



Curriculum Vitae

Juan Antonio CEDANO RODRÍGUEZ



Actualizado: 17/07/2017

Publicado: 20/07/2017

Sistema Nacional de Investigadores

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas

Categorización actual: Nivel I

Ingreso al SNI: Asociado(01/06/2014)

Datos generales

Información de contacto

E-mail: jcedano@unorte.edu.uy

Teléfono: 47337133

Institución principal

Laboratorio inmunología / Regional Norte - UDeLaR / Universidad de la República / Uruguay

Dirección institucional

Dirección: Regional Norte - UDeLaR / Gral. Rivera 1350 / 50.000 / Salto / Salto / Uruguay

Teléfono: (+598) 47337133

E-mail/Web: jcedano@unorte.edu.uy / <http://www.unorte.edu.uy/>

Formación

Formación en marcha

Formación académica/Titulación

Posgrado

1996 - 2001	<p>Doctorado</p> <p>Doctor en Biología</p> <p>Universidad Autonoma de Barcelona , España</p> <p>Título: "Rediseño de la eficiencia catalítica y de la termorresistencia de la &#946;(1-3)(1-4)glucanasa de Bacillus licheniformis"</p> <p>Tutor/es: Enrique Querol</p> <p>Becario de: Ministerio de Educación y Ciencia , España</p> <p>Sitio web de la Tesis: http://www.tdx.cat/bitstream/handle/10803/3490/jacr1de4.pdf;jsessionid=D7F40EDF1176EB46DA34EB531D8</p> <p>Áreas del conocimiento: Ingeniería y Tecnología / Biotecnología Industrial / Bioproductos, Biomateriales, Bioplásticos, Biocombustibles, Bioderivados, etc. / enzimas</p>
1994 - 1996	<p>Maestría</p> <p>Master en Bioingeniería</p> <p>Universitat Politecnica de Catalunya , España</p> <p>Título: "Análisis de señales electrocardiográficas en tiempo real"</p> <p>Sitio web de la Tesis: 1996</p> <p>Áreas del conocimiento: Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Control Automático y Robótica / Cibernética</p>

1994 - 1995

Maestría

Master en Biotecnología

Universidad Autonoma de Barcelona , España

Título: "Diseño de tres programas para la predicción por computador de características conformacionales, localización y función de proteínas a partir de secuencia"

Tutor/es: Enrique Querol

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Grado

1986 - 1991

Grado

Licenciatura en Biología

Universidad Autonoma de Barcelona , España

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología

Formación complementaria

Postdoctorado

6 / 2017 - 7 / 2017

La conexión mente-Cuerpo, a través de las 5 leyes biológicas

Universidad Nacional de Rosario , Argentina

Palabras clave: Mente cuerpo; Modelos sistemas vivos

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos

Cursos corta duración

8 / 2015 - 8 / 2015

Curso Profesional Intensivo Sobre las Cinco Leyes Biológicas Aplicadas

Universidad Central del Ecuador , Ecuador

Palabras clave: Modelos sistemas vivos; BioPsicología

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Psicosomática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Leyes Biológicas

Construcción institucional

• Participación como integrante de la mesa del área, hasta 2014. • Bice-director del departamento de Ciencias Biológicas, desde el 2014. • Participo en la reunión de docentes de las diferentes áreas de RN y Asistentes Académicos de CUP por integración Salto-Paysandú en miras al CENUR, realizadas a partir de febrero de 2012. • Participación en varias reuniones para la elaboración del PRET, del CENUR del Litoral, en febrero de 2012. • Participación en varias reuniones para la constitución de una comisión de ética para experimentación humana en el CENUR-Litoral. • Participación en comisión para la elaboración de estructura académicas.

Idiomas

Catalán

Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Español

Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Inglés

Entiende (Bien) / Habla (Bien) / Lee (Bien) / Escribe (Bien)

Areas de actuación

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Ingeniería de proteínas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Patología / Cáncer

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / Psicosomática

Actuación Profesional

Cargos desempeñados actualmente

Desde: 10/2011
Directo Lab. Inmuno. (Dept. Biotecnología) , (Docente Grado 4 Titular, 40 horas semanales / Dedicación total) ,
Universidad de la República , Uruguay

Universidad de la República , Universidad de la República , Uruguay

Vínculos con la institución

10/2011 - Actual, *Vínculo: Directo Lab. Inmuno. (Dept. Biotecnología), Docente Grado 4 Titular, (40 horas semanales / Dedicación total)*

Actividades

10/2013 - Actual

Líneas de Investigación

Nanovehículos proteicos para terapia génica contra el cáncer , Integrante del Equipo

10/2013 - Actual

Líneas de Investigación

Marcadores de contorno de tumor , Coordinador o Responsable

06/2013 - Actual

Líneas de Investigación

Modelos lamarckianos como modelos para entender la vida y la fisiopatología , Coordinador o Responsable

10/2009 - Actual

Líneas de Investigación

Estudio de la ataxia de friedreich , Coordinador o Responsable

10/2006 - Actual

Líneas de Investigación

Extracción de patrones de comportamiento de datos de microarrays , Coordinador o Responsable

10/2006 - Actual

Líneas de Investigación

Diseño de vacunas , Integrante del Equipo

10/2003 - Actual

Líneas de Investigación

Identificación de proteínas Moonlighting (multifuncionales) , Coordinador o Responsable

10/2003 - Actual

Líneas de Investigación

Biofísica de la estructura de proteínas , Integrante del Equipo

01/2007 - 01/2014

Líneas de Investigación

Suite para la identificación automática de patrones MHC II , Coordinador o Responsable

9/2016 - Actual

Docencia , Grado

Introducción a la Biología II (Biología molecular de proteínas) , Asistente , CIO-CT (Ciclo inicial optativo-científico técnico)

09/2015 - Actual

Docencia , Grado

Biopsicología , Responsable , Licenciatura en Biología Humana

08/2014 - Actual

Docencia , Grado

NeuroBiología de la Mente , Responsable , CIO-AS (Ciclo inicial optativo del Área Social)

09/2013 - 11/2013

Docencia , Grado

Bioestadística , Responsable , Medicina Veterinaria

02/2013 - 03/2013

Docencia , Técnico nivel medio

La teoría de la evolución: ¿algo más que simplemente una teoría? , Responsable

Universitat Autònoma de Barcelona , España

Vínculos con la institución

05/2000 - 10/2011, *Vínculo:* Profesor asistente en Bioinformática, (2 horas semanales)

09/2001 - 10/2011, *Vínculo:* Técnico Superior de Apoyo a la Investigación, (40 horas semanales)

09/2001 - 10/2011, *Vínculo:* Jefe de Bioinformática del Servicio de Proteó, (4 horas semanales)

Institut Quimic de Sarria , España

Vínculos con la institución

10/2008 - 10/2011, *Vínculo:* , (2 horas semanales)

Lineas de investigación

Título: Biofísica de la estructura de proteínas

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Biofísica Udelar & UAB(Integrante)

Palabras clave: Biofísica

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Título: Diseño de vacunas

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Objetivo: Este proyecto está muy ligado a la actividad que realizaba en España de transferencia de tecnología con empresas biotecnológicas. En concreto sobre el diseños de vacunas, una parte estaba sometida a secreto industrial y no se podía publicar, pero otros métodos usados para identificar las características más relevantes de los organismos patógeno versus los no patógenos. O la identificación de los péptidos que podrían causar reacciones adversas si se incluyen en las vacunas, son algunas de las cosas estudiadas en este proyecto.

Equipos: Vacunas Bioinf(Integrante)

Palabras clave: Diseño de vacunas

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Vacunas

Título: Estudio de la ataxia de friedreich

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: Esta línea tendría que haber acabado por que el doctorando que la lleva ya defendió su tesis cumpliendo con los objetivos inicialmente planteados. Pero hemos decidido dar un vuelco y después de estudiar todo el complejo proteico implicado en la enfermedad, ahora estudiaremos los genes que pudieran estar implicados en la enfermedad y en la actualidad mal caracterizados para ver si podemos encontrar una vía terapéutica nueva.

Equipos: Frataxin Udelar & UAB(Integrante)

Palabras clave: frataxina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Título: Extracción de patrones de comportamiento de datos de microarrays

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: Este proyecto usa las microarrays depositadas en las bases de datos públicos para extraer conocimiento relevante. Los primeros sistemas extraían variables ocultas en los patrones de expresión entre los genes, permitiendo tener una idea clara unos genes se relacionaban con otros mediante su patrón de expresión. Nuestras últimas aplicaciones ya cruzan datos con otras bases de datos de función de proteínas o de referencias bibliográficas. Pero quizás lo más relevante es que permite tener una idea del complejo funcionamiento de las células humanas independientemente de su procedencia (colon, piel, hueso...), ya que extraer los comportamientos básicos más comunes. Por ejemplo ante condiciones de fuerte estrés el tejido puede crecer (colon o corion) o ulcerarse (epidermis o hueso), y estos comportamientos alternativos son identificados por el sistema y permite conocer los genes implicados, así como entender mejor el proceso, o proponer vías terapéuticas.

Equipos: Bioinf Udelar & UAB(Integrante)

Palabras clave: Microarrays

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Título: Identificación de proteínas Moonlighting (multifuncionales)

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: Este proyecto intenta adentrarse en uno de los problemas de la biología molecular después del proyecto genoma humano. ¿Por qué con sólo 25.000 genes los humanos pueden realizar todas sus funciones cuando originalmente se pensó que se necesitarían 100.000? Una de las posibles explicaciones son las proteínas multifuncionales, existen proteínas que realizar hasta 13 funciones distintas.

Equipos: Moon Udelar & UAB(Integrante)

Palabras clave: Bioinformática

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Título: Marcadores de contorno de tumor

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: Este es un proyecto que acabamos de arrancar, en el que pretendemos por ingeniería de proteína usar varios dominios de la proteína humana Nidogeno1, para usarla de marcador de los contornos de los tumores y reducir la afectación de los tejidos después de la resección tumoral, gracias a que en esta proteína se podría incorporar actividad fluorescente en uno de sus dominios mediante mutagénesis dirigida, y es una proteína con alta afinidad por proteínas de la matriz celular entre ellas el colágeno IV, expresado en altas concentraciones en los límites entre tumor y tejido sano.

Equipos: Inmunoterapia contra el cáncer(Integrante)

Palabras clave: Biotecnología; Cancer

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Sistema Nacional de Investigadores
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biotecnología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / cáncer

Título: Modelos lamarckianos como modelos para entender la vida y la fisiopatología

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: En este proyecto estamos usando una visión lamarckiana de los organismos vivos para intentar entender mejor los procesos biológicos. Suponemos que los procesos de cambio celular y genéticos no se producen por azar sino que siguen patrones definidos por lo que Lamarck llamó el vínculo órgano-función.

Equipos: Mecanismos Lamarckianos(Integrante)

Palabras clave: Biología lamarckiana

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Mecanismos lamarckianos

Título: Nanovehículos proteicos para terapia génica contra el cáncer

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Equipos: Nanotecnología contra el cáncer(Integrante)

Palabras clave: nanotecnología

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Título: Suite para la identificación automática de patrones MHC II

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Objetivo: Se trata de un servidor que automáticamente descarga las librerías de péptidos su afinidad de unión a distintos MHC II. A partir de estos péptidos, entre los que hay muchos identificados erróneamente, es capaz de forma absolutamente no supervisada filtrar de ruido las librerías, construir nuevos patrones y ponerlos a la disposición de la comunidad científica. El trabajo está prácticamente acabado.

Equipos: MHC II(Integrante)

Palabras clave: Bioinformática

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Inmunología

Producción científica/tecnológica

Se ha participado activamente en proyectos de investigación en proyecto de: Bioinformática, Enzimología, Inmunología, Diseño de Vacunas, terapia génica, ingeniería de proteínas, anotación funcional de genes, análisis de microarrays, búsqueda de dianas terapéutica y/o diagnósticas, análisis masivos de genomas, estudio de interacción de proteínas, proteómica, nanomedicina, terapia molecular del cáncer, relación mente-cuerpo en la génesis de la enfermedad, modelos evolutivos... Algunas de las líneas actualmente en activo: • Inmunología: inmunomodulación de tolerancia en cáncer y reproducción. • Biofísica: Estudios sobre las propiedades físicas implicadas en la estabilidad de las proteínas y su interacción. • Microarrays: Análisis de microarrays, y obtención de modelos de funcionamiento de las células. • Biotecnología: Con diferentes aplicaciones, por ejemplo en obtención de quimeras proteicas como marcadores de contorno de tumor, o terapia de nula toxicidad como profilaxis para mastitis. • Enfermedades minoritarias: Estudio bioinformático de la Frataxina, a nivel de expresión, interacción y conformacional de las

proteínas que forman los clusters de hierro-azufre usado en la cadena respiratoria. • Mecanismos Lamarckianos: El papel de los mecanismos adaptativos en la fisiopatología. • Inmunoinformática: Caracterización de los patrones de reconocimiento del MHC II humano a partir de datos de proteómica. • Moonlighting proteins: Estudio de la multifuncionalidad de proteínas, predicción, recopilación y evolución. • Nanotecnología: Vehículos proteicos contra el cáncer. Además de la actividad meramente académica, como son la dirección de tesis y las clases, he participado en varios proyectos de transferencia de tecnología a empresas.

Producción bibliográfica

Artículos publicados

Arbitrados

Completo

FRANCO, L; S HERNÁNDEZ; CALVO, A; FERRAGUT G; HERMOSO, A; I AMELA; GÓMEZ A; E QUEROL; JUAN CEDANO

Bioinformatics and Moonlighting Proteins.. Frontiers in Bioengineering and Biotechnology, 2015

Palabras clave: moonlighting proteins; Bioinformática; Asignación de función

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución de la función de las proteínas

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 22964185 ; DOI: 10.3389/fbioe.2015.00090

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/26157797>

Sistema Nacional de Investigadores



Completo

MOZO-VILLARIAS A; JUAN CEDANO; QUEROL E

Vector description of electric and hydrophobic interactions in protein homodimers. European Biophysics Journal (E), 2015

Palabras clave: Termoestabilidad; Hidrofobicidad; Electroestática; Biofísica

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biofísica

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 14321017

Completo

RANZANI S; JUAN CEDANO; I AMELA; FERRAGUT G; A MOZO; E QUEROL

MultitaskProtDB: A Database of Multitasking Proteins. Nucleic Acids Research, 2014

Palabras clave: Bioinformática

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 03051048

Juan Cedano y Sergio Ranzani han contribuido igualmente al presente trabajo



Completo

CÉSPEDES M V; UNZUETA U; TATKIEWICZ W; SÁNCHEZ-CHARDI A; CONCHILLO O; ÁLAMO P; XU Z; CASANOVA I; CORCHERO J L; JUAN CEDANO; PESARRODONA M; GARCÍA-FRUITÓS E; DAURA X; RATERA I; VECIANA J; FERRER-MIRALLES N; VAZQUEZ E; VILLAVERDE A; MANGUES R

In Vivo Architectonic Stability of Fully de Novo Designed Protein-Only Nanoparticles. ACS Nano, 2014

Palabras clave: nanotecnología; Cancer

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 19360851

María Virtudes Céspedes ††, Ugutz Unzueta ‡§, Witold Tatkiwicz ‡, Alejandro Sánchez-Chardi #, Oscar Conchillo-Solé §, Patricia Álamo ††, Zhikun Xu ‡§, Isolda Casanova ††, José Luis Corchero ‡§, Mireia Pesarrodonna ‡§, Juan Cedano , Xavier Daura §, Imma Ratera ‡, Jaume Veciana ‡, Neus Ferrer-Miralles ‡§, Esther Vazquez ‡§, Antonio Villaverde ‡§*, and Ramón Mangues ††



Completo

UNZUETA U; SACCARDO P; DOMINGO-ESPÍN J; JUAN CEDANO; CONCHILLO-SOLÉ O; GARCIA-FRUITOS E; CÉSPEDES MV; CORCHERO J L; DAURA X; MANGUES R; FERRER-MIRALLES N; VILLAVERDE A; VAZQUEZ E

Sheltering DNA in self-organizing, protein-only nano-shells as artificial viruses for gene delivery.. *Nanomedicine*, 2014

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 15499634

<http://www.nanomedjournal.com/article/S1549-9634%2813%2900595-9/abstract>



SCOPUS

Completo

HUERTA M; MUNY M; EXPÓSITO D; QUEROL E; JUAN CEDANO

MGDB: crossing the marker genes of a user microarray with a database of public-microarrays marker genes.. *Bioinformatics (Oxford, England)*, 2014

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 13674803



SCOPUS

Completo

A MOZO-VILLARIAS; JUAN CEDANO; QUEROL E

A model of protein association based on their hydrophobic and electric interactions.. *PLoS ONE*, v.: 17-9(10), 2014

Medio de divulgación: Internet ; Lugar de publicación: <http://www.plosone.org> ; ISSN: 19326203 ; DOI: 10.1371



SCOPUS



Completo

CASANOVA, O; HUERTA M; BARCHINO, R; FLORES, J; E QUEROL; JUAN CEDANO

Studying the complex expression dependences between sets of coexpressed genes.. *BioMed Research International*, 2014

Palabras clave: Microarrays; Bioinformática; Clustering

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 23146133 ; DOI: 10.1155/2014/940821

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC4132326/>



SCOPUS



Completo

CALVO, A; S HERNÁNDEZ; FERRAGUT G; FRANCO, L; HERMOSO, A; I AMELA; GÓMEZ A; E QUEROL; JUAN CEDANO

Can bioinformatics help in the identification of moonlighting proteins?. *Biochemical Society Transactions*, v.: 42 6, p.: 1692 - 1697, 2014

Palabras clave: moonlighting proteins; Proteínas multifuncionales

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 03005127 ; DOI: 10.1042/BST20140241



SCOPUS



Completo

I AMELA; DELICADO P; GÓMEZ A; E QUEROL; JUAN CEDANO

A dynamic model of the proteins that form the initial iron-sulfur cluster biogenesis machinery in yeast mitochondria. *Protein Journal*, v.: 32, p.: 183 - 196, 2013

Palabras clave: frataxina

ISSN: 15723887

Juan Cedano: corresponding author



SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

DOMINGO-ESPÍN J; PETEGNIEF V; DE VERA N; CONCHILLO O; SACCARDO P; UNZUETA U; VAZQUEZ E; JUAN CEDANO; NEGRO L; DAURA X; PELUFO H; PLANAS A M; VILLAVERDE A; FERRER-MIRALLES N

RGD-based cell ligands for cell-targeted drug delivery act as potent trophic factors. *Nanomedicine*, 2012

Palabras clave: nanomedicina

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / nanotecnología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Ingeniería de proteínas

ISSN: 15499634



SCOPUS

Completo

UNZUETA U; FERRER-MIRALLES N; JUAN CEDANO; ZIKUNG X; PESARRODONA M; SACCARDO P; GARCÍA-FRUITÓS E; DOMINGO-ESPÍN J; K PRADEEP; GUPTA K C; MANGUES R; VILLAVERDE A; VAZQUEZ E

Non-amyloidogenic peptide tags for the regulatable self-assembling of protein-only nanoparticles. *Biomaterials*, 2012

Palabras clave: Biomateriales; Cancer; nanomedicina

Áreas del conocimiento: Ingeniería y Tecnología / Nanotecnología / Nano-procesamiento

ISSN: 01429612



Sistema Nacional de Investigadores

Completo

UNZUETA U; CÉSPEDES MV; FERRER-MIRALLES N; CASANOVA I; JUAN CEDANO; CORCHERO J L; DOMINGO-ESPÍN J; VILLAVERDE A; MANGUES R; VAZQUEZ E

Intracellular CXCR4(+) cell targeting with T22-empowered protein-only nanoparticles. *International Journal of Nanomedicine*, 2012

Palabras clave: nanomedicina; Cancer; HIV

ISSN: 11769114

SCOPUS

Completo

DOMINGO-ESPIN J; VAZQUEZ E; GANZ J; CONCHILLO O; GARCIA-FRUITOS E; JUAN CEDANO; DAURA X; VILLAVERDE A
Nanoparticulate architecture of protein-based artificial viruses is supported by protein-DNA interactions. *Nanomedicine*, 2011

Palabras clave: nanomedicina

ISSN: 15499634

<http://www.futuremedicine.com/doi/abs/10.2217/nnm.11.28?journalCode=nm>



SCOPUS

Completo

GOMEZ A; JUAN CEDANO; AMELA I; PLANAS A; PINOL J; QUEROL E

Gene Ontology Function prediction in Mollicutes using Protein-Protein Association Networks. *BMC Systems Biology*, 2011

ISSN: 17520509



SCOPUS

Completo

GOMEZ A; HERNANDEZ S; JUAN CEDANO; AMELA I; PINOL J; QUEROL E

Do protein protein interaction databases identify moonlighting proteins?. *Molecular bioSystems*, 2011

Lugar de publicación: MOlecular BioSystems ; ISSN: 17422051

SCOPUS

Completo

MUIXI L; GAY M; MUNOZ-TORRES P M; GUITART C; JUAN CEDANO; JARAQUEMADA D

The peptide-binding motif of HLA-DR8 shares important structural features with other type 1 diabetes-associated alleles. *Genes and immunity*, 2011

ISSN: 14664879



SCOPUS

Completo

FERRER-MIRALLES N; CORCHERO J L; KUMAR P; JUAN CEDANO; GUPTA K C; VILLAVARDE A; VAZQUEZ E

Biological activities of histidine-rich peptides; merging Biotechnology and Nanomedicine.. *Microbial Cell Factory*, v.: 10, p.: 101, 2011

ISSN: 14752859

<http://www.microbialcellfactories.com/content/10/1/101/abstract>



SCOPUS

Completo

CORCHERO J L; JUAN CEDANO

Self-assembling, protein-based intracellular bacterial organelles: emerging vehicles for encapsulating, targeting and delivering therapeutical cargoes. *Microbial Cell Factory*, v.: 10, p.: 92, 2011

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 14752859

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC3247854/?tool=pubmed>

Jose Luis Corchero y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo



SCOPUS

Completo

I AMELA; S HERNÁNDEZ; JUAN CEDANO; J PIÑOL; J A PEREZ-PONS; A MOZO-VILLARIAS; E QUEROL

Do moonlighting proteins belong to the intrinsic disordered proteins class?. *Journal of Proteomics and Bioinformatics*, v.: 5 11, p.: 262 - 264, 2011

ISSN: 0974276X

SCOPUS

Completo

AMELA I; DELICADO P; GOMEZ A; BONAS S; QUEROL E; JUAN CEDANO

DockAnalyse: an application for the analysis of protein-protein interactions.. *BMC Structural Biology*, 2010

Lugar de publicación: BMC structural Biology ; ISSN: 14726807



SCOPUS

Completo

JUAN CEDANO; YANES O; FERRER-NAVARRO M; BRONSOMS S; QUEROL E; AVILES F X

MAPI: a server for improving protein identification from a four matrices mass spectrometry approach. *Current Proteomics*, 2010

Lugar de publicación: Current proteomics ; ISSN: 15701646

Oscar Yanes y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo



SCOPUS

Completo

VAZQUEZ E; ROLDAN M; DIEZ-GIL C; UNZUETA U; JUAN CEDANO; VILLAVERDE A

Protein nanodisk assembling and intracellular trafficking powered by an arginine-rich (R9) peptide. *Nanomedicine*, 2010

ISSN: 15499634



SCOPUS

Completo

HERNANDEZ S; GOMEZ A; JUAN CEDANO; QUEROL E

Bioinformatics annotation of the hypothetical proteins found by omics techniques can help to disclose additional virulence factors. *Current Microbiology*, 2009

ISSN: 03438651



SCOPUS

Completo

HUERTA M; JUAN CEDANO; PENA D; RODRÍGUEZ A; QUEROL E

PCOPGene-Net: holistic characterisation of cellular states from microarray data based on continuous and non-continuous analysis of gene-expression relationships. *BMC Bioinformatics*, 2009

ISSN: 14712105

Sistema Nacional de Investigadores

Mario Huerta y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo



SCOPUS

Completo

HUERTA M; JUAN CEDANO; QUEROL E

NCR-PCOPGene: An Exploratory Tool for Analysis of Sample-Classes Effect on Gene-Expression Relationships. Adv Bioinformatics, 2008

Lugar de publicación: *Adv Bioinformatics* ; ISSN: 16878027

Mario Huerta y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo

Completo

HUERTA M; JUAN CEDANO; QUEROL E

Analysis of nonlinear relations between expression profiles by the principal curves of oriented-points approach. *Journal of Bioinformatics and Computational Biology*, 2008

Lugar de publicación: *J Bioinform Comput Biol* ; ISSN: 17576334

Completo

AMELA I; JUAN CEDANO; QUEROL E

Pathogen proteins eliciting antibodies do not share epitopes with host proteins: a bioinformatics approach. PLoS ONE, 2007

ISSN: 19326203



SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

JUAN CEDANO; HUERTA M; ESTRADA I; BALLLLOSER A F; CONCHILLO O; QUEROL E

A web server for automatic analysis and extraction of relevant biological knowledge. *Computers in Biology and Medicine*, 2007

Lugar de publicación: *Comput Biol Med* ; ISSN: 00104825

Mario Huerta y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo



SCOPUS

Completo

GARGALLO R; JUAN CEDANO; MOZO-VILLARIAS A; QUEROL E; OLIVA B

Study of the influence of temperature on the dynamics of the catalytic cleft in 1,3-1,4-beta-glucanase by molecular dynamics simulations. *Journal of Molecular Modeling*, 2006

ISSN: 09485023

Ramón Gargallo y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo

SCOPUS

Completo

MOZO-VILLARIAS A; JUAN CEDANO; QUEROL E

Hydrophobicity Density Profiles to Predict Thermal Stability Enhancement in Proteins. *The Protein Journal*, v.: 25, p.: 529 - 535, 2006

ISSN: 15734943

<http://www.springerlink.com/content/w63m40108gv88678/>

Completo

MOZO-VILLARIAS A; JUAN CEDANO; QUEROL E

A simple electrostatic criterion for predicting the thermal stability of proteins. *Protein Engineering*, v.: 16 4, p.: 279 - 286, 2003

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 02692139

<http://peds.oxfordjournals.org/content/16/4/279.long>

THOMSON
ISI

SCOPUS

Completo

GOMEZ A; DOMEDEL N; JUAN CEDANO; PINOL J; QUEROL E

Do current sequence analysis algorithms disclose multifunctional (moonlighting) proteins?. *Bioinformatics (Oxford, England)*, v.: 19, p.: 895 - 896, 2003

ISSN: 13674803

<http://bioinformatics.oxfordjournals.org/content/19/7/895.long>

THOMSON
ISI

SCOPUS

Completo

FERRER-SOLER L; JUAN CEDANO; QUEROL E; DE LLORENS R

Cloning, expression and purification of human epidermal growth factor using different expression systems. *Journal of Chromatography B*, v.: 788, p.: 113 - 123, 2003

Medio de divulgación: Internet ; ISSN: 03784347

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1570023202010358>

Completo

JUAN CEDANO

Modelos informáticos para entender la evolución: Mecanismos de evolución adaptativa facilitada. *Arbor*, v.: 172 677, p.: 101 - 125, 2002

ISSN: 02101963

<http://arbor.revistas.csic.es/index.php/arbor/article/view/1071/1078>

THOMSON
ISI

SCOPUS

latindex

Completo

GOMEZ A; JUAN CEDANO; OLIVA B; PINOL J; QUEROL E

The gene causing the Best's macular dystrophy (BMD) encodes a putative ion exchanger. *DNA Sequence*, v.: 5 6, p.: 431 - 435, 2001

ISSN: 10425179

THOMSON
ISI

SCOPUS

Completo

ALOY P; JUAN CEDANO; OLIVA B; E QUEROL; AVILES FX

'TransMem': a neural network implemented in Excel spreadsheets for predicting transmembrane domains of proteins.. Computer applications in the biosciences, v.: 13 3, p.: 231 - 234, 1997

Palabras clave: Bioinformática; Localización Celular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 02667061



SCOPUS

Completo

JUAN CEDANO; ALOY P; PEREZ-PONS J; E QUEROL

Relation between amino acid composition and cellular location of proteins. . Journal of Molecular Biology, v.: 266 3, p.: 594 - 600, 1997

Palabras clave: Bioinformática

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel ; ISSN: 00222836



SCOPUS

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

CLOTET J; JUAN CEDANO; E QUEROL

An Excel spreadsheet computer program combining algorithms for prediction of protein structural characteristics.. Computer applications in the biosciences, v.: 10 5, p.: 490 - 500, 1994

Palabras clave: Bioinformática

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

ISSN: 02667061



SCOPUS

Resumen

GOMEZ A; JUAN CEDANO; ESPADALER J; HERMOSO A; PINOL J; QUEROL E

Prediction of protein function improving sequence remote alignment search by a fuzzy logic algorithm. Protein Journal, 2008

Lugar de publicación: Protein ; ISSN: 15723887



SCOPUS

Artículos aceptados

Trabajos en eventos

Resumen

HERNÁNDEZ-RUSSO, Z.; STERLA S.; JUAN CEDANO

INDICATORS OF GASTROINTESTINAL NEMATODES INFECTION IN SHEEP , 2015

Evento: Internacional , Congreso Internacional de Parasitología Neotropical (IV COPANEO) , Lima , 2015

Medio de divulgación: Papel;

<http://icopa2014.org/pdf/abstracts/2040.pdf>

Evaluaciones

Evaluación de Proyectos

2015

Institución financiadora: Aspectos de la dinámica de proteínas mono y politépicas en relación con su estabilidad y función

Cantidad: Menos de 5

FONCyT (Proyectos de Investigación Científica y Tecnológica)

Formación de RRHH

Tutorías concluidas

Posgrado

Tesis de doctorado

Análisis Bioinformático de las proteínas Multifuncionales (moonlighting) , 2016

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Sergio Hernández Ranzani

Universitat Autònoma de Barcelona , España , Biotecnología

Palabras clave: Proteínas multifuncionales

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Pais/Idioma: España/Español

Tesis de doctorado

Studying glucocorticoid paradox using expression data , 2016

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Mario Huerta

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Doctor en Biología

Palabras clave: Microarrays; Cancer

Pais/Idioma: España/Inglés

Tesis de doctorado

Bioinformatics Approaches to Protein Interaction and Complexes: Application to Pathogen-Host Epitope Mimicry to Fe-S Cluster Biogenesis Model , 2013

Nombre del orientado: Issac Amela Abellan

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Doctor en Biología

Palabras clave: Cluster Hierro-Azufre; Bioinformática; Diseño de vacunas

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Pais/Idioma: España/Español

Tesis de maestría

Extracción de patrones de datos de microarray análisis para el estudio de los cambios fenotípicos , 2008

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Mario Huerta Casado

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Master en Biotecnología

Palabras clave: Cancer; Bioinformática; Microarrays

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Análisis de Microarrays

Medio de divulgación: Internet, *Pais/Idioma:* España/Español

Tesis de maestría

ANÁLISIS BIOINFORMÁTICO DE LA FRATAXINA Y DE OTRAS PROTEÍNAS PROBABLEMENTE IMPLICADAS EN LA ATAXIA DE FRIEDREICH , 2007

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Issac Amela Abellan

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Master en Biotecnología

Palabras clave: Culster Hierro-Azufre; Bioinformática

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Medio de divulgación: Microfilme, *Pais/Idioma:* España/Español

Tesis de doctorado

Bioinformatics prediction of protein function from sequence , 2007

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Antonio Gomez Moruno

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Doctor en Biología

Palabras clave: Bioinformática

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Medio de divulgación: Internet, *Pais/Idioma:* España/Inglés

http://ibb.uab.es/ibb/index.php?option=com_jcalpro&Itemid=98&extmode=flyer&date=2007&lang=spanish

Tesis de doctorado

“Estudi bioinformatic de la presentació antigènica de HLA classe II” , 2005

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Pau Marc Muñoz Torres

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Doctor en Estructura y Función de proteínas

Palabras clave: inmunología; Bioinformática

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / inmunologia

Medio de divulgación: Internet, *Pais/Idioma:* España/Inglés

Tesis de maestría

TARGET: un algorisme per al reordenament dels resultats del programa d'homologia remota PSIBLAST , 2001

Nombre del orientado: Antonio Gomez Moruno

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Master en Biotecnología

Palabras clave: Bioinformática; Anotación funcional de proteínas

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Medio de divulgación: Otros, *Pais/Idioma:* España/Catalán

Grado

Tesis/Monografía de grado

INTERFAZ WEB PARA ESTUDIAR EL EFECTO DE DIFERENTES CONDICIONES SOBRE LA EXPRESIÓN DE LOS GENES , 2011

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: José Fernández Márquez

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Licenciatura en Ingeniería Informática

Palabras clave: Bioinformática

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Análisis de Microarrays

Medio de divulgación: Internet, *Pais/Idioma:* España/Español

http://ddd.uab.cat/pub/trerecpro/2011/hdl_2072_169777/PFC_JoseFernandezMarquez+_presentacio.pdf

Tesis/Monografía de grado

“Arqueología genética; Buscando los rastros de la evolución en regiones no codificantes”. , 2009

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Toni Peña Alba

Universidad Autonoma de Barcelona , España , Licenciatura en Ingeniería Informática

Palabras clave: Bioinformática

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / genética

Medio de divulgación: Otros, *Pais/Idioma:* España/Español

Tutorías en marcha

Posgrado

Tesis de doctorado

Delimitación por fluorescencia de tejido tumoral usando Nidogeno-1 modificada por ingeniería de proteínas , 2016

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Gabriela Ferragut

Facultad de Química - UDeLaR , Uruguay , Doctorado en Química (UDELAR-PEDECIBA)

Palabras clave: Nidogeno; Cancer; Biotecnología

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / Psicosomática

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Otros datos relevantes

Premios y títulos

2011 Premio Argón 2011 (Nacional) para trabajos entre institutos y profesorado de la UAB.

“Análisis de datos de microarrays para la investigación biomédica” presentada por Laura Ciero Salinas de l'INS Pere Barnils (Centelles), tutorizada por Rosa M. Boleda Relats. Tutores UAB: Juan Cedano y Mario Huerta

Jurado/Integrante de comisiones evaluadoras de trabajos académicos

Tesis

Candidato: Darío Racedo Altamiranda

PALAS C; JUAN CEDANO

Rol del cuerpo en la terapia Bioenergética , 2015

Tesis (Psicología) - Facultad de Psicología - UDeLaR - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Palabras clave: Psicosomática

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / Psicosomática

Tesis/Monografía de grado

Candidato: Valentina Nieves Bengoechea

JUAN CEDANO; PALAS C

Trabajo Final de Grado: Accidente Cerebrovascular , 2016

Tesis/Monografía de grado () - Facultad de Psicología - UDeLaR - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Palabras clave: Neurobiología; Accidentes CerebroVasculares; Infantes

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / ACV

Presentaciones en eventos

Congreso

EFFECTOS ANTIPROLIFERATIVOS DE ACEITE ESENCIAL DE _EUGENIA UNIFLORA L. (PITANGA) , 2017

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 1

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Congreso Nacional Biociencias 2017;

Palabras clave: Plantas nativas; Actividad biológica

Biología Botánica Biología molecular

Congreso

UN MODELO SIMPLIFICADO DE ASOCIACIÓN DE PROTEÍNAS BASADO EN SUS INTERACCIONES HIDROFÓBICAS Y ELÉCTRICAS , 2017

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 1

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Congreso Nacional Biociencias 2017;

Palabras clave: Estabilidad de proteínas; Biofísica

Biofísica Estabilidad de proteínas

Congreso

Estudio in vitro del efecto de Baccharis trimera (carqueja) como antiparasitario de ovinos , 2017

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 1

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Congreso Nacional Biociencias 2017;

Palabras clave: Actividad biológica; Parasitología

Areas del conocimiento: Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Congreso

Estudio de las proteínas multifunción (moonlighting proteins) , 2017

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 1

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Congreso Nacional Biociencias 2017;

Palabras clave: Biología Molecular; Proteínas multifuncionales

Congreso

TRASTORNOS PSICOLÓGICOS: PROCESOS EMERGENTES DE FUNCIONES BIOLÓGICAS COMPLEJAS , 2015

Tipo de participación: Expositor oral, *Carga horaria:* 16

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* III Congreso Uruguayo de Psicoterapia;

Palabras clave: Psicopatología; Psicoterapia

Congreso

A model of protein association based on their hydrophobic and electric interactions , 2015

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 32

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Latin American Crosstalk in Biophysics and Physiology; *Nombre de la institución promotora:* SBF.uy

Palabras clave: Biofísica

Congreso

Regulatable self-assembling of in vivo stable protein nanoparticles using non-amyloidogenic peptide tags. , 2015

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 3

Referencias adicionales: Portugal; *Nombre del evento:* Seventh Annual PEGSeurope, Lisboa;

Palabras clave: Biotecnología; Cancer; Nanopartículas

Congreso

INDICATORS OF GASTROINTESTINAL NEMATODES INFECTION IN SHEEP , 2015

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 12

Referencias adicionales: Perú; *Nombre del evento:* 'Un Mundo, Una Salud: El Impacto Global de la Investigación en Parasitología'; *Nombre de la institución promotora:* IV Congreso Internacional de Parasitología Neotropical, 2015, Lima, Perú

Palabras clave: Parasitosis

Congreso

Presentación de tres posters en las Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias , 2014

Tipo de participación: Poster, *Carga horaria:* 16

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* XV Jornadas de la SUB;

Palabras clave: Biotecnología; Microarrays

Congreso

Can Bioinformatics Help in the Identification of Moonlighting Proteins? , 2014

Tipo de participación: Expositor oral, *Carga horaria:* 24

Referencias adicionales: Inglaterra; *Nombre del evento:* The Biological and Biomedical Consequences of Protein Moonlighting; *Nombre de la institución promotora:* Biochemical Society

Congreso

ATAXIA DE FRIEDREICH: UN MODELO DINÁMICO DE LAS PROTEÍNAS QUE FORMAN LOS CLUSTERS DE HIERRO - AZUFRE. , 2013

Tipo de participación: Expositor oral,

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular 2013 (SBBM, SUB);

Palabras clave: Bioinformática; Bioquímica; Estrés oxidativo; Clusters Hierro-Azufre

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Congreso

META - ANÁLISIS DE LA EXPRESIÓN DE GENÉTICA APLICADO AL ESTUDIO DE LA PROGRESIÓN DE LOS TUMORES Y LA ADMINISTRACIÓN DE GLUCOCORTICOIDES , 2013

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular 2013 (SBBM, SUB);

Palabras clave: Bioinformática; Cancer; Modelos de comportamiento celular

Áreas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Seminario

Nuevos paradigmas científicos para una nueva sociedad , 2003

Tipo de participación: Conferencista Invitado, *Carga horaria:* 40

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Escuela de Invierno de Arapey; *Nombre de la institución promotora:* UDELAR-Regional Norte

Palabras clave: Psicósomática; Física; Biología

Seminario

Conferencias sobre inteligencia genética , 2003

Tipo de participación: Conferencista Invitado, *Carga horaria:* 3

Referencias adicionales: España; *Nombre del evento:* Conferencias sobre ; *Nombre de la institución promotora:* Universidad Autónoma de Madrid

Palabras clave: Evolución; Inteligencia

Encuentro

Conferencias sobre la evolución de los sistemas complejos , 2001

Tipo de participación: Conferencista Invitado, *Carga horaria:* 3

Referencias adicionales: España; *Nombre del evento:* La otra Evolución; *Nombre de la institución promotora:* Universidad Autónoma de Madrid

Palabras clave: Evolución; Lamarck

Indicadores de producción

<i>Producción bibliográfica</i>	41
<i>Artículos publicados en revistas científicas</i>	40
Completo (Arbitrada)	39
Resumen (Arbitrada)	1
<i>Artículos aceptados para publicación en revistas científicas</i>	0
<i>Trabajos en eventos</i>	1
Resumen (No Arbitrada)	1
<i>Libros y capítulos de libros publicados</i>	0
<i>Textos en periódicos</i>	0
<i>Documentos de trabajo</i>	0
<i>Producción técnica</i>	0
<i>Productos tecnológicos</i>	0
<i>Procesos o técnicas</i>	0
<i>Trabajos técnicos</i>	0
<i>Otros tipos</i>	0
<i>Evaluaciones</i>	1
Evaluación de Proyectos	1
<i>Formación de RRHH</i>	11
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas</i>	10
Tesis de maestría	3
Tesis de doctorado	5
Tesis/Monografía de grado	2
<i>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha</i>	1
Tesis de doctorado	1