Evolución, epidemiología genómica y dinámica de determinantes genéticos de resistencia a antibióticos en bacterias ambientales, zoonóticas e intrahospitalarias (12/2018 - a la fecha)

Comparación de genomas bacterianos para el estudio de la evolución de patógenos que afectan la salud humana, de animales de producción y que son transmitidos a través del ambientes. Con especial énfasis en el estudio de la dinámica de dispersión de mecanismos de resistencia a antibióticos.
Mixta
1 horas semanales , Coordinador o Responsable
Equipo: Gregorio IRAOLA , Pablo FRESIA CORONEL , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , María Cecilia SALAZAR GONZÁLEZ
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Caracterización de microbiomas ambientales, humanos y de animales de producción (12/2018 - a la fecha)

Aplicación de herramientas metagenómicas, genómicas y bacteriológicas para la caracterización de la variabilidad de la microbiota ambiental y asociada a hospederos como humanos y animales de producción, con particular énfasis en el estudio de la dinámica de determinantes genéticos de resistencia a antibióticos.
Mixta
10 horas semanales , Coordinador o Responsable
Equipo: Gregorio IRAOLA , Pablo FRESIA CORONEL , María Cecilia SALAZAR GONZÁLEZ , Veronica Beatriz ANTELO GUTIERREZ , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Feijo R
Palabras clave: Microbioma Metagenómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Desarrollo de herramientas bioinformáticas para microbiología computacional (12/2018 - a la fecha)

Desarrollo de métodos, algoritmos y pipelines bioinformáticos para el análisis de datos de secuenciación masiva
Mixta
10 horas semanales , Coordinador o Responsable
Equipo: Gregorio IRAOLA , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , Feijo R
Palabras clave: Bioinformática Biología computacional Algoritmos Desarrollo de software

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Rol de la microbiota intestinal en la respuesta a la inmunoterapia del cáncer en Uruguay (11/2020 - a la fecha)

Determinación del rol de la microbiota intestinal en la respuesta o resistencia a la inmunoterapia como tratamiento al cáncer de pulmón y melanoma.
4 horas semanales
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Pregrado:1
Especialización:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
GlaxoSmithKline, Inglaterra, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G. , RIERA N. , PARADA A. , OSINAGA E. , BEROIS N.
Palabras clave: Inmunoterapia Cancer Microbioma

Latinbiota: unlocking the composition and variability of human gut microbiota in Latin America (04/2019 - a la fecha)

El consorcio Latinbiota busca generar datos sobre la variabilidad y composición del microbioma intestinal humano y su rol en la salud y la enfermedad en 8 países de la región latinoamericana.
10 horas semanales
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Financiación:
Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G.
Palabras clave: Microbioma humano
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

A city-scale molecular map of antimicrobial resistance among hospital settings, the urban environment and human population: towards the application of metagenomics for the assessment of stewardship programs (06/2020 - a la fecha)

El proyecto busca comprender la dinámica de determinantes genéticos de resistencia antibióticos a escala ciudad, comparando el microbioma de los ambientes urbanos (por ejemplo aguas residuales), el microbioma intestinal humano de la población y el microbioma hospitalario.
5 horas semanales
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Financiación:
Pfizer, Estados Unidos, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G.
Palabras clave: Metagenómica Microbioma Resistencia a antibióticos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Centro Uruguayo de Metagenómica: una plataforma interinsttucional para la incubación de proyectos aplicados al monitoreo de ambientes prioritarios (04/2017 - 05/2020)

Aplicación de la metagenómica para el análisis microbiológico de ambientes urbanos y productivos

10 horas semanales
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:2
Doctorado:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G. , Gonnet G , Antelo V , Salazar C , Giménez, M. , Fresia P
Palabras clave: Metagenómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Desarrollo y validación de metodologías para el diagnóstico y control de la campylobacteriosis genital bovina (07/2015 - 12/2019)

Fondo Sectorial de Sanidad Animal para el desarrollo de metodologías moleculares para el diagnóstico de campylobacteriosis genital bovina en Uruguay
5 horas semanales
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Doctorado:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: CALLEROS L. (Responsable) , COSTA, D. , PÉREZ R , Riet-Correa F.
Palabras clave: Genética Bacteriana Campylobacter fetus Biotecnología Genómica bacteriana
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Evolución genómica de Mycobacterium avium paratuberculosis en animales silvestres y de producción (04/2017 - 05/2019)

Genómica comparativa de cepas de Mycobacterium avium paratuberculosis a nivel global para comprender los patrones evolutivos que detrás de su adaptación a distintos hospederos
1 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G. , Fresia P , FERRÉS I.
Palabras clave: Mycobacterium Genómica comparativa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Global diversity, genomic epidemiology and pathogen evolution of Leptospira spp. (03/2017 - 03/2019)

Proyecto internacional en conjunto con otros integrantes de la Red Internacional de Institutos Pasteur para estudiar la diversidad genética de las especies pertenecientes al género Leptospira
1 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
Concluido
Alumnos encargados en el proyecto:
Doctorado:1
Financiación:
Institut Pasteur de Paris, Francia, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G. , FERRÉS I. , Picardeau M , BUSCHIAZZO, A. , Zarantonelli L

Palabras clave: Leptospira Genómica Diversidad Evolución
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Tipificación y diagnóstico de Leptospira spp. por técnicas moleculares: hacia el diseño de vacunas recombinantes (03/2014 - 03/2016)

La leptospirosis es una de las zoonosis con más amplia distribución en el mundo. Causada por distintas cepas patógenas de Leptospira spp., afecta a todas las especies de animales domésticos. En bovinos es una de las principales causas de aborto, así como un permanente riesgo de dispersión de la zoonosis, en especial para trabajadores vinculados al trabajo de campo. Leptospira spp. presenta una enorme variabilidad antigénica, y una gran cantidad de hospedadores potenciales. Es por ende un tema complicado a la hora de generar programas de control eficaces. La vacunación sigue siendo una herramienta muy preciada para la prevención de los animales sanos y susceptibles. Las vacunas contra leptospirosis bovina actualmente disponibles en el mercado consisten en suspensiones de leptospiras inactivadas. En dichas formulaciones se incluyen uno o más serovares. Sin embargo, la eficacia de las vacunas actuales es cuestionada. Si bien la técnica de microaglutinación (MAT), que lleva adelante la DILAVE (Ministerio de Ganadería, Agricultura y Pesca) continúa siendo la técnica ?gold standard? para diagnosticar infecciones de acuerdo a serovares, es bien conocido que presenta una baja sensibilidad. El MAT puede ser útil para el diagnóstico en casos agudos, pero puede dificultarlo en otros, por ejemplo en el curso crónico y subclínico de la enfermedad. Este proyecto se propone aislar cepas locales de Leptospira, y tipificarlas con aproximaciones tanto serológicas como moleculares. Así se podrá contar con un cepario bien caracterizado, del que hoy no disponen las entidades nacionales de vigilancia y control sanitario. Asimismo, desarrollar un método de diagnóstico molecular rápido de Leptospira a partir de muestras biológicas, permitiría implementar precozmente la terapia con antibióticos.
10 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
Concluido
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Hugo Mario NAYA MONTEVERDE , Zarantonelli L , Picardeau M , Alejandro BUSCHIAZZO , Gregorio IRAOLA
Palabras clave: Leptospirosis
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Análisis transcripcional en Leptospiras formadoras de biofilms (12/2012 - 12/2014)

2 horas semanales
Institut Pasteur Montevideo , Unidad de Bioinformática
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Pregrado:1
Equipo: RISTOW P , NAYA H (Responsable)
Palabras clave: Leptospira biofilms NGS
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Medicina / Centro de Investigaciones Biomédicas (CEINBIO)

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (05/2021 - a la fecha)

Investigador Asociado
Escalafón: No Docente

ACTIVIDADES

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Comité Científico Asesor (08/2022 - a la fecha)

Programa de Alimentos y Salud (PAyS)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma

SECTOR EMPRESAS/PRIVADO - EMPRESA PRIVADA - URUGUAY

Kinzbio

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (05/2021 - a la fecha) Trabajo relevante

Co-fundador y Asesor Científico 4 horas semanales

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Desarrollo de soluciones basadas en bacteriófagos para bacterias relevantes en salud humana, animal y ambiental. (05/2021 - a la fecha)

Kinzbio desarrolla cócteles basados en bacteriófagos naturales activos contra bacterias relevantes para la salud humana, animal y ambiental, tales como Salmonella, Escherichia coli y Klebsiella.
Aplicada
4 horas semanales , Integrante del equipo
Equipo: IRAOLA G.
Palabras clave: Bacteriófagos Fagos Antimicrobianos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Kinzbio: desarrollando tecnologías basadas en microorganismos para un mundo más seguro (10/2021 - a la fecha)

A través de este proyecto enmarcado en el instrumento Emprendedores Innovadores de ANII, Kinzbio busca fortalecer sus capacidades de I+D y salida al mercado con productos basados en bacteriófagos para minimizar el riesgo microbiológico en procesos industriales y la contaminación ambiental.
4 horas semanales
Desarrollo
Integrante del Equipo
En Marcha
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: IRAOLA G. , PUIG J. , JAVIEL G.
Palabras clave: Bacteriófagos Fagos Antimicrobianos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - INGLATERRA

Wellcome Trust Sanger Institute / Host-Microbiota Interactions Laboratory

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (12/2018 - a la fecha)

International Fellow

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Latinbiota: understanding the evolution, transmission and antibiotic resistance of microbiota-associated pathogens in South American LMICs (12/2018 - a la fecha)

Latinbiota es un proyecto de investigación a nivel continental que busca generar información acerca de la variabilidad del microbioma intestinal humano en poblaciones nativas y urbanas de América Latina. El proyecto es liderado por mi, y se enmarca en el contexto de mi vinculación con el Wellcome Sanger Institute del Reino Unido como International Fellow, un programa internacional a 4 años para fortalecer vínculos de colaboración entre dicha institución y científicos extranjeros trabajando en países en desarrollo.
1 horas semanales
Host-Microbiota Interactions Laboratory
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Doctorado:1
Financiación:
Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero
Equipo: Gregorio IRAOLA
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Genomic epidemiology of Clostridium difficile in Latin America (12/2018 - a la fecha)

Secuenciación y análisis comparativo del genoma completo de 500 cepas de Clostridium difficile aisladas en 8 países latinoamericanos. El proyecto busca comprender la epidemiología de éste patógeno de gran importancia en diarreas intrahospitalarias, resistentes a antibióticos en la región lationamericana.
1 horas semanales
Host-Microbiota Interactions Laboratory
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Doctorado:1
Financiación:
Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero
Equipo: Gregorio IRAOLA

Comparative genomics of mammal-associated Campylobacter fetus strains (05/2015 - 11/2017)

Caracterización genómica a nivel mundial de cepas de Campylobacter fetus aisladas de casos clínicos en humanos y animales de producción (bovinos y ovinos). El proyecto buscaba establecer los patrones evolutivos de esta especie y las adaptaciones genómicas asociadas a su capacidad de infectar humanos y otros animales.
15 horas semanales
Host-Microbiota Interactions Laboratory
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Financiación:
Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero
Equipo: Gregorio IRAOLA

PASANTÍAS

Estadía de investigación para el análisis de datos genómicos (09/2015 - 11/2015)

Host-Microbiota Interactions Laboratory 40 horas semanales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Universidad Mayor / Centro de Biología Integrativa

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (03/2018 - a la fecha)

Profesor Adjunto Internacional

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Genoma Mayor

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (03/2018 - 12/2019)

Director de Bioinformática 1 hora semanal

ACTIVIDADES

DIRECCIÓN Y ADMINISTRACIÓN

Dirección del área Bioinformática (03/2018 - 12/2019)

1 horas semanales

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD ORT URUGUAY - URUGUAY

Facultad de Ingeniería

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (05/2014 - 09/2017)

Profesor Asistente 4 horas semanales

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Licenciatura en Biotecnología (05/2014 - 09/2016)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Bioinformática I, 4 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2010 - 08/2015)

Docente Ayudante 20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (05/2011 - 07/2011)

Ayudante de la Maestría en Bioinformática 25 horas semanales
Dictado de las clases prácticas del curso de posgrado de la Maestría en Bioinformática titulado "Genética y Evolución"
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Evolución de virus que afectan animales de producción y compañía (03/2009 - 07/2018)

Análisis evolutivo utilizando herramientas genómicas y filogenéticas de virus que infectan cánidos y aves.
2 horas semanales
Sección Genética Evolutiva, Grupo Genética de Microorganismos , Integrante del equipo
Equipo: CALLEROS L. , PÉREZ R. , TOMÁS G , MARANDINO A. , PANZERA Y. , SARUTE N
Palabras clave: Genética viral
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Viral

DOCENCIA

Licenciatura en Ciencias Biológicas (08/2010 - 08/2015)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Genética General, 20 horas, Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Licenciatura en Ciencias Biológicas (03/2015 - 06/2015)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 4 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Maestría en Bioinformática PEDECIBA (11/2013 - 12/2013)

Maestría
Invitado
Asignaturas:
Taller de Bioinformática, 4 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2013 - 06/2013)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 8 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genéntica viral y bacteriana

Maestría en Bioinformática PEDECIBA (05/2011 - 07/2011)

Maestría
Asistente
Asignaturas:

Genética y Evolución, 2 horas, Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genética y Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (04/2010 - 05/2010)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 30 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Microorganismos

Maestría en Genética (04/2009 - 06/2009)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Organización, variabilidad y función del genoma eucariota, 5 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas
Carga horaria de investigación: 20 horas
Carga horaria de formación RRHH: 20 horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: 20 horas

Producción científica/tecnológica

Soy un microbiólogo computacional. Mi trabajo de investigación se enmarca en el estudio del genoma de microorganismos utilizando datos de secuenciación masiva y aproximaciones bioinformáticas como herramientas fundamentales. En general, mi área de actuación comprende el estudio de la variabilidad genética de poblaciones y comunidades de microorganismos en condiciones de salud y enfermedad de los hospederos que las portan, e incorporando al ambiente como un factor relevante para su transmisión. En este sentido, la integración de datos genómicos de microorganismos que infectan o colonizan humanos, otros animales y el ambiente me perite desarrollar un abordaje de "una sola salud". Específicamente, desarrollo tres líneas de investigación principales: i) el estudio de la evolución, la epidemiología, la biogeografía y la dinámica de determinantes de resistencia a antibióticos en bacterias ambientales, zoonóticas e intrahospitalarias; ii) la caracterización del microbioma humano y ambiental con foco en la dinámica de los determinantes de resistencia a antibióticos entre microorganismos que componen su microbioma; y iii) el desarrollo de nuevas herramientas bioinformáticas para microbiología computacional con foco en la aplicación de tecnologías de secuenciación de tercera generación. Ejemplos de éstos trabajos son el análisis de colecciones globales de cepas de patógenos como ***Campylobacter***, ***Leptospira*** o ***Clostridium***, que han permitido determinar los principales patrones de evolución genómica y adaptación a hospederos, el estudio del microbioma de las aguas del saneamiento urbano como vehículo para la diseminación de determinantes de resistencia a antibióticos, o Latinbiota, un proyecto que busca generar datos de microbioma intestinal de poblaciones urbanas y nativas habitantes de países latinoamericanos. En el contexto de la pandemia por COVID-19, he redireccionado mis esfuerzos de investigación para contribuir al desarrollo de herramientas que han permitido realizar la vigilancia genómica en tiempo real de SARS-CoV-2 en Uruguay y países de la region.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Phylogenetic and Multiple-Locus Variable number tandem repeat analysis of Mycobacterium avium

subsp. paratuberculosis isolates from Argentina (Completo, 2022)

BRENDA VASINI , PABLO FARACE , AMADIO ARIEL , KARINA CIRONE , LAURA MENDEZ , CLAUDIA MORSELLA , PABLO FRESIA , GREGORIO IRAOLA , ANDREA GIOFFRÉ , FERNANDO PAOLICCHI
Veterinary Research Communications, 2022
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología veterinaria
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Netherlands
ISSN: 01657380
DOI: 10.1007/s11259-022-09983-8
http://dx.doi.org/10.1007/s11259-022-09983-8
Scopus

First detection and origin of multi-drug resistant Klebsiella pneumoniae ST15 harboring OXA-48 in South America (Completo, 2022)

CECILIA SALAZAR , VERÓNICA ANTELO , MARIELA VIEYTES , CRISTINA DÁVILA , FABIO GRILL , ANTONIO GALIANA , GREGORIO IRAOLA
Journal of Global Antimicrobial Resistance, 2022
Palabras clave: OXA-48 Klebsiella pneumoniae Nanopore
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Netherlands
ISSN: 22137165
DOI: 10.1016/j.jgar.2022.08.005
http://dx.doi.org/10.1016/j.jgar.2022.08.005
Scopus

A Two-Time Point Analysis of Gut Microbiota in the General Population of Buenos Aires and Its Variation Due to Preventive and Compulsory Social Isolation During the COVID-19 Pandemic (Completo, 2022)

PABLO AGUILERA , MARÍA FLORENCIA MASCARDI , FIORELLA SABRINA BELFORTE , AYELÉN DAIANA ROSSO , SOFÍA QUESADA , IGNACIO LLOVET , GREGORIO IRAOLA , JULIETA TRINKS , ALBERTO PENAS-STEINHARDT
Frontiers in Microbiology, v.: 13 2022
Palabras clave: COVID-19 Microbiota
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Switzerland
ISSN: 1664302X
DOI: 10.3389/fmicb.2022.803121
http://dx.doi.org/10.3389/fmicb.2022.803121
Scopus

Annotating unknown species of urban microorganisms on a global scale unveils novel functional diversity and local environment association (Completo, 2021)

IRAOLA G. , WU J. , DANKO D. , AFSHINNEKOO E. , BEZDAN D. , BHATTACHARYYA M. , CASTRO-NALLAR E. , CHMIELARCZYK A. , HAZLIN N. , DENG Y. , DIAS-NETO E. , FROLOVA A. , MASON-BUCK G. , JANG S. , LABAJ P. , LEES P. , NIETO-CABALLERO M. , OSUOLALEU O. , OZOUNIS C. , PERLIN M. , PRITHIVIRAJ B. , RASCOVAN N. , ROZANSKA A. , SCHRIML L. , SEMMLER T. , SUZUKI H. , UGALDE J. , YOUNG B. , WERNER J. , ZAMBRANO M. , ZHAO Y. , MASON C. , SHI T. , MetaSUB International Consortium
Environmental Research, 2021
Palabras clave: Microbioma Metagenómica Ambiente construído
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00139351

Scopus

Pangenome analysis reveals genetic isolation in Campylobacter hyointestinalis subspecies adapted to different mammalian hosts (Completo, 2021)

COSTA, D. , LEVESQUE S. , KUMAR N, , Fresia P , FERRÉS I. , LAWLEY T. , IRAOLA G.
Scientific Reports, v.: 11 1 , p.:1 - 10, 2021
Palabras clave: Campylobacter hyointestinalis Pangenoma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20452322
Scopus

COVID-19 drug practices risk antimicrobial resistance evolution (Completo, 2021)

AFSHINNEKOO E. , BHATTACHARYA C. , BURGUETE-GARCIA A. , CASTRO-NALLAR E. , DENG Y. , DESNUES C. , DIAS-NETO E. , ELHAIK E. , IRAOLA G. , JANG S. , LABAJ P. , MASON C. , NAGARAJAN N. , POULSEN M. , PRITHIVIRAJ B. , SIAM R. , SHI T. , SUZUKI H. , WERNER J. , ZAMBRANO M. , BHATTACHARYYA M.
The Lancet Microbe, 2021
Palabras clave: COVID-19 Resistencia antimicrobiana
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 26665247

Early transcontinental import of SARS-CoV-2 variant of concern 202012/01 (B.1.1.7) from Europe to Uruguay (Completo, 2021)

SALAZAR C. , COSTÁBILE A. , FERRÉS I. , PERBOLIANACHIS, P , PEREIRA-GÓMEZ M. , SIMÓN D. , GALIANA A. , PI B. , ANTELO V. , GARCÍA R. , MORENO P. , MORATORIO G. , IRAOLA G.
Frontiers in Virology, 2021
Palabras clave: SARS-CoV-2 COVID-19 Nanopore VOC Vigiliancia gen?mica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genómica viral
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2673818X
DOI: 10.3389/fviro.2021.685618

A global metagenomic map of urban microbiomes and antimicrobial resistance (Completo, 2021)

DANKO D. , BEZDAN D. , AFSHIN E. , AHSANUDDIN S. , BHATTACHARYA C. , BUTLER D. , CHNG REI K. , DONNELLAN D. , HECHT J. , JACKSON K. , KUCHIN K. , KARASIKOV M. , LYONS A. , MAK L. , MELESHKO D. , MUSTAFA H. , MUTAI B. , NECHES R. , NG A. , NIKOLAYEVA O. , NIKOLAYEVA T. , PNG E. , RYON K. , SANCHEZ J. , SHAABAN H. , SIERRA M. , THOMAS D. , YOUNG B. , ABUDAYYEH O. , ALICEA J. , BHATTACHARYYA M. , BLEKHMAN R. , CASTRO-NALLAR E. , CAÑAS A. , CHATZIEFTHIMIOU A. , CRAWFORD R. , DE FILIPPIS F. , DENG Y. , DESNUES C. , DIAS-NETO E. , DYBWAD M. , ELHAIK E. , ERCOLINI D. , FROLOVA A. , GANKIN D. , GOOTENBERG J. , GRAF A. , GREEN D. , HAJIRASOULIHA I. , HASTINGS J. , HERNANDEZ M. , IRAOLA G. , JANG S. , KHALES A. , KELLY F. , KNIGHTS K. , KYRPIDES N. , LABAJ P. , LEE P. , LEUNG M. , LJUNGDAHL P. , et al.
Cell, 2021
Palabras clave: Microbioma urbano Bioinform?tica Resistencia a antibi?ticos Metagen?mica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00928674
DOI: https://doi.org/10.1016/j.cell.2021.05.002
https://www.cell.com/cell/fulltext/S0092-8674(21)00585-7

Scopus

Accurate and fast identification of Campylobacter fetus in bulls by real-tie PCR targeting a 16S rRNA gene sequence (Completo, 2021)

IRAOLA G. , Delpiazzo R. , BARCELLOS M. , BARRIOS S. , FRAGA M. , BETANCOR L. , GIL J. , MORSELLA C. , PAOLICCHI F. , PÉREZ R. , RIET-CORREA F. , SANGUINETTI M. , SILVA A. , SILVEIRA, C.S. , CALLEROS L
Veterinary and Animal Science, v.: 11 2021
Palabras clave: Campylobacter Real-Time PCR Campylobacteriosis Bovinos Diagnóstico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2451943X
DOI: https://doi.org/10.1016/j.vas.2020.100163
Scopus

Emergence and spread of a B. 1.1. 28-derived P. 6 lineage with Q675H and Q677H Spike mutations in Uruguay (Completo, 2021)

REGO N. , SALAZAR C. , PAZ M. , COSTÁBILE A. , FAJARDO A. , FERRÉS I. , PERBOLIANACHIS P. , FERNÁNDEZ-CALERO T. , NOYA V. , MACHADO M. , BRANDES M. , ARCE R. , ARLEO M. , POSSI T. , REYES N. , BENTANCOR MN. , LIZASOAIN A. , BORTAGARAY V. , MOLLER A. , CHAPPOS O. , NIN N. , HURTADO J. , DUQUÍA M. , GRIFFERO L. , MÉNDEZ M. , TECHERA MP. , ZANETTI J. , PEREIRA E. , RIVERA B. , MAIDANA M. , ALONSO M. , SMIRCICH P. , ARANTES I. , MIR D. , ALONSO C. , MEDINA J. , ALBORNOZ H. , COLINA R. , BELLO G. , MORENO P. , MORATORIO G. , IRAOLA G. , SPANGENBERG L.
Viruses, v.: 11 2021
Palabras clave: SARS-CoV-2 COVID-19 Vigilancia genómica Variantes Secuenciación genómica Oxford Nanopore
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Vigilancia genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Virología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19994915
DOI: https://doi.org/10.3390/v13091801
Co-autores de correspondencia: L. Spangenberg, G. Iraola, P. Moreno, G. Moratorio.
Scopus

An object-oriented framework for evolutionary pangenome analysis (Completo, 2021) Trabajo relevante

FERRÉS I. , IRAOLA G.
Cell Reports Methods, v.: 1 2021
Palabras clave: Pangenoma R Software
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Desarrollo de software
ISSN: 26672375
DOI: https://doi.org/10.1016/j.crmeth.2021.100085

Protocol for post-processing of bacterial pangenome data using Pagoo pipeline (Completo, 2021)

FERRÉS I. , IRAOLA G.
STAR Protocols, v.: 2 4 , 2021
Palabras clave: R Pangenoma Evolución Protocolo Software
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Desarrollo de software
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 26661667
DOI: https://doi.org/10.1016/j.xpro.2021.100802

Real-time genomic surveillance for SARS-CoV-2 variants of concern, Uruguay (Completo, 2021)

REGO N. , COSTÁBILE, A , PAZ M. , SALAZAR C. , SPANGENBERG L. , FERRÉS I. , ARCE R. , FAJARDO A. , ARLEO M. , POSSI T. , REYES N. , BENTANCOR MN. , LIZASOAIN A. , BENITEZ-GALEANO MJ. , BORTAGARAY V. , MOLLER A. , BELLO G. , ARANTES I. , BRANDES M. , SMIRCICH P. , CHAPPOS O. , DUQUÍA M. , GONZÁLEZ B. , GRIFFERO L. , MÉNDEZ M. , TECHERA MP. , ZANETTI J. , RIVERA B. , MAIDANA M. , ALONSO M. , ALONSO C. , MEDINA J. , ALBORNOZ H. , COLINA R. , NOYA V. , IRAOLA G. , FERNÁNDEZ-CALERO T. , MORATORIO G. , MORENO P.
Emerging Infectious Diseases, v.: 27 2021
Palabras clave: Vigilancia genómica SARS-CoV-2 COVID-19 Secuenciación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica viral
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Vigilancia genómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 10806040
DOI: 10.3201/eid2711.211198
Scopus

Schwann cell reprogramming into repair cells increases miRNA-21 expression in exosomes promoting axonal growth (Completo, 2020)

López-Leal R. , Díaz-Viraqué F , IRAOLA G. , Catalán R. , Saquel C. , Enright A. , Court F.
Journal of Cell Science, v.: 133 12 , 2020
Palabras clave: miRNAs expresión génica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 14779137
DOI: 10.1242/jcs.239004
Scopus

Occurrence and diversity of Campylobacter species in captive chelonians (Completo, 2020)

De Luca C. , IRAOLA G. , Apostolakos I. , Boetto E. , Piccirillo A.
Veterinary Microbiology, v.: 241 p.:10856 2020
Palabras clave: Campylobacter
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Bacteriología
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 03781135
Scopus

Draft genome sequences of 40 pathogenic Leptospira strains isolated from cattle in Uruguay (Completo, 2019)

Nieves C , FERRÉS I. , Díaz-Viraqué F , BUSCHIAZZO, A. , ZARANTONELLI L , IRAOLA G.
Microbiology Resource Announcements, v.: 8 47 , 2019
Palabras clave: Leptospirosis Genómica Genómica microbiana Secuenciación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica Microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2576098X
DOI: 10.1128/MRA.00893-19

Urban metagenomics uncover antibiotic resistance reservoirs in coastal beach and sewage waters

(Completo, 2019) Trabajo relevante

Fresia P , ANTELO V. y/o Verónica Antelo , SALAZAR C. , Giménez, M. , D'Alessandro B. , Afshinnekoo E , Mason C , Gonnet G. , IRAOLA G.
Microbiome, 2019
Palabras clave: Microbioma Microbioma urbano Metagenómica Resistencia a antibióticos Playas Saneamiento Patógenos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20492618
DOI: https://doi.org/10.1186/s40168-019-0648-z
Scopus

The fecal, oral, and skin microbiota of children with Chagas disease treated with benznidazole (Completo, 2019)

ROBELLO, C. , Maldonado DP , Hevia A , Hoashi M , Frattaroli P , Montacutti V , Heguy A , Dolgalev I , Mojica M , IRAOLA G. , Domínguez-Bello MG
PLoS ONE, 2019
Palabras clave: Microbioma Chagas Benznidazole Trypanosoma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
DOI: https://doi.org/10.1371/journal.pone.0212593
Scopus WEB OF SCIENCE™

Nanopore sequencing significantly improves genome assembly of the protozoan parasite Trypanosoma cruzi (Completo, 2019)

Díaz-Viraqué F , PITA, S , GREIF, G. , Moreira de Souza RC , IRAOLA G. , ROBELLO, C.
Genome Biology and Evolution, v.: 11 7 , p.:1952 - 1957, 2019
Palabras clave: Enfermedad de Chagas Trypanosoma cruzi Oxford Nanopore Technologies Secuenciación de tercera generación Secuenciación genómica Ensamblado híbrido
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación e Información / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 17596653
DOI: https://doi.org/10.1093/gbe/evz129
Scopus WEB OF SCIENCE™

simurg: simulate bacterial pangenomes in R (Completo, 2019)

FERRÉS I. , IRAOLA G.
Bioinformatics, 2019
Palabras clave: Pangenoma Evolución neutral Software R
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 13674803
DOI: 10.1093/bioinformatics/btz735
Author de correspondencia
Scopus WEB OF SCIENCE™

Integrated genomic epidemiology and phenotypic profiling of Clostridium difficile across intra-hospital and community populations in Colombia (Completo, 2019)

Muñoz M , Restrepo-Montoya D , Kumar N , IRAOLA G. , Camargo M , Díaz-Arévalo D , Roa-Molina N , Tellez M , Herrera G , Ríos-Chaparro D , Birchendall C , Pinilla D , Pardo-Oviedo J , Rodríguez-Leguizamón G , Josa D , Lawley , Patarroyo A , Ramírez JD

Scientific Reports, 2019
Palabras clave: Clostridium difficile Genómica comparativa Colombia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación e Información / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20452322
DOI: 10.1038/s41598-019-47688-2
Scopus WEB OF SCIENCE™

Pathogenomics of emerging Campylobacter species (Completo, 2019) Trabajo relevante

COSTA, D. , IRAOLA G.
Clinical Microbiology Reviews, 2019
Palabras clave: Campylobacter; infecciones emergentes; genómica comparativa; patogenómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología clínica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 08938512
Scopus WEB OF SCIENCE™

Polyclonal Campylobacter fetus infections among unrelated patients, Montevideo, Uruguay, 2013-2018 (Completo, 2019)

COSTA, D. , BETANCOR L , GADEA P. , CABEZAS, L. , CAIATA L. , PALACIO R. , SEIJA V , A.Galiana , VIEYTES M. , CHRISTOPHERSEN I. , CALLEROS L , IRAOLA G.
Clinical Infectious Diseases, 2019
Palabras clave: Campylobacter Epidemiología Uruguay Campylobacter fetus Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 10584838
DOI: https://doi.org/10.1093/cid/ciz657
Scopus WEB OF SCIENCE™

Comparative genomics identifies potential virulence factors in Clostridium tertium and C. paraputrificum (Completo, 2019)

MUÑOZ M. , RESTREPO-MONTOYA D. , KUMAR N. , IRAOLA G. , HERRERA G. , RÍOS-CHAPARRO DI. , DÍAZ-ARÉVALO D. , PATARROYO MA. , LAWLEY TD. , RAMÍREZ JD.
Virulence, v.: 10 1 , p.:657 - 676, 2019
Palabras clave: Clostridium Virulencia Infecciones intrahospitalarias Genómica Secuenciación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21505594
DOI: https://doi.org/10.1080/21505594.2019.1637699
Scopus WEB OF SCIENCE™

Surveying what's flushed away (Completo, 2018)

IRAOLA G. , Kumar N
Nature Reviews Microbiology, v.: 16 456 , 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 17401526
DOI: https://doi.org/10.1038/s41579-018-0047-7
https://www.nature.com/articles/s41579-018-0047-7
Scopus WEB OF SCIENCE™

First Release of the Bacterial Biobank of the Urban Environment (BBUE) (Completo, 2018)

Antelo V , Salazar C , Martínez A , D'Alessandro B , Castro M , BETANCOR L , María Victoria Barcala

, Míguez D , Gonnet G , IRAOLA G.
Microbiology Resource Announcements, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Bacteriología
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2576098X
DOI: https://doi.org/10.1128/MRA.01201-18
https://mra.asm.org/content/7/16/e01201-18

The Tritryps comparative repeatome: insights on repetitive element evolution in Trypanosomatid pathogens (Completo, 2018)

PITA, S , Díaz-Viraqué F , IRAOLA G. , ROBELLO, C.
Genome Biology and Evolution, 2018
Palabras clave: Trypanosoma Repeatoma Secuenciación masiva Tripanosomátidos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 17596653
DOI: https://doi.org/10.1093/gbe/evz017
Scopus WEB OF SCIENCE™

Inter-and intracontinental migrations and local differentiation have shaped the contemporary epidemiological landscape of canine parvovirus in South America (Completo, 2018)

GRECCO S. , IRAOLA G. , Decaro N , Alfieri A , Alfieri AM , Calderón MG , da Silva AP , Name D , Aldaz J , CALLEROS L , Marandino A , Tomás G , Maya L , Francia L , PANZERA, Y. , PÉREZ R
Virus Evolution, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución viral
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20571577
DOI: https://doi.org/10.1093/ve/vey011
https://academic.oup.com/ve/article/4/1/vey011/4965880

MLSTar: automatic multilocus typing of bacterial genomes in R (Completo, 2018)

FERRÉS I. , IRAOLA G.
PeerJ, v.: 6 e2663, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21678359
Scopus WEB OF SCIENCE™

Biodiversity of environmental Leptospira: improving identification and revisiting the diagnosis (Completo, 2018)

Thibeaux R , Girault D , Bierque E , Soupé-Gilbert ME , Rettinger A , Douyere A , Meyer M , IRAOLA G. , Picardeau M , Goarant C
Frontiers in Microbiology, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 1664302X
DOI: 10.1099/mgen.0.000144
http://mgen.microbiologyresearch.org/content/journal/mgen/10.1099/mgen.0.000144
Scopus WEB OF SCIENCE™

Whole genome sequencing of the monomorphic pathogen Mycobacterium bovis reveals local

differentiation of cattle clinical isolates (Completo, 2018)

LASSERRE, M. , Fresia P , GREIF, G. , IRAOLA G. , Castro-Ramos M , , Alvaro NÚÑEZ FERNANDEZ , NAYA H , ROBELLO, C. , BERNA, L.
BMC Genomics, 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 14712164
DOI: https://doi.org/10.1186/s12864-017-4249-6
https://bmcgenomics.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12864-017-4249-6
Scopus WEB OF SCIENCE™

Deciphering the unexplored Leptospira diversity from soils uncovers genomic evolution to virulence (Completo, 2018) Trabajo relevante

Thibeaux R , IRAOLA G. , FERRÉS I. , Bierque E , Girault D , Soupé-Gilbert ME , Picardeau M , Goarant C
Microbial Genomics, v.: 4 2018
Palabras clave: Leptospira Diversidad Taxonomía genómica Virulencia Evolución Genómica comparativa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20575858
DOI: 10.1099/mgen.0.000144
http://mgen.microbiologyresearch.org/content/journal/mgen/10.1099/mgen.0.000144
Primer autor compartido con Roman Thibeaux.

Phylen: automatic phylogenetic reconstruction using the EggNOG database (Completo, 2018)

FERRÉS I. , IRAOLA G.
The Journal of Open Source Software, 2018
Palabras clave: Filogenética Filogenómica bacteriana R
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética
ISSN: 24759066
DOI: 10.21105/joss.00593
https://joss.theoj.org/papers/aeedb5e6a0e6d0cd88ec273eb50e1254
Autor de correspondencia.

Distinct Campylobacter fetus lineages adapted as livestock pathogens and human pathobionts in the intestinal microbiota (Completo, 2017) Trabajo relevante

IRAOLA G. , FORSTER S. , KUMAR N , LEHOURS P , BEKAL S. , GARCíA-PEñA F. , PAOLICCHI F , MORSELLA C , HOTZEL H. , HSUEH PR. , VIDAL A. , LEVéSQUE S. , YAMAZAKI W. , BALZAN C. , VARGAS A. , PICCIRILLO A , CHABAN B. , HILL J. , BETANCOR L , COLLADO L , TRUYERS I. , MIDWINTER A. , DAGI HT. , MéGRAUD F. , CALLEROS L. , PÉREZ R. , NAYA H , LAWLEY T.D.
Nature Communications, v.: 8 1 , 2017
Palabras clave: Campylobacter fetus Genómica Microbiota Adaptación Patobionte
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 20411723
DOI: 10.1038/s41467-017-01449-9
Autor de correspondencia compartido con Trevor D. Lawley.
Scopus WEB OF SCIENCE™

Campylobacter ornithocola sp. nov., a new member of the Campylobacter lari group isolated from wild

bird faecal samples (Completo, 2017)

CáCERES A , MUñOZ I , IRAOLA G. , DíAZ-VIRAQUé F , COLLADO L
INTERNATIONAL JOURNAL OF SYSTEMATIC AND EVOLUTIONARY MICROBIOLOGY, 2017
Palabras clave: Campylobacter Taxonomía genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 14665034

Leptospira venezuelansiae sp. nov., a new intermediate species isolated from rats, cattle and humans (Completo, 2017)

PUCHE R , FERRéS I , CARABALLO L , PICARDEAU M , TAKRIFF H , IRAOLA G.
INTERNATIONAL JOURNAL OF SYSTEMATIC AND EVOLUTIONARY MICROBIOLOGY, 2017
Palabras clave: Leptospira Taxonomía genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 14665034
Autor de correspondencia.

Genomic and clinical evidence uncovers the enterohepatic species Helicobacter valdiviensis as a potential human instestinal pathogen (Completo, 2017)

FRESIA P , JARA R , SIERRA R , FERRéS I , GREIF G , IRAOLA G. , COLLADO L
Helicobacter, 2017
Palabras clave: Genómica Helicobacter Enteroepática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 10834389
DOI: 10.1111/hel.12425
Autor de correspondencia compartido con Luis Collado.
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Assessing the intra-species genetic variability in the clonal pathogen Campylobacter fetus: CRISPRs are highly polymorphic DNA markers (Completo, 2017)

CALLEROS L. , BETANCOR L , IRAOLA G. , MÉNDEZ A , MORSELLA C , PAOLICCHI F , SILVEYRA S , VELILLA A , PÉREZ R.
Journal of Microbiological Methods, v.: 132 p.:86 - 94, 2017
Palabras clave: Campylobacter fetus CRISPR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 01677012
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Transcriptome sequencing reveals wide expression reprogramming of basal and unknown genes in Leptospira biflexa biofilms (Completo, 2016) Trabajo relevante

IRAOLA G. , SPANGENBERG L , LOPES BASTOS B , GRAñA M , VASCONCELOS L , ALMEIDA A , GREIF G , ROBELLO C , RISTOW P , NAYA H

mSphere, 2016
Palabras clave: Leptospira biofilms transcriptoma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 23795042

A novel real-time PCR assay for quantitative detection of Campylobacter fetus based on ribosomal sequences (Completo, 2016)

IRAOLA G. , PÉREZ R. , BETANCOR L , MARANDINO A. , MORSELLA C , MÉNDEZ A , PAOLICCHI F , PICCIRILLO A , CALLEROS L.
BMC Veterinary Research, 2016
Palabras clave: Campylobacter fetus Campylobacteriosis Real-Time PCR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 17466148
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Campylobacter geochelonis sp. nov. isolated from the western Hermann's tortoise (Testudo hermanni hermanni) (Completo, 2016)

NIERO G , PICCIRILLO A , CALLEROS L. , PÉREZ R. , NAYA H , IRAOLA G.
INTERNATIONAL JOURNAL OF SYSTEMATIC AND EVOLUTIONARY MICROBIOLOGY, p.:3468 - 3476, 2016
Palabras clave: Campylobacter Testudo hermanni Reptiles Taxonomía Filogenética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Taxonomía bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 14665034
DOI: 10.1099/ijsem.0.001219
Autor de correspondencia compartido con Alessandra Piccirillo.

Genetic characterization of South American Infectious Bursal Disease Virus reveals the existence of a distinct worldwide-spread genetic lineage (Completo, 2015)

HERNÁNDEZ M. , TOMÁS G , MARANDINO A. , IRAOLA G. , MAYA L. , MATTION N , HERNÁNDEZ D. , VILLEGAS P , BANDA A , PANZERA Y. , PÉREZ R.
Avian Pathology, 2015
Palabras clave: Evolución IBDV Filogenética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 03079457
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Phylodynamics analysis of avian infectious bronchitis virus in South America (Completo, 2015)

MARANDINO A. , PEREDA A , TOMÁS G , HERNÁNDEZ M. , IRAOLA G. , CRAIG MI , HERNÁNDEZ D. , BANDA A , VILLEGAS P , PANZERA Y. , PÉREZ R.
Journal of General Virology, 2015
Palabras clave: Filodinámica Virus de la Bronquitis Infecciosa Aviar Evolución
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral
Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00221317
Scopus WEB OF SCIENCE™

A rural worker infected with a bovine-prevalent genotype of Campylobacter fetus subsp. fetus supports zoonotic transmission and inconsistency of MLST and whole-genome typing (Completo, 2015)

IRAOLA G. , BETANCOR L , CALLEROS L. , GADEA P , ALGORTA G , GALEANO S , MUXI P , GREIF G , PÉREZ R.
European Journal of Clinical Microbiology & Infectious Diseases, v.: 34 8 , p.:1593 - 1596, 2015
Palabras clave: Campylobacter fetus MLST Genómica Cancer Bacteremia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
ISSN: 09349723
DOI: 10.1007/s10096-015-2393-y
https://link.springer.com/article/10.1007%2Fs10096-015-2393-y
Autor de correspondencia.
Scopus WEB OF SCIENCE™

Molecular phylogeography of canine distemper virus: geographic origin and global spreading (Completo, 2015)

PANZERA Y. , SARUTE N , IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , PÉREZ R.
Molecular Phylogenetics and Evolution, 2015
Palabras clave: Filogeografía Virus Distemper Canino Evolución viral
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución viral
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 10959513
Scopus

Whole-genome sequences of Mycobacterium bovis strain MbURU-001, isolated from fresh bovine infected samples (Completo, 2015)

LASSERRE M , BERNÁ L , GREIF G , DíAZ-VIRAQUé F , IRAOLA G. , NAYA H , CASTRO-RAMOS M , JUAMBELTZ A , ROBELLO C
Genome Announcements, 2015
Palabras clave: Genómica tuberculosis Mycobacterium
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
ISSN: 21698287

Phylogenetic and Genome-Wide Deep-Sequencing Analyses of Canine Parvovirus Reveal Co-Infection with Field Variants and Emergence of a Recent Recombinant Strain (Completo, 2014)

PÉREZ R. , CALLEROS L. , MARANDINO A. , SARUTE N , IRAOLA G. , GRECCO S , BLANC H , VIGNUZZI M , ISAKOV O , SHOMRON N , CARRAU L , HERNÁNDEZ M. , FRANCIA L , SOSA K , TOMÁS G , PANZERA Y.
PLoS ONE, 2014
Palabras clave: Secuenciación Parvovirus Recombinación Co-infección
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
Scopus WEB OF SCIENCE™

Whole-Genome Sequencing of an Isoniazid-Resistant Clinical Isolate of Mycobacterium tuberculosis Strain MtURU-002 from Uruguay (Completo, 2014)

BERNÁ L , IRAOLA G. , GREIF G , COITINHO C , RIVAS C , NAYA H , ROBELLO C

Genome Announcements, 2014
Palabras clave: NGS Genómica tuberculosis Mycobacterium
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
ISSN: 21698287

Complete genome sequence of Mycobacterium tuberculosis strain MtURU-001, isolated from a rapidly progressing outbreak in Uruguay (Completo, 2014)

GREIF G , IRAOLA G. , BERNÁ L , COITINHO C , RIVAS C , NAYA H , ROBELLO C
Genome Announcements, 2014
Palabras clave: NGS Mycobacterium
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21698287

Genomic evidence for the emergence and evolution of pathogenicity and niche preferences in the genus Campylobacter (Completo, 2014) Trabajo relevante

IRAOLA G. , PÉREZ R. , NAYA H , PAOLICCHI F , PASTOR E , VALENZUELA S , CALLEROS L. , VELILLA A , HERNÁNDEZ M. , MORSELLA C
Genome Biology and Evolution, 2014
Palabras clave: Patogenicidad Campylobacter sputorum Tropismo de tejido Genómica bacteriana Patgenicidad
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Bacteriana
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 17596653
Autor de correspondencia.
Scopus WEB OF SCIENCE™

Phylodynamics analysis of canine parvovirus in Uruguay: evidence of two successive invasions by different variants (Completo, 2013)

MAYA L. , CALLEROS L. , FRANCIA L , HERNÁNDEZ M. , IRAOLA G. , PANZERA Y. , SOSA K , PÉREZ R.
Archives of Virology, 2013
Palabras clave: Canine Parvovirus Phylodynamics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Vienna
ISSN: 03048608
http://www.springer.com/biomed/virology/journal/705
Scopus WEB OF SCIENCE™

Glycerol-3-phosphate dehydrogenase Isoforms´ Differential Expression in Flight Muscles of the Chagas Disease Vector Triatoma infestans (Hemiptera, Reduviidae) (Completo, 2013)

STOPPA M. , LAGUNAS M , GARCÍA B. , PANZERA Y. , IRAOLA G. , GEREZ DE BURGOS N
American Journal of Tropical Medicine and Hygiene, 2013
Palabras clave: Triatoma infestans Chagas Glycerol-3-fosfato deshidrogenasa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00029637
Scopus WEB OF SCIENCE™

High local genetic diversity of canine parvovirus from Ecuador (Completo, 2013)

ALDAZ J , GARCÍA J , CALLEROS L. , SOSA K , IRAOLA G. , MARANDINO A. , HERNÁNDEZ M. , PANZERA Y. , PÉREZ R.
Veterinary Microbiology, 2013
Palabras clave: Parvovirus canino Ecuador
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 03781135
Scopus WEB OF SCIENCE™

Complete genome sequence of Campylobacter fetus subsp. venerealis biovar. intermedius, isolated from the prepuce of a bull (Completo, 2013)

IRAOLA G. , PÉREZ R. , NAYA H , PAOLICCHI F , HARRIS D , LAWLEY T , REGO N , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , CARRETTO L. , VELILLA A , MORSELLA C , MÉNDEZ A , GIOFFRE A
Genome Announcements, 2013
Palabras clave: Campylobacter fetus venerealis intermediusCampylobacteriosis Secuenciación genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21698287
Autor de correspondencia.

Reduced set of virulence genes allows high accuracy prediction of bacterial pathogenicity in humans (Completo, 2012) Trabajo relevante

IRAOLA G. , VAZQUEZ G. , SPANGENBERG L , NAYA H
PLoS ONE, v.: 7 8 e42144, p.:1 - 14, 2012
Palabras clave: Machine Learning bacterial pathogenicityvirulence genes
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Patogenicidad bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
http://www.plosone.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.pone.0042144
Scopus WEB OF SCIENCE™

Application of a multiplex PCR assay for detection and subspecies differentiation of Campylobacter fetus from uncultured samples of bovine aborted fetuses (Completo, 2012) Trabajo relevante

IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , PAOLICCHI F , SILVEYRA S , CARRETTO L. , VELILLA A , RODRÍGUEZ E , PÉREZ R.
Journal of Veterinary Science, v.: 13 4 , p.:371 - 376, 2012
Palabras clave: Multiplex PCR Campylobacter fetus
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 1229845X
Scopus WEB OF SCIENCE™

NO ARBITRADOS

Multiple introductions, regional spread and local differentiation during the first week of COVID-19 epidemic in Montevideo, Uruguay (Completo, 2020)

SALAZAR C. , Díaz-Viraqué F , MARIANOEL PEREIRA-GÓMEZ , FERRÉS I. , MORENO P , MORATORIO G. , IRAOLA G.

BioRxiv, 2020
Palabras clave: SARS-CoV-2 COVID-19 Epidemiología genómica Oxford Nanopore
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Virología
Medio de divulgación: Internet
ISSN: CCBCCB
DOI: 10.1101/2020.05.09.086223

Wedding higher taxonomic ranks with metabolic signatures coded in prokaryotic genomes (Completo, 2016)

IRAOLA G. , NAYA H

BioRxiv, 2016
Palabras clave: Machine learning Taxonomía
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: CCBCCB
https://www.biorxiv.org/content/early/2016/04/22/044115

LIBROS

Pathogenesis of Bacterial Infections in Animals (Participación , 2022)

IRAOLA G. , Boyce
Publicado
Editorial: John Wiley & Sons
Tipo de puplicación: Material didáctico
Referado
Escrito por invitación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Papel
ISSN/ISBN: 978-1-119-75479-4

Capítulos:
Understanding Pathogenesis Through Pathogenomics and Bioinformatics
Organizadores: Wiley-Blackwell
Página inicial 32, Página final 55

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Pangenome estimation takes a walk inside taxonomy (2018)

Ferrés I , IRAOLA G.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: X-meeting
Ciudad: Sao Pedro
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet

Clinical cases of Mycobacterium tuberculosis in Uruguay boarded by whole genome sequencing (2014)

IRAOLA G. , GREIF G , BERNÁ L , COITINHO C , RIVAS C , NAYA H , ROBELLO C
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network
Ciudad: París

Año del evento: 2014
Publicación arbitrada
Palabras clave: Genómica tuberculosis Mycobacterium
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Genomic evidences for the emergence and evolution of pathogenicity and tissue tropism in the genus Campylobacter (2014)

IRAOLA G. , PÉREZ R. , NAYA H , PAOLICCHI F , PASTOR E , VALENZUELA S , CALLEROS L. , VELILLA A , MORSELLA C , HERNÁNDEZ M. , MÉNDEZ A
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Microbiology after the genomic era
Ciudad: París
Año del evento: 2014
Palabras clave: Campylobacter Genómica Patogenicidad
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Genome-wide characterization of Mycobacterium tuberculosis otbreaks in the low-risk uruguayan population (2014)

IRAOLA G. , GREIF G , BERNÁ L , NAYA H , ROBELLO C
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Microbiology after the genomic era
Ciudad: París
Año del evento: 2014
Palabras clave: Genómica Mycobacterium tuberculosis
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Dinámica evolutiva de la familia de proteínas Old Yellow Enzyme: la prostaglandina f2a sintasa de Trypanosoma cruzi (2014)

DíAZ-VIRAQUé F , IRAOLA G. , ROBELLO C
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Año del evento: 2014
Palabras clave: Old Yellow EnzymeTrypanosoma cruzi
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Evolución Molecular
Medio de divulgación: Otros

Evolución genómica de la patogenicidad y el tropismo de tejido en el género Campylobacter (2014)

IRAOLA G. , PASTOR E , PAOLICCHI F , CALLEROS L. , VALENZUELA S , VELILLA A , HERNÁNDEZ M. , MORSELLA C , MÉNDEZ A , NAYA H , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Año del evento: 2014
Palabras clave: Campylobacter Genómica Patogenicidad
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Uso de CRISPRs (Clustered Regularly Interspaced Short Palindromic Repeat) como herramienta para la tipificación genética del patógeno clonal Campylobacter fetus. (2013)

CALLEROS L. , VELILLA A , MORSELLA C , MÉNDEZ A , HERNÁNDEZ M. , IRAOLA G. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XIII Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2013
Palabras clave: Campylobacter CRISPR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Detección mediante bacteriología y Real Time PCR de Campylobacter fetus subespecie fetus y subespecie venerealis en muestras de bovinos experimentalmente infectados. (2013)

VELILLA A , IRAOLA G. , MORSELLA C , MÉNDEZ A , CALLEROS L. , PÉREZ R. , PAOLICCHI F
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XIII Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2013
Palabras clave: Campylobacter PCR Infección experimental
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Análise bioinformática de genes implicados na formação de biofilmes de Leptospira (2013)

DOS SANTOS RIBEIRO P , LIMA G , SPANGENBERG L , IRAOLA G. , DA CUNHA S , CAFEZEIRO G , ALMEIDA A , VASCONCELOS L , NAYA H , RISTOW P
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congresso Brasileiro de Microbiologia
Año del evento: 2013
Palabras clave: Leptospira Biofilm Leptospirosis
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Identificación de marcadores para el estudio de la variabilidad genética en Campylobacter fetus (2012)

CALLEROS L. , HERNÁNDEZ M. , IRAOLA G. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXI Congreso de la Asociación Latinoamericana de Microbiología
Ciudad: Santos
Año del evento: 2012
Palabras clave: variabilidad CRISPR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet

Shedding light into bacterial pathogenicity prediction: a machine learning approach (2012)

IRAOLA G. , VAZQUEZ G. , SPANGENBERG L , NAYA H
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: ISCB-LA

Ciudad: Santiago de Chile
Año del evento: 2012
Palabras clave: Machine Learning Bacterial pathogenicity prediction
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Papel

Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos (2012)

IRAOLA G. , SPANGENBERG L , VAZQUEZ G. , NAYA H
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Piriápolis
Año del evento: 2012
Palabras clave: Patogenicidad bacteriana
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Papel

Modeling the emergence of new human pathogens: bacteria as their own worst friends (2012)

IRAOLA G. , SPANGENBERG L , VALENZUELA S , NAYA H
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region
Año del evento: 2012
Palabras clave: Bacteria Patogenicidad Emergente
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Otros

Estudios de la organización del gen GPDH en Rhodnius prolixus y Triatoma infestans (Hemiptera-Reduviidae) (2011)

STROPPA MM , CARRIAZO C , LAGUNAS M , IRAOLA G. , PANZERA Y. , GEREZ DE BURGOS N
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: IX Congreso Argentino de Protozoología y Enfermedades Parasitarias
Ciudad: Mar del Plata, Argentina
Año del evento: 2011
Anales/Proceedings:Revista Médica de Rosario
Volumen:77
ISSN/ISBN: 03275019
Palabras clave: GDPH Triatoma Rhodnius
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética
Medio de divulgación: Papel

Genética aplicada al estudio de virus aviares (2011)

HERNÁNDEZ M. , TOMÁS G , MARANDINO A. , IRAOLA G. , MAYA L. , HERNÁNDEZ D. , PANZERA Y. , FERRARA F. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Local
Descripción: II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2011
Palabras clave: PCR Diagnóstico Virus aviares
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética

Viral
Medio de divulgación: Internet

Análisis de la variabilidad genética de Campylobacter fetus en Uruguay mediante MLST (2011)

CALLEROS L. , HERNÁNDEZ M. , IRAOLA G. , SILVEYRA S , CARRETTO L.
Publicado
Resumen
Evento: Local
Descripción: II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2011
Palabras clave: Campylobacter fetus MLST Variabilidad genética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Genómica comparativa del género Campylobacter: identificación de nuevos blancos de diagnóstico para C. fetus (2010)

IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , CARRETTO L. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Urugaya de Biociencias
Ciudad: Pirápolis
Año del evento: 2010
Palabras clave: Genómica comparativa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Internet
www.pasteur.edu.uy/sub

Detección de Campylobacter fetus venerealis mediante multiplex PCR (2010)

IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , CARRETTO L. , SILVEIRA S. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2010
Anales/Proceedings:XX Congreso Latinoamericano de Microbiología - Presentación oral
Pagina inicial: 32
ISSN/ISBN: 9789974819429
Palabras clave: Campylobacter Multiplex PCR Diagnóstico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Papel
www.alam2010.org.uy
Este trabajo fue seleccionado para ser presentado en forma oral

Desarrollo de un método molecular basado en RealTime PCR para el diagnóstico de Campylobacter fetus venerealis (2010)

IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , CARRETTO L. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XII Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2010
Anales/Proceedings:XII Congreso Argentino de Microbiología
Palabras clave: Campylobacter RealTime PCR Diagnóstico
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Papel
www.aam.org.ar

Diagnóstico y caracterización de subespecies de Campylobacter fetus circulantes en ganado bovino uruguayo (2009)

IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , SILVERA S. , CARRETTO L. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: VI Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2009
Palabras clave: Campylobacter, Diagnóstico, PCR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana
Medio de divulgación: CD-Rom

Detección Molecular de Campylobacter fetus en ganado bovino uruguayo (2009)

CALLEROS L. , IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CARRETTO L. , PÉREZ R.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Regional
Descripción: Sextas Jornadas Técnicas de Veterinaria
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2009
Palabras clave: Campylobacter, Diagnóstico, PCR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet
www.fvet.edu.uy

TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS

El cosquilleo intestinal que salvó al mundo (2018)

ECOS Uruguay
Periodicos
IRAOLA G.

Medio de divulgación: Internet

El camino del conocimiento es la recompensa (2018)

ECOS Uruguay
Periodicos
IRAOLA G.

Medio de divulgación: Internet
http://ecos.la/WW/18/opinion/2018/07/26/25400/el-camino-del-conocimiento-es-la-recompensa/

Una sola salud y el efecto mariposa (2018)

ECOS Uruguay
Periodicos
IRAOLA G.

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Resistencia antimicrobiana
Medio de divulgación: Internet
Fecha de publicación: 21/04/2018

http://ecos.la/LA/18/opinion/2018/04/21/22693/una-sola-salud-y-el-efecto-mariposa/

Producción técnica

PRODUCTOS

Pagoo (2021)

Software, Otra
FERRÉS I. , IRAOLA G.

País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestricta
Patente o Registro:

Otros registros
https://github.com/iferres/pagoo, Pagoo
Depósito: 10/08/2021; Examen: ; Concesión:
Patente nacional: NO
Palabras clave: Genómica comparativa R Orientación a objetos Pangenoma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet

MLSTar (2018)

Software, Otra
FERRÉS I. , IRAOLA G.
Software escrito en R para genotipificación de bacterias usando datos genómicos
País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestricta
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética
Medio de divulgación: Internet
https://github.com/iferres/MLSTar

Pewit (2018)

Software, Otra
FERRÉS I. , Fresia P , IRAOLA G.
Reconstrucción de pan-genomas bacterianos
País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestricta
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana
Medio de divulgación: Internet
https://github.com/iferres/Pewit

Phylen (2018)

Software, Otra
FERRÉS I. , IRAOLA G.
Reconstrucción filogenética utilizando la base de datos EggNOG
País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestricta
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética
Medio de divulgación: Internet
https://github.com/iferres/phylen

Bacfier (2014)

Software, Otra
SPANGENBERG L , IRAOLA G. , VAZQUEZ G. , NAYA H

Predicción de patogenicidad bacteriana a partir de datos genómicos
País: Uruguay
Palabras clave: Patogenicidad bacteriana Genómica Predicción
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica
Medio de divulgación: CD-Rom

TRABAJOS TÉCNICOS

Métodos moleculares para el diagnóstico y tipificación de Brucelosis: aplicabilidad, desarrollo y transferencia de tecnologías (2015)

Informe o Pericia técnica
IRAOLA G.
Asesoramiento en herramientas para el diagnóstico molecular de patógenos bacterianos
País: Uruguay
Idioma: Español
Ciudad: Montevideo
Número de páginas: 5
Duración: 1 mes
Palabras clave: PCR Diagnóstico MLST Brucella
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Otras Producciones

CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

Molecular, genomic and metagenomic tools to combat antimicrobial resistance (2019)

IRAOLA G.
Otro
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Organizador
Duración: 1 semanas
Lugar: Institut Pasteur Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Herramientas básicas de bioinformática con aplicaciones en metagenómica (2019)

NAYA H , GRAÑA, M. , Fresia P , IRAOLA G.
Otro
País: Bolivia
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Docente
Duración: 2 semanas
Lugar: Universidad Mayor de San Andrés
Ciudad: La Paz
Institución Promotora/Financiadora: Universidad Mayor de San Andrés
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Hands-on microbiome data analysis: tools for understanding microbial communities in health and disease (2018)

IRAOLA G.
Otro
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Organizador
Duración: 1 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Metagenómica funcional y descriptiva como herramientas de bioprospección (2018)

IRAOLA G.
Otro
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Docente
Duración: 2 semanas
Lugar: Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Hands-on metagenomics data analysis: tools for bioprospection in clinical and environmental microbiology (2017)

IRAOLA G.
Otro
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Web: pasteur.uy
Tipo de participación: Organizador
Unidad: Unidad de Bioinformática
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Palabras clave: Metagenómica Microbioma Análisis de datos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Información adicional: Financiado por UNU-Biolac, Embajada Francesa en Uruguay e Institut Pasteur de Montevideo.

Hands-on course on high-throughput sequencing data analysis (2014)

IRAOLA G.
Otro
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Docente
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Vinculación con Científicos y Tecnólogos del Exterior (2022)

Uruguay
Agencia Nacional de Investigación e Innovación (ANII)
Cantidad: Menos de 5

Comisión Sectorial de Investigación Científica (CSIC) (2021)

Uruguay
Cantidad: Menos de 5

Fondo María Viñas (2020 / 2021)

Uruguay
Cantidad: De 5 a 20

FONDECYT (2018)

Chile
Cantidad: Menos de 5

BBSRC/NERC-CONICET Joint Awards for AMR in the Environment (2018)

Argentina
British Bioscience Research Council
Cantidad: Menos de 5

Agencia Nacional de Investigación e Innovación (2015)

Uruguay
Agencia Nacional de Investigación e Innovación
Cantidad: De 5 a 20

Agencia Nacional de Promoción de Ciencia y Tecnología (ANPCyT) (2015)

Argentina
Agencia Nacional de Promoción de Ciencia y Tecnología (ANPCyT)
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

COMITÉ EDITORIAL

Frontiers in Cellular and Infection Microbiology (2022)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Frontiers in Genetics (2020)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

REVISIONES

Cell Reports Methods (2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Frontiers in Genetics (2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

ISME Communications (2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

PLoS Genetics (2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Microbial Genomics (2020)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Microbiome (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Bioinformatics (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

BMC Microbiology (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PeerJ (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Infection, Genetics and Evolution (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

eLife (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Clinical Microbiology and Infection (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Science of the Total Environment (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Open Source Software (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Royal Society Open Science (2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Journal of Microbiological Methods (2016 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Gene (2015)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

XLI Encuentro Anual de la Sociedad Chilena de Bioquímica y Biología Molecular (2018)

Revisiones
Chile

X-meeting (2018)

Revisiones
Brasil

Sociedad Brasileña de Biología Computacional

EVALUACIÓN DE PREMIOS

Premios INJU 2020 (2020)

Evaluación de premios y concursos

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Cargo concursable proyecto ANII "Centro Uruguayo de Metagenómica" (2017)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5

Cargo concursable proyecto ANII-FSSA-X-2014-1-105252 (2016)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5

JURADO DE TESIS

Ingeniería en Biotecnología (2021)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Privado / Universidad ORT Uruguay / Facultad de Ingeniería , Uruguay
Nivel de formación: Grado

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Desarrollo, implementación y optimización de herramientas de genómica comparativa para el género Leptospira

Tesis de maestria
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioinformática , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Ignacio Ferrés
País: Uruguay
Palabras Clave: Genómica Leptospira Pangenoma MLST
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Detección y caracterización de plásmidos asociados a resistencia a antibióticos en muestras de la PenInsula Fildes fisla Rey forge)

Tesis de maestria
Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Matías Giménez
País: Uruguay
Palabras Clave: Plásmidos Metagenómica Antártida Resistencia a antimicrobianos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

GRADO

Caracterización de patógenos bacterianos en ambulancias

Tesis/Monografía de grado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Pablo Valdez
País: Uruguay
Palabras Clave: Microbioma Ambulancias Patógenos Resistencia a antimicrobianos Metagenómica Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica Microbiana

Estudios genómicos en Campylobacter sputorum bv. sputorum

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Privado / Universidad ORT Uruguay / Facultad de Ingeniería , Uruguay
Programa: Licenciatura en Biotecnología
Nombre del orientado: Eugenia Pastor
País: Uruguay
Palabras Clave: Campylobacter Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Identificación de los genes involucrados en el metabolismo del ácido siálico en Leptospira

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas
Nombre del orientado: Gabriel Martínez
País: Uruguay
Palabras Clave: Leptospira Ácido siálico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Metagenómica funcional aplicada al descubrimiento de nuevas enzimas (2022)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (IRAOLA G. , MANTA B)
Nombre del orientado: Valeria Florez

País/Idioma: Uruguay, Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica Microbiana

Análisis de comunidades microbianas de suelo en sistemas ganaderos sobre campo natural (2020)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Matías Giménez
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Microbioma del suelo Campo natural Resistencia a antibióticos Carbono Metagenómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Diversidad, evolución y genómica comparada del género Leptospira (2019)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana , Uruguay
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Ignacio Ferrés
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Leptospira Bioinformática Leptospirosis Genómica comparativa Evolución
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Análisis metagenómico de la microbiota fecal de bovinos durante la infección con Fasciola hepatica utilizando tecnología Oxford Nanopore (2018)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Cecilia Salazar
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: Uruguay, Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Genómica aplicada al estudio de Campylobacter fetus en humanos y animales de producción (2016)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Daniela Costa
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Campylobacter fetus Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

OTRAS

A city-scale molecular map of antimicrobial resistance among hospital settings, the urban environment

and human population: towards the application of metagenomics for the assessment of stewardship programs (2020)

Orientación de posdoctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Andrés Parada
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Metagenómica Genómica microbiana Resistencia a antibióticos Microbioma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Rol de la microbiota intestinal en la respuesta a inmunoterapias contra el cáncer en Uruguay (2020)

Orientación de posdoctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Nadia Riera Faraone
Medio de divulgación: Otros
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Microbiota Inmunoterapia Melanoma Cáncer de pulmón
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Clínica / Oncología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma humano

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Pasteur Network Talent Award (2021)

(Internacional)
Institut Pasteur International Network (RIIP)

León de Oro (2021)

(Nacional)
Club de Leones de Cardona y Florencio Sánchez

Reconocimiento de la Academia Nacional de Ciencias (2021)

(Nacional)
Academia Nacional de Ciencias
Reconocimiento por la labor durante la pandemia por COVID-19 en Uruguay.

Beca de Doctorado (2014)

(Nacional)
CSIC

Beca de Maestría (2012)

(Nacional)
Comisión Sectorial de Investigación Científica (CSIC)

Mejor poster (SUB) (2012)

(Nacional)
Sociedad Uruguaya de Biociencias
Premio al mejor poster, titualdo "Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos", presentado en el congreso de la Sociedad Uruguaya de Biociencias 2012

Beca de Maestría (2011)

(Nacional)
CSIC

Beca de Iniciación a la Investigación (2010)

(Nacional)
Agencia Nacional de Investigación e Innovación

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Global Microbiome Network - Fist Latin American Symposium (2021)

Congreso
The Latinbiota Consortium: understanding the gut microbiome composition and variability in LatAm populations
Perú
Tipo de participación: Conferencista invitado Palabras Clave: Microbioma América Latina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

XXV Congreso Latinoamericano de Microbiología (2021)

Congreso
Presentación de 30 minutos en el simposio sobre microbiología ambiental
Paraguay
Tipo de participación: Conferencista invitado Palabras Clave: Microbiología ambiental Gen?mica microbiana Metagen?mica Bioinform?tica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica microbiana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica

Congreso Latinoamericano del Microbioma (2021)

Congreso
Presentación de 20 minutos sobre microbioma intestinal de poblaciones latinoamericanas
México
Tipo de participación: Conferencista invitado
Nombre de la institución promotora: Universidad Autónoma de México (UNAM) Palabras Clave: Microbioma Metagen?mica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Metagenómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma humano

First Latinbiota Consortium Meeting (2021)

Encuentro
Primer encuentro virtual del Consorcio Latinbiota
Uruguay
Tipo de participación: Moderador Palabras Clave: Microbioma América Latina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

XVII Congreso Uruguayo de Medicina Intensiva (2021)

Congreso

Aportes de la biología molecular y la metagenómica en el combate de la multi-resistencia
Uruguay
Tipo de participación: Conferencista invitado Palabras Clave: Metagenómica Resistencia a antibióticos Microbiología clínica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

19th European Conference on Computational Biology (2020)

Congreso
Conferencista en la sección "Global Bioinformatics Communities Latin America"
España
Tipo de participación: Conferencista invitado Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

RIIP South American Regional Meeting (2019)

Taller
Surveying what?s flushed away: using urban wastewater as a proxy to population?s health
Brasil
Tipo de participación: Conferencista invitado
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur International Network Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

XVII Congreso Latinoamericano de Genética (2019)

Congreso
Surveying the gut microbiota from urban wastewater: implications in risk assessment and public health
Argentina
Tipo de participación: Conferencista invitado
Nombre de la institución promotora: Sociedad Latinoamericana de Genética Palabras Clave: Metagenómica Microbioma Patógenos Resistencia a antibióticos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

X-meeting (2018)

Congreso
Bacterial pangenome estimation walks inside taxonomy
Brasil
Tipo de participación: Conferencista invitado
Nombre de la institución promotora: Sociedad Brasileña de Biología Computcional Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network (2018)

Congreso
City-wide metagenomics uncover antibiotic resistance reservoirs in urban beach and sewage waters
Francia
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur International Network Palabras Clave: Metagenómica Resistencia a antibióticos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network (2014)

Congreso
Clinical cases of Mycobacterium tuberculosis in Uruguay boarded by whole genome sequencing
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 8 Palabras Clave: Genómica Mycobacterium Patógenos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)

Congreso
Evolución genómica de la patogenicidad y el tropismo de tejido en el género Campylobacter
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 8 Palabras Clave: Campylobacter Genómica Patogenicidad
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

XX Congreso Latinoamericano de Microbiología (2010)

Congreso
Detección de Campylobacter fetus venerealis mediante múltiplex PCR
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 8 Palabras Clave: Campylobacter Diagnóstico Microbiología
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Diseño de una PCR múltiplex para detectar Pseudomonas aeruginosa y Mycobacterium avium en agua potable (2022)

Candidato: Milly Bruzo
Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
IRAOLA G.
Bioquimico Clinico / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Química / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Palabras Clave: PCR Microbiología
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Bacteriología

Rol del microbioma intestinal en el mecanismo de la remisión temprana de la diabetes mellitus tipo 2 ocasionada por la cirugía bariátrica (2021)

Candidato: Fernando Slamovitz
Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
IRAOLA G. , VIOLA M.
Ingeniería en Biotecnología / Sector Educación Superior/Privado / Universidad ORT Uruguay / Facultad de Ingeniería / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Palabras Clave: Microbioma intestinal Diabetes Cirugía bari?trica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbioma
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología de la Salud

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	83

Artículos publicados en revistas científicas	58
Completo	58
Trabajos en eventos	21
Libros y Capítulos	1
Capítulos de libro publicado	1
Textos en periódicos	3
Periodicos	3
PRODUCCIÓN TÉCNICA	**12**
Productos tecnológicos	5
Con registro o patente	1
Trabajos técnicos	1
Otros tipos	6
EVALUACIONES	**32**
Evaluación de proyectos	7
Evaluación de eventos	2
Evaluación de publicaciones	20
Evaluación de convocatorias concursables	2
Jurado de tesis	1
FORMACIÓN RRHH	**12**
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	5
Tesis/Monografía de grado	3
Tesis de maestria	2
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	7
Tesis de doctorado	5
Orientación de posdoctorado	2