Curriculum Vitae

Gonzalo Andrés MORATORIO LINARES

Actualizado: 31/08/2016

Publicado: 20/02/2017

Sistema Nacional de Investigadores

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas

Categorización actual: Nivel I

Ingreso al SNI: Candidato (01/03/2009)

Datos generales

Información de contacto

E-mail: gonzalo.moratorio@pasteur.fr

Institución principal

Institut Pasteur Paris / Francia

Dirección institucional

Sistema Nacional de Investigadores

Dirección: Institut Pasteur Paris / Populations Virales et Pathogenèse, Institut Pasteur, 28 rue du Dr Roux / 75724 / Paris / Francia

Teléfono: (+00331) 45688000

E-mail/Web: moratorio@pasteur.edu.uy

Formación

Formación concluida

Formación académica/Titulación

Posgrado

2009 - 2012 Doctorado

Institut Pasteur de Montevideo, Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Título: Aspectos genómicos y evolutivos del Virus de la Leucosis Bovina

Obtención del título: 2012

Sitio web de la Tesis: PEDECIBA

Palabras clave: Virus de la Leucosis Bovina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Biología Celular y Molecular

2006 - 2008 Maestría

Sistema Nacional de Investigadores

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Título: Aspectos evolutivos de VHC y miembros de la familia Flaviviridae

Tutor/es: Juan Cristina

Obtención del título: 2008

Becario de: Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Especialización

2010 - 2010 Especialización/Perfeccionamiento

University of California San Francisco , Estados Unidos

Obtención del título: 2010

Becario de: Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Palabras clave: Virología, Evolución, Deep Sequencing

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Grado

2001 - 2005 Grado

Licenciatura en Ciencias Biológicas

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Título: Análisis de la variabilidad genética de la proteína F del virus d la hepatitis C

Tutor/es: Juan Cristina

Obtención del título: 2005

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Formación complementaria

Sistema Nacional de Investigadores

Postdoctorado

01 / 2013 Postdoctorado en Laboratorio de Dinámica poblacional de virus y patogénesis

Institut Pasteur Paris , Francia

Becario de: Institut Pasteur de Paris , Francia

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución Experimental

Cursos corta duración

4 / 2012 - 4 / 2012 3rd Human RNA Viruses

Instituto Leloir , Argentina

Palabras clave: RNA; Virus

10 / 2011 - 10 / 2011 Bioinformatics for Phylogenetic Reconstruction in Virology

Hospital de Pediatría “Prof. Dr. Juan P. Garrahan” , Argentina

Palabras clave: filogenia; virología

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

06 / 2010 - 06 / 2010 The Bay Area RNA Club Meeting

University of California San Francisco , Estados Unidos

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

10 / 2009 - 10 / 2009 Evolución y Biología Molecular Viral

I V I C Fundación Polar , Venezuela

Sistema Nacional de Investigadores

Palabras clave: Evolución Viral

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

2008 - 2008 Viral vectors as genetic vaccines against pathogens (PEDECIBA)

Institut Pasteur de Montevideo, Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

2008 - 2008 Introduction to 3D structure determination in virology

Institut Pasteur de Montevideo, Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

2008 - 2008 HEVAR Viral Vectors as Genetic Vaccines

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2006 - 2006 Analisis de la expresion genica en el desarrollo de platelmintos (PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2006 - 2006 Buenas prácticas en biología molecular

Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud , Panamá

2006 - 2006 Temas de Biología Molecular. Análisis de la expresión génica durante el desarrollo de Platelmintos

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2006 - 2006 Curso Básico de Cultivo de Células (PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2005 - 2005 Evolucion viral (PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2005 - 2005 Evolución del genoma y Herramientas Bioinformáticas (PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2005 - 2005 Filogenia de virus

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2005 - 2005 Curso de técnicas moleculares y radioisotópicas aplicadas al diagnóstico de patologías humanas

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2005 - 2005 Genética Molecular. Regulación de la Expresión Génica (PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2005 - 2005 Phylogeny and Evolution o Viruses (ICGEB-PAHO-RELAB)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Sistema Nacional de Investigadores

2005 - 2005 Regulación Postranscripcional de la Expresión Génica. Aspectos de la Estabilidad del ARNm y la Traducción' PEDECIBA

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2004 - 2004 Introducción a las estrategias biomédicas en el tratamiento y la prevención del cáncer.

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2004 - 2004 Introducción a las herramientas básicas de bioinformática (PEDECIBA)

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

2004 - 2004 Aplicaciones y herramientas de las Biotecnologías

MEC. Instituto de Investigaciones Biológicas «Clemente Estable», Ministerio de Educación y Cultura , Uruguay

2004 - 2004 Inmunidad a tumores: actualización en diseño de inmunoterapias

Facultad de Ciencias - UDeLaR, Universidad de la República , Uruguay

Otras instancias

2011 Congresos

Nombre del evento: 7as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB)

Institución organizadora: Sociedad de Bioquímica y Biología Molecula , Argentina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microbiología

2011 Congresos

Nombre del evento: X Congreso Argentino de Virología

Institución organizadora: Sociedad Argentina de Virología , Argentina

Sistema Nacional de Investigadores

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2011 Congresos

Nombre del evento: 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses

Institución organizadora: Laboratory of Clinical and Epidemiological Virology, Rega Institute for Medical Research K.U. Leuven, Leuven, Belgium , Bélgica

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2009 Congresos

Nombre del evento: 14th INTERNATIONAL CONFERENCE ON HUMAN RETROVIROLOGY: HTLV AND RELATED RETROVIRUSES

Institución organizadora: Uruguay

Palabras clave: HTLV, Virus, BLV

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

2009 Congresos

Nombre del evento: Molecular Biology of Viral Diseases - ICGEB-OPS-RELAB-Facultad de Ciencias

Institución organizadora: ICGEB-OPS-RELAB-Facultad de Ciencias , Uruguay

2009 Congresos

Nombre del evento: Darwin 200

Institución organizadora: Uruguay

Palabras clave: Evolución

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

2008 Congresos

Nombre del evento: IX Congreso de la Sociedad Argentina de Virología

Institución organizadora: SAV , Argentina

2007 Congresos

Nombre del evento: 8th International Symposium on Positive Starnd RNA viruse

Institución organizadora: Europic , Uruguay

2006 Congresos

Nombre del evento: American Society For Virology, Madison, Wisconsin, USA.

Institución organizadora: American Society For Virology , Estados Unidos

2005 Congresos

Nombre del evento: Jornadas de Jóvenes Investigadores de AUGM

Institución organizadora: AUGM , Argentina

Sistema Nacional de Investigadores

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

2005 Congresos

Nombre del evento: VIII Congreso Argentino de Virología

Institución organizadora: Sociedad Argentina de Virología , Argentina

2012 Talleres

Nombre del evento: ICGEB Workshop: 3rd Human RNA Viruses meeting.

Institución organizadora: Argentina

2007 Talleres

Nombre del evento: ICGEB Workshop: Filogenia y Evolución de Virus

Institución organizadora: Uruguay

Construcción institucional

Idiomas

Español

Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Francés

Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Inglés

Sistema Nacional de Investigadores

Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Muy Bien)

Portugués

Entiende (Muy Bien) / Habla (Muy Bien) / Lee (Muy Bien) / Escribe (Bien)

Areas de actuación

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Actuación Profesional

Cargos desempeñados actualmente

Desde: 12/2014

Profesor asociado , (Docente Grado 3 Titular, 30 horas semanales / Dedicación total) , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Desde: 01/2013

PostDoc , (40 horas semanales) , Institut Pasteur Paris , Francia

Universidad de la República , Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Vínculos con la institución

01/2005 - 12/2005, *Vínculo:* Ayudante, Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

07/2005 - 11/2005, *Vínculo:* Guía de Espacio Ciencia, No docente (25 horas semanales)

01/2006 - 12/2007, *Vínculo:* Ayudante, Docente Grado 1 Interino, (20 horas semanales)

05/2009 - 01/2015, *Vínculo:* Asistente, Docente Grado 2 Titular, (40 horas semanales / Dedicación total)

12/2014 - Actual, *Vínculo:* Profesor asociado, Docente Grado 3 Titular, (30 horas semanales / Dedicación total)

Actividades

Sistema Nacional de Investigadores

01/2004 - Actual
Líneas de Investigación , Laboratorio de Virología Molecular, CIN, Facultad de Ciencias , Laboratorio de Virología Molecular

Evolución molecular del Virus de la Hepatitis C , Integrante del Equipo

01/2004 - Actual
Líneas de Investigación , Laboratorio de Virología Molecular, CIN, Facultad de Ciencias , Laboratorio de Virología Molecular

Evolución y epidemiología molecular del Virus de la Hepatitis A , Integrante del Equipo

08/2005 - Actual

Docencia , Grado

Virología Molecular , Asistente , Licenciatura Bioqímica/Ciencias Biológicas

03/2008 - 08/2012

Docencia , Grado

Introducción a Biología , Responsable

03/2011 - 03/2011

Docencia , Maestría
Molecular Biology of Viral Diseases - ICGEB-OPS-RELAB-Facultad de CIencias , Organizador/Coordinador , Curso de Postgrado

09/2005 - 09/2005

Docencia , Maestría
Técnicas Moleculares y Radioisotópicas aplicadas al diagnóstico de patologías humanas , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Sistema Nacional de Investigadores

03/2009 - 03/2009

Docencia , Doctorado

Molecular Biology of Viral Diseases , Asistente , Curso de Postgrado

03/2007 - 03/2007

Docencia , Doctorado

Molecular Biology of Viral Diseases , Asistente , Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

04/2010 - 10/2010
Pasantías , Universidad de California, San Francisco, Estados Unidos , Andino Lab, Departamento de Microbiología e Inmunología

Análisis de la dinámica de cuasiespecies virales mediante secuenciado profundo

01/2007 - 12/2007

Extensión

Charlas a escuelas y liceos del barrio Malvin norte sobre Dengue y su prevención

01/2004 - 12/2005

Extensión , Colegio y Liceo San Juan Bautista

Charlas de divulgación científica

01/2005 - Actual

Capacitación/Entrenamientos dictados , Centro de Investigaciones Nucleares , Laboratorio de Virología Molecular
Colaboración en la formación de los pasantes de grado del Laboratorio (Martínez M, Dubra A, Fajardo A, D Andrea L y Álvarez M)

11/2010 - Actual

Gestión Académica , Facultad de Ciencias , LAboratorio de Virología Molecular

Titular de la Comisión Directiva

03/2010 - 10/2012

Gestión Académica , Facultad de Ciencias , Centro de Investigaciones Nucleares

Miembro de Comisión directiva

01/2011 - Actual
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Variabilidad genética y evolución molecular de Rotavirus: su impacto en la enfermedad y en el desarrollo de nuevas vacunas , Integrante del Equipo

Sistema Nacional de Investigadores

06/2013 - 06/2015
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Estudio de la variabilidad genética de los retrovirus endógenos Humanos y su posible implicancia en la leucemia Linfoide Crónica (LLC) , Integrante del Equipo

06/2013 - 06/2015
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Análisis de factores genéticos determinantes en la respuesta a la terapia antiviral contra el Virus de la Hepatitis C , Integrante del Equipo

06/2013 - 06/2015
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Secuenciación masiva de estirpes del virus influenza A , Integrante del Equipo

05/2011 - 04/2013
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Diagnóstico Molecular de Virosis emergentes de gran impacto en salud pública , Integrante del Equipo

01/2009 - 12/2011
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Molecular Detection and Population Dynamics of Influenza A virus from animal reservoirs and human populations , Coordinador o Responsable

Sistema Nacional de Investigadores

01/2009 - 12/2010

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Biofísica de Proteínas

Análisis proteómico del virus de la Leucosis Bovina , Integrante del Equipo

01/2008 - 12/2010
Proyectos de Investigación y Desarrollo , Facultad de Ciencias, UdelaR , Laboratorio de Virología Molecular, Centro de Investigaciones Nucleares
Variabilidad genética y evolución molecular de virus de Influenza A en Uruguay , Integrante del Equipo

01/2005 - 12/2007

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Centro de Investigaciones Nucleares , Laboratorio de Virología Molecular
RLA/6/050, Establecimiento de un red de control de calidad y genotipificación de enfermedades transmitidas por insectos en América Latina , Coordinador o Responsable

01/2005 - 12/2005

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Centro de Investigaciones Nucleares , Laboratorio de Virología Molecular
Variabilidad genética de enterovirus: su importancia en relación con la diabetes tipo 1 en niños uruguayos , Integrante del Equipo

01/2004 - 12/2005

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Centro de Investigaciones Nucleares , Laboratorio de Virología Molecular

Genetic variability of Hepatitis C virus in the Latin American Region , Integrante del Equipo

Institut Pasteur de Montevideo , Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Vínculos con la institución

07/2007 - 10/2012, Vínculo: Asistente Técnico, (30 horas semanales)

Actividades

06/2008 - Actual

Líneas de Investigación , Plataforma Biología Estructural , Unidad de Bifísica de Proteínas
Aspectos genómicos y estructurales del Virus de la Leucosis Bovina/ Desarrollo de Kit Diagnóstico nacional , Integrante del Equipo

07/2007 - 01/2010

Proyectos de Investigación y Desarrollo , Plataforma Biología Estructural , Unidad de Bifísica de Proteínas
Leucosis Bovina Enzootica: alternativas de control y desarrollo de nuevas herramientas de diagnóstico , Integrante del Equipo

Universidad Católica del Uruguay Dámaso Antonio Larrañaga , Universidad Católica del Uruguay Dámaso Antonio Larrañaga , Uruguay

Sistema Nacional de Investigadores

Vínculos con la institución

03/2008 - 11/2009, *Vínculo:* Responsable de Bioq y Biol Cel-Nutrición, (30 horas semanales)

Actividades

03/2008 - 11/2009

Docencia , Maestría

Bioquímica y Biología Celular , Responsable , Maestría de Nutrición

Organización Internacional de Energía Atómica , Perú

Vínculos con la institución

12/2006 - 12/2006, *Vínculo:* Profesor, (30 horas semanales)

Actividades

12/2006 - 12/2006

Docencia , Especialización

Biología Molecular Viral , Invitado , Curso Buenas Prácticas de Laboratorio

Institut Pasteur Paris , Francia

Vínculos con la institución

01/2013 - Actual, Vínculo: PostDoc, (40 horas semanales)

Sistema Nacional de Investigadores

Actividades

01/2013 - Actual

Líneas de Investigación , Departamento de Virología, Institut Pasteur Paris , Dinámica poblacional de virus y patogénesis

Atenuación de virus de ARN por redirección de su evolución , Coordinador o Responsable

01/2016 - Actual

Docencia , Maestría

Responsable , Maestría en Virología Fundamental

12/2014 - 12/2014

Docencia , Especialización

Hands-on course on High-Throughput Sequencing data analysis , Invitado

Lineas de investigación

Título: Aspectos genómicos y estructurales del Virus de la Leucosis Bovina/ Desarrollo de Kit Diagnóstico nacional

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Título: Atenuación de virus de ARN por redirección de su evolución

Tipo de participación: Coordinador o Responsable

Título: Evolución molecular del Virus de la Hepatitis C

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Título: Evolución y epidemiología molecular del Virus de la Hepatitis A

Tipo de participación: Integrante del Equipo

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Proyectos

2011 - Actual

Título: Variabilidad genética y evolución molecular de Rotavirus: su impacto en la enfermedad y en el desarrollo de nuevas vacunas, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Desarrollo

Sistema Nacional de Investigadores

Alumnos:

Financiadores: Institución del exterior / Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2004 - 2005

Título: Genetic variability of Hepatitis C virus in the Latin American Region, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Juan Cristina(Responsable)

Financiadores: Institución del exterior / ICGEB-OPS-RELAB / Apoyo financiero

2005 - 2005

Título: Variabilidad genética de enterovirus: su importancia en relación con la diabetes tipo 1 en niños uruguayos, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Laura García(Responsable)

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

2005 - 2007

Título: RLA/6/050, Establecimiento de un red de control de calidad y genotipificación de enfermedades transmitidas por insectos en América Latina, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable,

Sistema Nacional de Investigadores

Tipo: Investigación

Alumnos:

Equipo: Juan Cristina(Responsable)

Financiadores: Institución del exterior / Organismo Internacional de Energía Atómica / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

2009 - 2010

Título: Análisis proteómico del virus de la Leucosis Bovina, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2007 - 2010

Título: Leucosis Bovina Enzootica: alternativas de control y desarrollo de nuevas herramientas de diagnóstico, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Financiadores: Otra institución nacional / Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

2008 - 2010

Título: Variabilidad genética y evolución molecular de virus de Influenza A en Uruguay, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo,

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Financiadores: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2009 - 2011

Título: Molecular Detection and Population Dynamics of Influenza A virus from animal reservoirs and human populations, *Tipo de participación:* Coordinador o Responsable,

Tipo: Desarrollo

Sistema Nacional de Investigadores

Alumnos:

Financiadores: Institución del exterior / Organismo Internacional de Energía Atómica / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2011 - 2013

Título: Diagnóstico Molecular de Virosis emergentes de gran impacto en salud pública, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* El propósito del proyecto es una alianza entre laboratorios de virología básica y laboratorios hospitalarios de diagnóstico que permita el desarrollo, transferencia de tecnología y aplicación de técnicas de biología molecular diagnóstica en virosis emergentes de gran impacto en el Sector Salud. En particular, la emergencia de dos agentes virales en la región, como Dengue e Influenza A, suponen un serio riesgo para la población de nuestro país. El diseño de técnicas moleculares de diagnóstico rápido y su transferencia al Sector Salud constituye una prioridad para enfrentar correctamente la enorme demanda que genera en el laboratorio hospitalario una enfermedad viral emergente. Esto permitirá contar con herramientas de diagnóstico certero y rápido, relevante en el manejo del paciente junto con desarrollo de políticas sanitarias adecuadas. Por consiguiente, la estrategia para este proyecto contemplará la creación y transferencia de técnicas, y la formación de recursos humanos. El departamento de Biología Molecular del Laboratorio de Técnicas Especializadas de la AEPSM ha desarrollado desde 1994 el diagnóstico molecular de agentes infecciosos con el fin de brindar a los clínicos herramientas diagnósticas nuevas y precisas que permitan una adecuada implementación terapéutica. Esto es especialmente útil en aquellos casos donde el cultivo del germen es difícil o de lento desarrollo como Mycobacterium tuberculosis o virus de la familia Herpes. En los últimos años, esta metodología ha evolucionado permitiendo la realización de ensayos cuantitativos cuyo ejemplo más relevante en la clínica es la medición de la carga viral en la infección por HIV, HBV y HCV, con claras implicancias en el seguimiento de la terapéutica. El laboratorio de la AEPSM se ha convertido en un centro de referencia nacional al recibir muestras de la mayoría de los servicios de salud (públicos y privados), contando con una colección y datos clínicos de más de 4.000 muestras de pacientes infectados por distintos microorganismos circulantes en nuestro país. Dada la necesidad de implementar nuevos desarrollos diagnósticos de virosis emergentes de gran impacto en la salud, como Dengue e Influenza A, es de gran importancia establecer una alianza de cooperación con laboratorios de virología básica como los Laboratorios de Virología Molecular del CIN y Regional Norte, con cuyos investigadores existen experiencias previas exitosas de proyectos de investigación conjuntos con la AEPSM. El Laboratorio de Virología Molecular del CIN trabaja en variabilidad genética y evolución molecular de virus con genoma ARN. Este grupo ha estudiado recientemente la variabilidad genética de Virus Dengue (VDEN) en Ecuador, permitiendo establecer la existencia de VDEN tipo 3, que poseen mutaciones en sitios antigénicos de neutralización. Para estos estudios, el laboratorio desarrolló técnicas de diagnóstico molecular basadas en la región NS5 del genoma del virus, que mediante secuenciación permite establecer el serotipo de VDEN, así como determinar si la emergencia está causada por VDEN u otros Flavivirus emergentes en la región sudamericana (Encefalitis de Saint Louis, VNV, YFV). También se ha desarrollado la amplificación del gen E y la región pre-M/C del genoma de VDEN. Estas técnicas de diagnóstico molecular rápido serán transferidas al laboratorio de la AEPSM.

Sistema Nacional de Investigadores

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Equipo: Ricardo Recarey(Integrante); Juan Cristina(Responsable); Rodney Colina(Responsable); Natalia Goñi(Integrante); Alvaro Fajardo(Integrante); Gonzalo Moratorio(Integrante); María del Rosario Uriarte(Responsable); Monica Cappeta(Integrante); Victoria Elizondo(Integrante); Silvana Ifran(Integrante); Gonzalo Manrique(Integrante); Veronica Perez(Integrante); Susana Boschi(Integrante); Maria Noel Zubillaga(Integrante)

Financiadores: Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Apoyo financiero

Otra institución nacional / Asociación Española - Primera de Socorros Mutuos / Apoyo financiero

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

2013 - 2015

Título: Análisis de factores genéticos determinantes en la respuesta a la terapia antiviral contra el Virus de la Hepatitis C, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* FMV-ANII Jefe del Proyecto: Pilar Moreno

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

2013 - 2015

Título: Estudio de la variabilidad genética de los retrovirus endógenos Humanos y su posible implicancia en la leucemia Linfoide Crónica (LLC), *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* FCE-ANII Jefe del Proyecto: Pilar Moreno

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

2013 - 2015

Título: Secuenciación masiva de estirpes del virus influenza A, *Tipo de participación:* Integrante del Equipo, *Descripción:* FMV-ANII Jefe del Proyecto: Juan Cristina

Tipo: Desarrollo

Alumnos:

Producción científica/tecnológica

Sistema Nacional de Investigadores

Durante mi estancia Postdoctoral en el Institut Pasteur Paris me encuentro trabajando en la alteración racional de la robustez genética de virus de ARN, de forma de modelar su 'fitness landscapes'. En el laboratorio de Virología Molecular del Centro de Investigaciones Nucleares, Facultad de Ciencias, nos encontramos trabajando en el área de Evolución y Genómica Viral, principalmente de virus ARN. Los virus cuyo genoma está constituido por ARN poseen una gran variabilidad genética, la cual les otorga una gran adaptabilidad. Dichos virus circulan in vivo como una compleja población de variantes fuertemente relacionadas genéticamente, comúnmente denominadas cuasiespecies. Nuestro objetivo es contribuir a comprender las bases moleculares de la variación genética viral, la dinámica poblacional, y cómo estos fenómenos influyen en la patogénesis causada por estos agentes. Asimismo consideramos de fundamental importancia comprender el significado evolutivo de estos procesos, así como contribuir en el diseño de nuevas estrategias antivirales que contemplen la alta mutabilidad y adaptabilidad de los virus ARN. Por todo lo que antecede, es que estudiamos como modelos, en nuestro laboratorio, el Virus de la Hepatitis C (VHC), el virus de la Hepatitis A, el virus Dengue y virus de Gripe A y B. Principalmente he trabajado en VHC, este pertenece a la familia Flaviviridae y es el agente causal más importante de hepatitis post-transfusional, no-A, no-B, en todo el mundo. Más de 170 millones de personas están infectadas. VHC tiene una gran variabilidad genética y al menos seis tipos diferentes y un número cada vez mayor de sub-tipos han sido reportados. El genotipo de VHC es un importante factor a tener en cuenta a la hora de estudiar la resistencia a la terapia. Estudios realizados por nuestro grupo con cepas aisladas en Uruguay y en la región, revelaron la presencia de un nuevo linaje genético dentro del genotipo 1 y demostraron por primera vez la diversificación de VHC en la región sudamericana. Las caracterización de estas estirpes será de fundamental importancia para comprender la evolución de VHC en nuestro país y en la región. A su vez diferencias en los genotipos son relevantes a la hora del diagnóstico y terapia para cada paciente, en este campo fue que desarrollé mis estudios de maestría. Por otro lado, también me encuentro asociado a la unidad de Biofísica de Proteínas del Instituto Pasteur de Montevideo, aquí desarrollé mis estudios de Doctorado trabajando con el Virus de la Leucosis Bovina (VLB). Analizamos este agente desde un enfoque multidisciplinario en dónde llevamos a cabo diferentes estudios de índole estructural, celular y evolutivo. De este modo pretendemos, por primera vez, caracterizar las estirpes circulantes en el Uruguay e investigar posibles correlaciones de las mismas con diferentes fenotipos que esta enfermedad presenta en el ganado lechero, principalmente, y ocasiona pérdidas importantes para la industria. A su vez llevamos a cabo diversos estudios mediante la expresión de diferentes proteínas virales, las cuales son de gran interés diagnóstico como la glicoproteína de superficie viral gp51, y su caracterización, como también análisis de las partículas virales.

Sistema Nacional de Investigadores

Producción bibliográfica

Artículos publicados

Arbitrados

Completo

STAPLEFORD KA; MORATORIO, G.; HENNINGSSON R; CHEN R; MATHEUS S; ENFISSI A; WEISSGLAS-VOLKOV D; ISAKOV O; BLANC H; MOUNCE BC; DUPONT-ROUZEYROL M; SHOMRON N; WEAVER S; FONTES M; ROUSSET D; VIGNUZZI M
Whole-Genome Sequencing Analysis from the Chikungunya Virus Caribbean Outbreak Reveals Novel Evolutionary Genomic Elements. PLoS Neglected Tropical Diseases, 2016

Palabras clave: WGS; Chikungunya Virus; Evolution

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 19352735

Completo

MCDONALD S; BLOCK A; BEAUCOURT S; MORATORIO, G.; VIGNUZZI M; PEERSEN OB
Design of a Genetically Stable High Fidelity Coxsackievirus B3 Polymerase That Attenuates Virus Growth in Vivo. Journal of Biological Chemistry, 2016

Palabras clave: plus-stranded RNA virus; polymerase fidelity; protein engineering; vaccine development; viral polymerase; virology

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Sistema Nacional de Investigadores

ISSN: 00219258

Completo

MOUNCE BC; POIRIER EZ; PASSONI G; SIMON-LORIERE E; CESARO T; PROT M; STAPLEFORD KA; MORATORIO, G.; SAKUNTABHAI A; LEVRAUD JP; VIGNUZZI M
Interferon-Induced Spermidine-Spermine Acetyltransferase and Polyamine Depletion Restrict Zika and Chikungunya Viruses. Cell Host and Microbe, 2016

Palabras clave: RNA virus replication; Spermidine-Spermine Acetyltransferase; Polyamine Depletion

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 19313128

Completo

MOUNCE BC; CESARO T; MORATORIO, G.; HOOIKAAS PJ; YAKOVLEVA A; WERNEKE SW; SMITH EC; POIRIER EZ; SIMON-LORIERE E; PROT M; TAMIETTI C; VITRY S; VOLLE R; KHOU C; FRENKIEL MP; SAKUNTABHAI A; DELPEYROUX F; PARDIGON N; FLAMAND M; BARBA-SPAETH G; LAFON M; DENISON MR; ALBERT ML; VIGNUZZI M
Inhibition of polyamine biosynthesis is a broad-spectrum strategy against RNA viruses. Journal of Virology, 2016

Palabras clave: Polyamine biosynthesis; RNA viruses

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 0022538X

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

ECHEVERRÍA N; BETANCOUR G; GáMBARO F; HERNáNDEZ N; LóPEZ P; CHIODI D; SáNCHEZ A; BOSCHI, S.; FAJARDO A; SÓÑORA, M.; MORATORIO, G.; CRISTINA J; MORENO P
Naturally occurring NS3 resistance-associated variants in hepatitis C virus genotype 1: Their relevance for developing countries.. Virus Research, 2016

Palabras clave: DAAs; HCV variability; Resistance-associated variants

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 01681702

Completo

CRISTINA J; FAJARDO A; SÓÑORA, M.; MORATORIO, G.; MUSTO H

A detailed comparative analysis of codon usage bias in Zika virus. Virus Research, 2016

Palabras clave: Codon bias; codon usage; Evolution; Zika

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 01681702

Completo

FAJARDO A; SÓÑORA, M.; MORENO P; MORATORIO, G.; CRISTINA J

Bayesian coalescent inference reveals high evolutionary rates and diversification of Zika virus populations. Journal of Medical Virology, 2016

Palabras clave: Zika; bayesian; coalescent; Evolution; microcephaly

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 01466615

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

COMAS, V.; MORATORIO, G.; SÓÑORA, M.; GOÑI N; PEREYRA S; IFRAN, S.; MORENO P; CRISTINA J

Phylogenetic analysis of the neuraminidase gene of pandemic H1N1 influenza A virus circulating in the South American region. Virus Research, 2015

Palabras clave: Evolution; Influenza A virus; Neuraminidase; Pandemic

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 01681702

Completo

ECHEVERRÍA N; MORATORIO, G.; CRISTINA J; MORENO P

Hepatitis C virus genetic variability and evolution. World Journal of Hepatology, 2015

Palabras clave: Antiviral therapy; Evolution; Hepatitis C virus; Quasispecies; RNA; Recombination

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 19485182

Completo

BORDERÍA AV; ISAKOV O; MORATORIO, G.; HENNINGSSON R; AGÜERA-GONZÁLEZ S; ORGANTINI L; GNÄDIG NF; BLANC H; ALCOVER A; HAFENSTEIN S; FONTES M; SHOMRON N; VIGNUZZI M

Group Selection and Contribution of Minority Variants during Virus Adaptation Determines Virus Fitness and Phenotype. PLOS Pathogens, 2015

Palabras clave: Virus adaptation; Virus fitness

Sistema Nacional de Investigadores

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 15537366

Completo

POIRIER EZ; MOUNCE BC; ROZEN-GAGNON K; HOOIKAAS PJ; STAPLEFORD KA; MORATORIO, G.; VIGNUZZI M

Low-Fidelity Polymerases of Alphaviruses Recombine at Higher Rates To Overproduce Defective Interfering Particles. Journal of Virology, 2015

Palabras clave: RNA polymerase; Fidelity

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 0022538X

Completo

FISCHER, S.; ECHEVERRÍA N; MORATORIO, G.; LANDONI AI; DIGHIERO G; CRISTINA J; OPPEZZO P; MORENO P
Human endogenous retrovirus np9 gene is over expressed in chronic lymphocytic leukemia patients. Leukemia Research Reports, 2014

Palabras clave: CLL; HERVs; np9

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 22130489

Completo

CRISTINA J; MORENO P; MORATORIO, G.; MUSTO H

Genome-wide analysis of codon usage bias in Ebolavirus. Virus Research, 2014

Palabras clave: Codon bias; codon usage; Ebola; Evolution

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 01681702

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

MORATORIO, G.; FISCHER, S.; BIANCHI S; TOME, L.; RAMA, G.; OBAL G; CARRIÓN, F.; PRITSCH O; CRISTINA J
A detailed molecular analysis of complete bovine leukemia virus genomes isolated from B-cell lymphosarcomas.. Veterinary Research, 2013

Palabras clave: *Bovine Leukemia Virus; Lymphosarcoma*

Areas del conocimiento: *Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución*

ISSN: *09284249*

Completo

MORATORIO, G.; IRIARTE, A.; MORENO P; MUSTO H; CRISTINA J
A detailed comparative analysis on the overall codon usage patterns in West Nile virus.. Infection, Genetics and Evolution, 2013

Palabras clave: West Nile Virus ; codon usage

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

ISSN: 15671348

Completo

RAMA, G.; PRITSCH O; ADRIEN, M.L.; MORATORIO, G.; MEIKLE, A.
Análisis del descenso de anticuerpos en el periparto y su impacto en el diagnóstico serológico de la Leucosis Enzoótica Bovina. Veterinaria (Montevideo), 2012

Sistema Nacional de Investigadores

Palabras clave: Virus de la Leucosis Bovina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 03764362

Completo

GOÑI N; MORATORIO, G.; COPPOLA L; RAMAS V; COMAS, V.; SÓÑORA, M.; CHIPARELLI H; CRISTINA J
Bayesian coalescent analysis of pandemic H1N1 influenza A virus circulating in the south american region. Virus Research, 2012

Palabras clave: coalescencia; Evolución Viral; Influenza A

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución, Influenza A

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 01681702 ; *DOI:* 10.1016/j.virusres.2012.09.002

Completo

RECAREY R; MORATORIO, G.; COLINA R; CAPPETA, M.; URIARTE, R.; MUSTO H; CRISTINA J

Phylogenetic Analysis of Coxsackie B Viruses Reveals Genomic Plasticity and Adaptation as Studied by Codon Usage Patterns. Journal of Medical Microbiology and Diagnosis, 2012

Palabras clave: codon usage

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 21610703 ; *DOI:* 10.4172-2161-0703.s4-001

Completo

GOÑI N; IRIARTE, A.; COMAS, V.; SÓÑORA, M.; MORENO P; MORATORIO, G.; MUSTO H; CRISTINA

Pandemic influenza A virus codon usage revisited: biases, adaptation and implications for vaccine strain development.. Virology Journal, 2012

Palabras clave: Influenza Virus; codon usage; H1N1

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 1743422X

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

GOÑI N; MORATORIO, G.; RAMAS V; COPPOLA L; CHIPARELLI H; CRISTINA J

Phylogenetic analysis of pandemic 2009 influenza A virus circulating in the South American region: genetic relationships and vaccine strain match.. Archives of Virology, 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN: 03048608*

Completo

MARTÍNEZ M; TORT LF; MORATORIO, G.; LEITE JP; VOLOTÃO ED; RECAREY R; MUSTO H; CRISTINA J

Analysis of human P[4]G2 rotavirus strains isolated in Brazil reveals codon usage bias and strong compositional constraints.. Infection, Genetics and Evolution, 2011

Palabras clave: Rotavirus; Uso de codones

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 15671348

Completo

Sistema Nacional de Investigadores

MORATORIO, G.; OBAL G; BIANCHI S; CORREA A; DUBRA, A.; BUSCHIAZZO A; CRISTINA J; PRITSCH O

Phylogenetic analysis of bovine leukemia viruses isolated in south america reveals diversification in seven distinct genotypes. . Archives of Virology, 2010

Palabras clave: Bovine Leukemia Virus, Evolution, GP51

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Biología Celular y Molecular, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN: 03048608*

Completo

TORT LF; VOLOTÃO ED; MORATORIO, G.; CRISTINA J; LEITE JP

Phylogenetic analysis of human P[8]G9 rotavirus strains circulating in Brazil reveals the presence of a novel genetic variant.. Journal of clinical virology : the official publication of the Pan American Society for Clinical Vir, 2010

Palabras clave: Rotavirus, Evolución

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 13866532

Completo

SULBARÁN, MZ; DI LELLO, F; SULBARÁN, Y; COSSOM, C; LOUREIRO, C; RANGEL, R; CANTALOUBE, JF; CAMPOS, RH; MORATORIO, G.; CRISTINA J; PUJOL, FH

Genetic history of Hepatitis C virus in Venezuela: high diversity and long time of evolution of HCV genotype 2. PLoS ONE, 2010

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 19326203

Sistema Nacional de Investigadores

Completo

RAMIREZ A; FAJARDO A; MORATORIO, G.; CRISTINA ; LIPRANDI F

Evolution of dengue virus type 3 genotype III in Venezuela: diversification, rates and population dynamics.. Virology Journal, 2010

Palabras clave: Dengue; Evolution

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 1743422X

Completo

RAMA, G.; MEIKLE, A.; PUENTES, R.; MORATORIO, G.; NICOLINI, P.; PESSINI, P.; FURTADO, A.; PRITSCH O

Estudio comparativo de tres técnicas diagnósticas para la Leucosis Enzoótica Bovina y análisis del efecto de enfermedades concurrentes sobre la fórmula leucocitaria. Veterinaria (Montevideo), *v.:* 46 177, *p.:* 15 - 22, 2010

Palabras clave: Virus de la Leucosis Bovina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Medio de divulgación: Papel ; *Lugar de publicación:* Montevideo, Uruguay ; *ISSN:* 03764362

Completo

GOÑI N; FAJARDO A; COLINA R; MORATORIO, G.; CRISTINA J

Modeling gene sequences over time in 2009 H1N1 Influenza A Virus populations. Virology Journal, 2009

Sistema Nacional de Investigadores

Palabras clave: Influenza A virus Populations, Coalescense theory

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Coalescencia

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 1743422X ; *DOI:* 10.1186

Completo

MORENO P; ALVAREZ M; LOPEZ L; MORATORIO, G.; CASANE D; CASTRO S; CASTELLS M; CRISTINA J; COLINA R

Evidence of recombination in Hepatitis C Virus populations infecting a hemophiliac patient. Virology Journal, 2009

Palabras clave: Hepatitis C Virus, Recombination

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Epidemiología, Evolución

Medio de divulgación: Internet ; *ISSN:* 1743422X ; *DOI:* 10.1186/1743-422X-6-203

Completo

REGATO; RECAREY; MORATORIO, G.; DE MORA; GRACÍA; GONZÁLEZ; MOSQUERA; ALAVA ; FAJARDO ; ALVAREZ MACARENA; D'ANDREA; DUBRA ; MARTÍNEZ; KHAN ; CRISTINA

Phylogenetic análisis of the NS5 gene of Dengue viruses isolated in Ecuador. Virus Research, 2008

Areas del conocimiento: *Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular*

Medio de divulgación: *Papel* ; *ISSN:* *01681702*

Completo

MORATORIO, G.; MARTÍNEZ M; GUTIÉRREZ MF; GONZALEZ K; COLINA R; LÓPEZ-TORT F; LÓPEZ L; RECAREY R; SCHIJMAN AG; MORENO MP; GARCÍA-AGUIRRE L; MANASCERO AR; CRISTINA J

Evolution of naturally occurring 5'non-coding region variants of Hepatitis C virus in human populations of South American region.. Virology Journal, *v.:* 4, *p.:* 79, 2007

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 1743422X

Completo

MORATORIO, G.; COSTA-MATTIOLI; PIOVANI; ROMERO; CRISTINA, J.

Sistema Nacional de Investigadores

Bayesian coalescent inference of Hepatitis A virus populations: evolutionary rates and patterns. Journal of General Virology, *v.:* 88, *p.:* 3039 - 3042, 2007

Palabras clave: Virus de la Hepatitis A; coalescencia

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00221317

Completo

CRISTINA, J.; MORENO; MORATORIO, G.

Hepatitis C virus genetic variability in patients undergoing antiviral therapy. Virus Research, *v.:* 127, *p.:* 185 - 194, 2007

Palabras clave: Virus de la Hepatitis C

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 01681702

Completo

LOPEZ; CRISTINA, J.; LÓPEZ L; MORATORIO, G.; VASQUEZ SILVIA; GARCÍA-AGUIRRE L; CHUNGA AUSBERTO

Hepatitis C virus F protein sequence reveals a lack of functional constraints and a variable pattern of amino acid substitution. Journal of General Virology, *v.:* 86, *p.:* 115 - 120, 2005

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Sistema Nacional de Investigadores

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 00221317

Resumen

MORATORIO, G.; SCHIJMAN, ALEJANDRO; CRISTINA ; LÓPEZ-TORT, FERNANDO; LÓPEZ, LILIA; GARCIA-AGUIRRE, LAURA; COLINA, RODNEY

Analysis of genetic variability of Hepatitis C virus untypeable strains reveals diversification of genotype 1. Revista Argentina de Microbiologia, *v.:* 37 1, *p.:* 22 - 22, 2005

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Medio de divulgación: Papel ; *ISSN:* 03257541

Artículos aceptados

Capitulos de Libro

Capítulo de libro publicado

STAPLEFORD KA; MORATORIO, G.; VIGNUZZI M

Genetic Diversity of Arboviruses , 2015

Libro: Molecular Biology, Evolution and Control.

Editorial: Caister Academic Press

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Trabajos en eventos

Resumen

MORATORIO, G.; BIANCHI S; RAMA, G.; TOME, L.; OBAL G; CRISTINA J; PRITSCH O

Analysis of a complete genomic sequence of BLV strain obtained from a lymphosarcoma , 2011

Evento: Internacional , 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses , Leuven, Bélgica , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Financiación/Cooperación: Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR / Beca

Resumen

OBAL G; LAPAULT, J.; CARRIÓN, F.; TOME, L.; MORATORIO, G.; RAMA, G.; BIANCHI S; PRITSCH O

Sistema Nacional de Investigadores

In vitro characterisation of Bovine Leukemia VIrus capsid protein self-assembly , 2011

Evento: Internacional , 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses , Leuven, Bélgica , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resumen publicado en Retrovirology: HTLV and Related Retroviruses. Leuven and Gembloux, Bélgica, 5-8 de Junio, 2011. En carácter de co-autor

Resumen

RAMA, G.; MORATORIO, G.; GREIF, G.; OBAL G; BIANCHI S; TOME, L.; CARRIÓN, F.; MEIKLE, A.; PRITSCH O

Development of a real time PCR assay using SYBR Green chemistry for bovine leukemia virus detection , 2011

Evento: Internacional , 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses , Leuven, Bélgica , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resumen publicado en Retrovirology: HTLV and Related Retroviruses. Leuven and Gembloux, Bélgica, 5-8 de Junio, 2011. En carácter de co-autor

Resumen

MORATORIO, G.; FISCHER, S.; BIANCHI S; RAMA, G.; TOME, L.; OBAL G; CARRIÓN, F.; MACHADO, M.; PANTANO, S.; CRISTINA J; PRITSCH O

Análisis de la secuencia completa del genoma del virus de la leucosis bovina obtenida a partir de un linfosarcoma , 2011

Evento: Internacional , X Congreso Argentino de Virología , Buenos Aires, Argentina , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Financiación/Cooperación: Institución del exterior / Sociedad Argentina de Virología / Beca

Resume publicado en Revista Argentina de Microbiología, 2011, Vol 43, Suppl. 1

Sistema Nacional de Investigadores

Resumen

TOME, L.; OBAL G; MORATORIO, G.; BIANCHI S; CARRIÓN, F.; RAMA, G.; LIMA, A.; PORTELA, M.; ARBIZA, J.

Análisis proteómico de partículas retrovirales purificadas del virus de la leucosis bovina , 2011

Evento: Internacional , X Congreso Argentino de Virología , 2011

Editorial: Revista de Microbiología , Buenos Aires, Argentina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resume publicado en Revista Argentina de Microbiología, 2011, Vol 43, Suppl. 1

Resumen

RAMA, G.; MORATORIO, G.; GREIF, G.; OBAL G; BIANCHI S; TOME, L.; CARRIÓN, F.; MEIKLE, A.; PRITSCH O
Desarrollo y evaluación de una herramienta de detección y cuantificación del virus de la leucosis bovina mediante PCR en tiempo real con SYBR Green , 2011
Evento: Internacional , X Congreso Argentino de Virología , Buenos Aires, Argentina , 2011

Editorial: Revista de Microbiología , Buenos Aires, Argentina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resume publicado en Revista Argentina de Microbiología, 2011, Vol 43, Suppl. 1

Resumen
OBAL G; LAPAULT, J.; CARRIÓN, F.; TRAJTENBERG, F.; TOME, L.; LARRIEUX, N.; RAMA, G.; MORATORIO, G.; BIANCHI S; PRITSCH O
Hacia la caracterización biofísica y estructural de la proteína de cápside del virus de la leucemia bovina: auto-ensamblado de la cápside retroviral , 2011
Evento: Internacional , X Congreso Argentino de Virología , Buenos Aires, Argentina , 2011

Editorial: Revista de Microbiología , Buenos Aires, Argentina

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resume publicado en Revista Argentina de Microbiología, 2011, Vol 43, Suppl. 1

Resumen

Sistema Nacional de Investigadores

FISCHER, S.; BIANCHI S; RAMA, G.; TOME, L.; OBAL G; CARRIÓN, F.; CRISTINA J; PRITSCH O; MORATORIO, G.
Primer análisis y caracterización del genoma completo del virus de la leucosis bovina abtenido a partir de un linfosarcoma , 2011

Evento: Nacional , 7as JORNADAS DE BIOQUIMICA Y BIOLOGIA MOLECULAR , Montevideo, Uruguay , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Resumen

COMAS, V.; SÓÑORA, M.; MORENO P; MORATORIO, G.; CRISTINA J; GOÑI N
Desarrollo de una estrategia para el análisis de genomas completos de virus influenza a/H1N1 pandémico circulante en Uruguay en el año 2009 , 2011
Evento: Nacional , 7as JORNADAS DE BIOQUIMICA Y BIOLOGIA MOLECULAR , Montevideo, Uruguay , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Resumen

SÓÑORA, M.; COMAS, V.; GOÑI N; MORATORIO, G.; CAPPETA, M.; URIARTE, R.; BOSCHI, S.; CRISTINA J; MORENO P
Optmización de una RT-PCR para la caracterización molecular del virus de Influenza circulante en Uruguay durante la temporada invernal 2011 , 2011
Evento: Nacional , 7as JORNADAS DE BIOQUIMICA Y BIOLOGIA MOLECULAR , Montevideo, Uruguay , 2011

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Resumen

Sistema Nacional de Investigadores

MORATORIO, G.; OBAL G; BIANCHI S; CRISTINA J; PRITSCH O
PHYLOGENETIC ANALYSIS OF BOVINE LEUKEMIA VIRUSES ISOLATED IN SOUTH AMERICA: DIVERSIFICATION OF GENOTYPES AND PRESENCE OF TWO NEW CLADES. , 2009
Evento: Internacional , 14th INTERNATIONAL CONFERENCE ON HUMAN RETROVIROLOGY: HTLV AND RELATED RETROVIRUSES , Salvardor de Bahía, Brasil , 2009
Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Financiación/Cooperación: Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Beca

Resumen

MORATORIO, G.

Evolution of Hepatitis C Virus in the South American region , 2009

Evento: Internacional , Darwin 200 , Maldonado, Uruguay , 2009

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resumen

MORATORIO, G.

Evidencia de recombinAción en poblaciones naturales del Virus de la Hepatitis C (VHC). , 2009

Evento: Internacional , JORNADAS DE BIOQUIMICA Y BIOLOGIA MOLECULAR , Montevideo, Uruguay , 2009

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resumen

MORATORIO, G.

Análisis de la variabilidad genética de la secuencia completa del gen Env-gp51 del Virus de Leucosis Bovina en Uruguay , 2008

Evento: Internacional , IX Congreso Argentino de Virología , Buenos Aires, Argentina , 2008

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Sistema Nacional de Investigadores

Resumen

CRISTINA J; MORATORIO, G.; ROMERO, H.; COSTS-MATTIOLI, M.

Bayesian coalescent inference of hepatitis A virus population: Evolutionary rates and patterns , 2007

Evento: Internacional , 8th International Symposium on Positive Starnd RNA viruses , Washington, USA , 2007

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Resumen

CRISTINA J; MORATORIO, G.; ROMERO, H.; COSTS-MATTIOLI, M.

Hepatitis C Virus F protein sequence reveals a lack of functional constrains and a variable pattern of amino acid substitution , 2006

Evento: Internacional , American Society For Virology , Wisconsin, USA , 2006

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Resumen

MORATORIO, G.

Análisis of genetic variability of Hepatitis C Virus untypeable starins reveals diversification of genotype 1, Resúmen y Poster , 2005

Evento: Internacional , VIII Congreso Argentino de Virología , Buenos Aires, Argentina , 2005

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Resumen

MORATORIO, G.; CRISTINA J; LOPEZ F

Sistema Nacional de Investigadores

Hepatitis C Virus F protein sequence reveals a lack of functional constrains and a variable pattern of amino acid substitution , 2005

Evento: Internacional , VIII Congreso Argentino de Virología , Buenos Aires, Argentina , 2005

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Texto en periódicos

Periodicos

MORATORIO, G.

Diagnóstico rápido de virus dengue por análisis molecular , Uruguay-Ciencia , v: , p: , 2007

Palabras clave: Virus Dengue, Evolución

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Medio de divulgación: Papel; *ISSN/ISBN:* 16883934;

Producción técnica

Otros

Cursos de corta duración dictados

Especialización

Buenas prácticas de laboratorio en biología molecular , 2006

Perú , Español

Tipo de participación: Docente, *Duración:* 2 semanas

Instituto Nacional de Salud , Lima

Institución Promotora/Financiadora: Organismo Internacional de Energía Atómica

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Cursos de corta duración dictados

Otro

Virología Clínica , 2005

Uruguay , Español

Tipo de participación: Docente, *Duración:* 17 semanas

Facultad de Química , Montevideo

Institución Promotora/Financiadora: Facultad de Química-UdelaR

Sistema Nacional de Investigadores

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución, Biología Molecular

Evaluaciones

Evaluación de Proyectos

2010 / 2010

Institución financiadora: ANII

Cantidad: Menos de 5

ANII , Uruguay

Formación de RRHH

Tutorías concluidas

Posgrado

Tesis de maestría

Análisis evolutivo de cepas pandémicas y post pandémicas del virus Influenza A H1N1: Una mirada profunda a la dinámica poblacional de los virus RNA , 2015

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Victoria Comas

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Sistema Nacional de Investigadores

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Grado

Tesis/Monografía de grado

Análisis y caracterización molecular del genoma completo del Virus de la Leucosis Bovina extraído de un linfosarcoma , 2011

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Sabrina Fischer

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Licenciatura en Ciencias Biológicas

Palabras clave: Virus de la Leucemia Bovina; Linfosarcoma

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Tesis/Monografía de grado

Variabilidad genética del virus influenza A H3N2 circulante en Uruguay en la temporada invernal 2011-2012 , 2011

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Martín Sóñora

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Licenciatura en Bioquímica

Palabras clave: Influenza

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Otras

Otras tutorías/orientaciones

Pasantía , 2016

Nombre del orientado: Marín Soñora

Institut Pasteur Paris , Francia

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución Experimental, Bioinformática

Pais/Idioma: Francia/Inglés

Sistema Nacional de Investigadores

Otras tutorías/orientaciones

Pasantía , 2016

Nombre del orientado: María José Benitez

Institut Pasteur Paris , Francia

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución Experimental

Pais/Idioma: Francia/Inglés

Otras tutorías/orientaciones

Pasantía , 2015

Nombre del orientado: Daniela Megrian

Institut Pasteur Paris , Francia

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución Experimental, Bioinformática

Pais/Idioma: Francia/Inglés

Otras tutorías/orientaciones

Tutoría para proyecto Análisis de factores genéticos determinantes en la respuesta a la terapia antiviral contra el virus de la Hepatitis C , 2012

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Natalia Echeverría

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Palabras clave: hepatitis C; respuesta a terapia antiviral; IL28B

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución, hepatitis C

Sistema Nacional de Investigadores

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Otras tutorías/orientaciones

Formación de recursos humanos , 2009

Tipo de orientación: Cotutor o Asesor

Nombre del orientado: Ana Dubra

Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Palabras clave: VLB

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Tutorías en marcha

Posgrado

Tesis de maestría

Robustez mutacional de virus ARN , 2015

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Diego Simon

Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay , Maestría en Bioinformática (UDELAR-PEDECIBA)

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Bioinformática,

Pais/Idioma: Uruguay/Español

Tesis de doctorado

Tesis de Doctorado , 2015

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Lucía Carrau

Université Paris VIII , Francia , Doctorado

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución experimental

Pais/Idioma: Francia/Inglés

Otros datos relevantes

Sistema Nacional de Investigadores

Premios y títulos

2005 Beca para asistir a las XIII Jornadas de Jóvenes Investigadores Asociación de Universidades Grupo Montevideo

2006 Beca para trabajar en Biología molecular de virus Dengue en el Instituto Nacional de Salud de Perú Organización Internacional de Energía Atómica

2007 Beca para finalización de estudios de maestría CSIC CAP

2006 Beca de Maestría (Nacional) Pedeciba

2009 Beca de Doctorado (Nacional) ANII

2009 Categorización en el Sistema Nacional de Investigadores - Candidato a Investigador (Nacional) ANII

2010 6 months Internship at Andino lab,Department of Microbiology and Immunology, UCSF (Internacional) UCSF

6 meses relacionados con estudios de mi doctorado en Andino lab,Department of Microbiology and Immunology, UCSF

2010 Beca movilidad (Nacional) ANII

Financiación para realizar pasantía en el Andino lab,Department of Microbiology and Immunology, UCSF, San Francisco, California

2010 Beca de movilidad del Mercosur (Internacional) Programa de Movilidad MERCOSUR

Pasantía en el Instituto Fiocruz, Río de Janeiro, Brasil.

2011 Beca para participar del 15th International Conference on Human Retroviruses (Internacional) International Conference on Human Retroviruses

15th International Conference on Human Retroviruses, Leuven, Bélgica.

Sistema Nacional de Investigadores

2013 Roux-Cantarini Postdoctoral Fellowships (Internacional) Institut Pasteur Paris

2015 Travel Grant (Internacional) American Society for Virology

American Society for Virology 34th Annual Meeting, Ontario, Canada.

2016 Award of Keystone Symposia RNA Postive Strand Viruses (Internacional) Keystone Symposia

Austin, Texas, USA.

Jurado/Integrante de comisiones evaluadoras de trabajos académicos

Candidato: Mariana García

MORATORIO, G.; TORT LF; COLINA R

Identificación e Investigación de virus gastroentéricos en la cuenca del Río Uruguay , 2012

(Licenciatura en Ciencias Biológicas) - Facultad de Ciencias - UDeLaR - Uruguay

Referencias adicionales: Uruguay , Español

Palabras clave: Virología Ambiental

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Presentaciones en eventos

Congreso

Rational alteration of genetic robustness of CVB3: effects in the evolutionary capacity and viral fitness , 2014

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Bélgica; *Nombre del evento:* Europic (European Picornaviruses Congress);

Congreso

Analysis of a complete genomic sequence of BLV strain obtained from a lymphosarcoma , 2011

Tipo de participación: Poster,
Referencias adicionales: Bélgica; *Nombre del evento:* 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Congreso

In vitro characterisation of Bovine Leukemia VIrus capsid protein self-assembly , 2011

Tipo de participación: Otros,
Referencias adicionales: Bélgica; *Nombre del evento:* 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de Co-autor

Congreso

Sistema Nacional de Investigadores

Development of a real time PCR assay using SYBR Green chemistry for bovine leukemia virus detection , 2011

Tipo de participación: Otros,
Referencias adicionales: Bélgica; *Nombre del evento:* 15th International Conference on Human Retroviruses:HTLV and Related Viruses;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de Co-autor

Congreso

Análisis de la secuencia completa del genoma del virus de la leucosis bovina obtenida a partir de un linfosarcoma , 2011

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* X Congreso Argentino de Virología;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Congreso

Análisis proteómico de partículas retrovirales purificadas del virus de la leucosis bovina , 2011

Tipo de participación: Otros,

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* X Congreso Argentino de Virología;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Congreso

Desarrollo y evaluación de una herramienta de detección y cuantificación del virus de la leucosis bovina mediante PCR en tiempo real con SYBR Green , 2011

Tipo de participación: Otros,

Sistema Nacional de Investigadores

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* X Congreso Argentino de Virología;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Congreso

Hacia la caracterización biofísica y estructural de la proteína de cápside del virus de la leucemia bovina: auto-ensamblado de la cápside retroviral , 2011

Tipo de participación: Otros,

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* X Congreso Argentino de Virología;

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

Congreso

Primer análisis y caracterización del genoma completo del virus de la leucosis bovina abtenido a partir de un linfosarcoma , 2011

Tipo de participación: Otros,
Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 7as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB);

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Congreso
Desarrollo de una estrategia para el análisis de genomas completos de virus influenza a/H1N1 pandémico circulante en Uruguay en el año 2009 , 2011
Tipo de participación: Otros,
Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 7as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB); *Nombre de la institución promotora:* Sociedad de Bioquímica y Biología Molecula
Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Congreso
Optmización de una RT-PCR para la caracterización molecular del virus de Influenza circulante en Uruguay durante la temporada invernal 2011 , 2011
Tipo de participación: Otros,
Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* 7as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB);

Areas del conocimiento: Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología, Evolución

En carácter de co-autor

Congreso
PHYLOGENETIC ANALYSIS OF BOVINE LEUKEMIA VIRUSES ISOLATED IN SOUTH AMERICA: DIVERSIFICATION OF GENOTYPES AND PRESENCE OF TWO NEW CLADES. , 2009
Tipo de participación: Poster,
Referencias adicionales: Brasil; *Nombre del evento:* 14th INTERNATIONAL CONFERENCE ON HUMAN RETROVIROLOGY: HTLV AND RELATED RETROVIRUSES;
Palabras clave: Bovine Leukemia Virus, Evolution, GP51

Congreso

Evolution of Hepatitis C Virus in the South American region , 2009

Tipo de participación: Expositor oral,

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Darwin 200;

Congreso

Evidencia de recombinAción en poblaciones naturales del Virus de la Hepatitis C (VHC). , 2009

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* SBBM congreso;

Congreso
Análisis de la variabilidad genética de la secuencia completa del gen Env-gp51 del Virus de Leucosis Bovina en Uruguay , 2008

Tipo de participación: Expositor,

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* IX Congreso Argentino de Virología;

Congreso
Análisis of genetic variability of Hepatitis C Virus untypeable starins reveals diversification of genotype 1, Resúmen y Poster , 2005

Tipo de participación: Expositor,

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* VIII Congreso Argentino de Virología;

Congreso
Hepatitis C Virus F protein sequence reveals a lack of functional constrains and a variable pattern of amino acid substitution , 2005

Tipo de participación: Expositor,

Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* VIII Congreso Argentino de Virología;

Congreso

Cornering RNA viruses in sequence space

Tipo de participación: Poster,

Referencias adicionales: Estados Unidos; *Nombre del evento:* Europic (European Picornaviruses Congress);

Simposio

Cornering RNA viruses in sequence space , 2016

Tipo de participación: Expositor oral,

Referencias adicionales: Estados Unidos; *Nombre del evento:* Keystone Symposia RNA Positive Strand Viruses;

Sistema Nacional de Investigadores
Sistema Nacional de Investigadores

Simposio

Bayesian coalescent inference of hepatitis A virus population: Evolutionary rates and patterns , 2007

Tipo de participación: Expositor,
Referencias adicionales: Estados Unidos; *Nombre del evento:* 8th International Symposium on Positive Starnd RNA viruses;

Taller

Rational alteration of genetic robustness of CVB3: effects in the evolutionary capacity and viral fitness , 2015

Tipo de participación: Expositor oral,
Referencias adicionales: Estados Unidos; *Nombre del evento:* Virus Evolution Workshop; *Nombre de la institución promotora:* Penn State University

Taller

Reseach Camp , 2015

Tipo de participación: Otros, *Carga horaria:* 40

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Modeling and Data Analysis for the Healthy Human Global Project;

Organizador y participante del Research Camp. Punta del Este, 14-17 de diciembre de 2015.

Taller

Molecular Biology of Viral Diseases , 2009

Tipo de participación: Poster,

Sistema Nacional de Investigadores

Referencias adicionales: Uruguay; *Nombre del evento:* Molecular Biology of Viral Diseases;

Palabras clave: BLV, Genomic, Structural and Proteomic Project

Taller

Evolución Viral, IVIC, Caracas, Venezuela , 2009

Tipo de participación: Expositor oral,

Referencias adicionales: Venezuela; *Nombre del evento:* Evolución Viral, IVIC, Caracas, Venezuela;

Encuentro

Reconstruction of empirical fitness landscapes reveals the mutational robustness and evolvability of biological populations , 2015

Tipo de participación: Expositor oral,

Referencias adicionales: Canadá; *Nombre del evento:* American Society for Virology - 34th Annual Meeting;

Otra

Hepatitis C Virus F protein sequence reveals a lack of functional constrains and a variable pattern of amino acid substitution , 2006

Tipo de participación: Expositor,

Referencias adicionales: Estados Unidos; *Nombre del evento:* American Society For Virology;

Otra

Análisis de la variabilidad genética del Virus de la Hepatitis C revelan una diversificación del genotipo 1 en Sudamérica, Resumen y Poster , 2005

Tipo de participación: Expositor,
Referencias adicionales: Argentina; *Nombre del evento:* XIII Jornadas de Jóvenes Investigadores; *Nombre de la institución promotora:* AUGM

Sistema Nacional de Investigadores

Indicadores de producción

Producción bibliográfica	*54*
Artículos publicados en revistas científicas	*34*
Completo (Arbitrada)	33
Resumen (Arbitrada)	1
Artículos aceptados para publicación en revistas científicas	*0*
Trabajos en eventos	*18*
Resumen (No Arbitrada)	18
Libros y capítulos de libros publicados	*1*
Capítulo de libro publicado	1
Textos en periódicos	*1*
Periodicos	1
Documentos de trabajo	*0*
Producción técnica	*2*
Productos tecnológicos	*0*
Procesos o técnicas	*0*

Trabajos técnicos	*0*
Otros tipos	*2*
Evaluaciones	*1*
Evaluación de Proyectos	1
Formación de RRHH	*10*
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	*8*
Tesis de maestría	1
Tesis/Monografía de grado	2
Otras tutorías/orientaciones	5
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	*2*
Tesis de maestría	1
Tesis de doctorado	1

Sistema Nacional de Investigadores

Sistema Nacional de Investigadores